

## IDENTIFICATION

**Species:** *Capsella grandiflora*

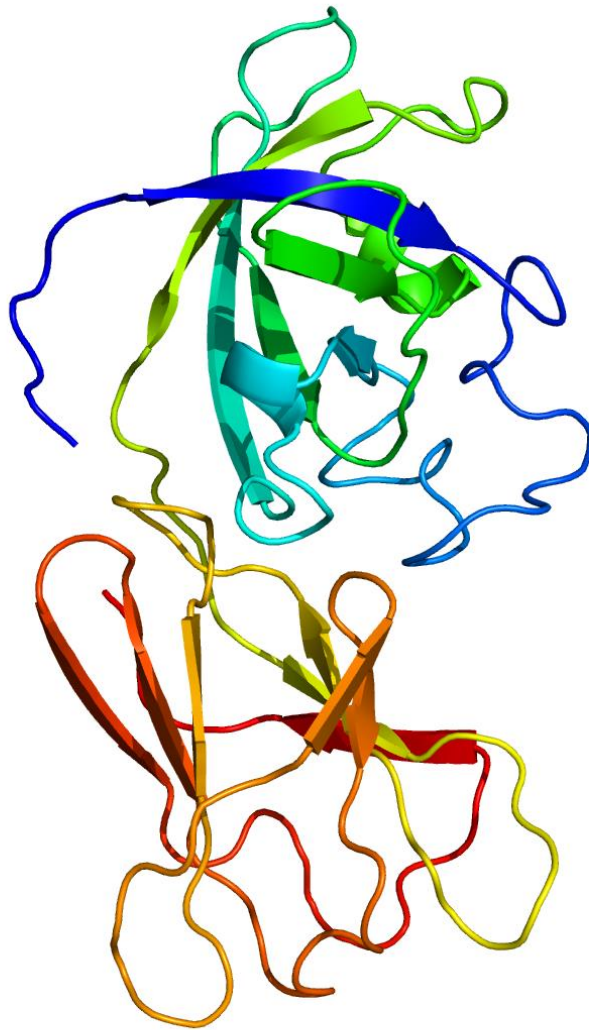
**Locus:** Cagra.3802S0010

**Gene Model:** Cagra.3802S0010.1.p

**Description:** CgrEXPA-18

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



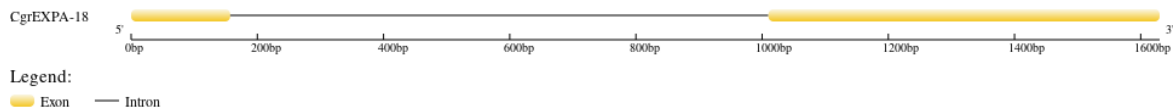
## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cgrandiflora\\_v1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cgrandiflora_v1_1)

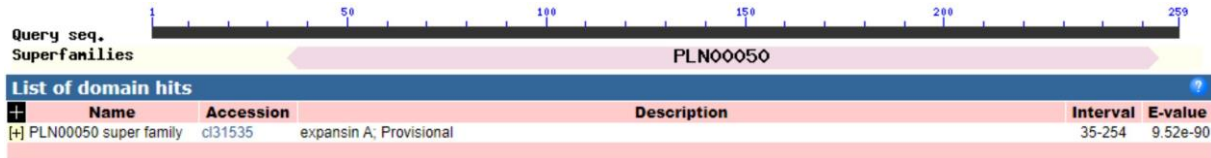
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CgrEXPA-18

MNRTMSFVIVLVILVSVSNLVVAAHVGLTTTDPWDDAHATFYGDINGGETMQGAC  
GYGDLFKEGYGLETAALSTALFNNGKTCGACFELMCVNSQYCKPNAGTIKITