

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

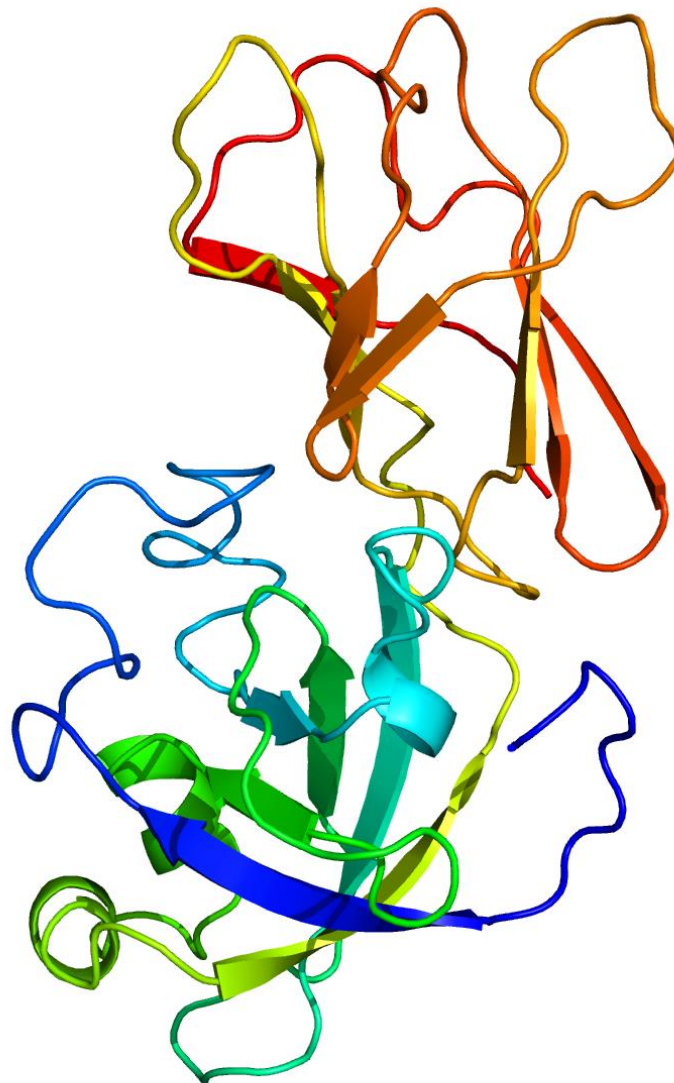
Locus: Medtr2g090265

Gene Model: Medtr2g090265.1

Description: MtrEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

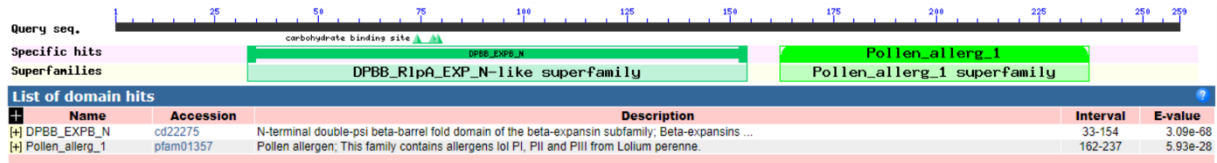
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPB-01

MKHHRVSVLFLLSLCFILARGQSKHSVHFDPHWHPGTATWYGEAEGDGSRRGGACGY
GSLVDVKPLRARVGA VGPVLYKKGEGCGECYKVKCLDHTICSKRAVTVIITDECPGC
PSDRTHFDLSGAAFGHMAVHGENGQLRNRGEIQVLYRRTTCVYAGKNIAFQVNEGS
TPFWLSLLVEFEDGDGDISSMHIQEGSSEWLQMNHLWGANWNIVTGPLRGPFSVKL
STSTGKSLTAKDVIPSHWSPKSTYTSRLNFSP*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPB-01

ATGAAGCACCACCGTGTCTCCGTCTTGTCTTTTAAAGCTTATGCTTCATACTTGCT
CGGGGGCAGTCTAAGCACAGTGTACACTTCGACCCACATTGGCACCCGGGAACC
GCCACCTGGTACGGCGAGGCTGAAGGAGACGGTAGCAGAGGAGGGGCTTGTGGG
TACGGAAGTTTGGTGGATGTGAAGCCGTTAAGGGCAAGAGTAGGGGCAGTGGGG
CCAGTGTGTATAAGAAGGGAGAAGGGTGTGGAGAGTGTTATAAGGTC AAGTGT
TTAGACCATACTATATGCTCAAAACGGGCAGTGACGGTTATAATAACTGATGAAT
GCCCTGGCTGCCCTTCTGACCGAACACATTTTGACCTTAGTGGTGCTGCTTTTGGC
CACATGGCTGTTTCATGGTGAGAATGGTCAACTCAGAAATAGAGGTGAAATCCAA
GTTCTTTATAGAAGAACAACATGTGTATATGCTGGCAAAAATATTGCCTTTCAAG
TTAATGAAGGCTCCACACCATTTTGGTTGTCACCTTCTAGTGGAGTTTGAAGATGG
AGATGGTGACATAAGCTCCATGCATATACAAGAAGCTGGATCTAGTGAGTGGCTA
CAAATGAATCATCTATGGGGTGCAAATTGGAACATTGTTACAGGACCTTTGAGAG
GACCTTTCTCTGTGAAATTAAGCACGTCAACGGGAAAAAGCCTCACTGCTAAAGA
TGTCATTCCAAGTCATTGGTCTCCAAAATCCACTTATACCTCTCGCCTAAATTTCT
CTCCTTGA

Nucleotide

>MtrEXPB-01

AATAAACTACCACTTCAATCATCAAAGTGTCGGTGACACATTTAACTGTTTTCTT
CTTCTTCTTCTTGTCAACTATCTACGGCGGCACGTTAAGTTTTGTCTTCAATCAGA
ATGAAGCACCACCGTGTCTCCGTCTTGTCTTTTAAAGCTTATGCTTCATACTTGCT

CGGGGGCAGTCTAAGCACAGTGTACACTTCGACCCACATTGGCACCCGGGAACC
GCCACCTGGTACGGCGAGGCTGAAGGAGACGGTAGCAGAGGTAAATTCTAAAAT
CTAAATAATAACTGGCTGAGAAGACTCGATGAATTAATTTTAAGTATAGCACTT
ATAGTAGAGTATTCTTTTTATATCGGAAAAAAAAAAGTTTTATTAATAACCGTGGTAT
TAACCATCATTTTGAACATCTTTGAAATTTGAACTCTAGCTTTAAAATATGAAC
TATGTCACCTCACTTTCTAAATATATTAATAATATCATAATGTGTCAGTGTCGTG
TTTAGTGCCCGTGTGTCTAACCTGACTAACCAGCTCGGTATAATGTTTCATTTGTT
GCTAATAAATTTGTTTTATGATGATTTGTTGTTTGTAAAGGAGGGGCTTGTGGGTAC
GGAAGTTTGGTGGATGTGAAGCCGTTAAGGGCAAGAGTAGGGGCAGTGGGGCCA
GTGTTGTATAAGAAGGGAGAAGGGTGTGGAGAGTGTTATAAGGTCAAGTGTTA
GACCATACTATATGCTCAAACGGGCAGTGACGGTTATAATAACTGATGAATGCC
CTGGCTGCCCTTCTGACCGAACACATTTTGACCTTAGTGGTGCTGCTTTTGGCCAC
ATGGCTGTTTATGGTGAAGTGGTCAACTCAGAAATAGAGGTGAAATCCAAGTTC
TTTATAGAAGGTATGCTCATATGATAACTCTTTCTTTAGTTTTTTCAGTATTCTTTGAG
TTTAGAGAAGGGAATTAGTACCTATTTTTACTAGTTTTTTTTTATTTAATGGATCA
GGCTAATAAGCGTCCTTTAGGGCACAAAGGACACTTGTTAATGAAGTAAAAAGA
GGAAAATTTATCTTGAAAAGAATATTGTTTTACTTTTAAAATATTGATTACACATT
TTAAGAAATAATTATTATGTAAATTTTACTTTAGGGCACTCCTTTAACATTTTTTTT
TTCATTTCCACCGTTTTGAGAATGGGTTTCACCTAGAGTAATATGACCTACATAAA
TTTGGCTCATAAGAAGGTGAATGTTTAAAAAAGTGTTAATTAGAATGACTGCTT
CTAGATTTATTTTTATGATAAATCAAGCTAAGACAGATGTGATTAATGGATATA
TGAAAATGCAAAGGCTTAAAGCTGCCGAACGTGGACTAAAAAGAAAGGAATATT
TTTTTAGTGATCTAAAACATTAGTGTTCTTTATGATTGCATTTTTGCAGAACAACA
TGTGTATATGCTGGCAAAAATATTGCCTTTCAAGTTAATGAAGGCTCCACACCAT
TTTGGTTGTCACCTTCTAGTGGAGTTTGAAGATGGAGATGGTGACATAAGCTCCAT
GCATATACAAGAAGTATGCACCTTTCTTTTCTTGTGATATTTATTTACATAGTTTT
TCACTATGTTTTATTCCTTTAAAAAACCTAAACTCCCAATCAATTGAATCTTTGTTA
ATAAAAAAAAAAACCATGCATGTGCCATAAAAATGAAATGCCACTAAAAGGGTC
TTTTGATATGATATATACCAAAGTTATAAGATTTTTTTTATAGCTAAAAGGAATAG
AAGTTGCTCAAACGTGCATTAAGGCATCGTGGTCACTGGTCATATACTTTAATTC
GTGTCAATTGTAGTAACAAGAATGGGCATGGCCAGTGTGTACAATTCCAAATGTT
GTGGATATGTCACCTTGAATCGAAATCACGTGCAATGCCACTTTTGAATATCCT
TTTATATATCTATATCTATCATATGCTATATCCAGAGTGTTATCCTCATATAATGG
TGCTTATTGGTAATCAATATTCCTCTTGGTGTTCCTTTTCTGAATCTTGTGAACCTC
AAAACCATGTGATATATGGGACCTCTATAATGAAAATTATATTCAATTCCTCATT
CTCCCATACAACATATAATCGAAGTTAATATAAACTTTTTAATACTATCAACTAAT
CATATTGTATTAATTTTAAATTAGGTGTCATGAAAGTCAAACATTTATAATGATCA
AATCCATATTGAGACTGAATTAATTGGATATTTTGGTGTTTGGCATGCAGGCTGG
ATCTAGTGAGTGGCTACAAATGAATCATCTATGGGGTGCAAATTGGAACATTGTT
ACAGGACCTTTGAGAGGACCTTTCTCTGTGAAATTAAGCACGTCAACGGGAAAAA
GCCTCACTGCTAAAGATGTCATTCCAAGTCATTGGTCTCCAAAATCCACTTATACC
TCTCGCCTAAATTTCTCTCCTTGAACATAATTAAGCTTACTCCCAAAGGGAGTTGGT
AAATAATATTATAAGCACCTTTTACCAAGATAAAAATAAAGTTATTTAAGTTTCAT
AAGGTTACAAATCCAAGTCTTCAATATGTTGGTAGGGATTTAGGACTCACACAAT
AAGTGCGCAATACAACATCAATCTTGATCGTCAGATTTCAAATTAATAAGATCG
TTTAGAGATAATTTAATTATGCGTGATATAATTTTGGGGTACAAAGGAGTAAGGA

TCCATTAGTTTAAATGAAAGACTGAATTATTAATTATAGAGCCTAAAATGTAGTT
AATGTTTGCA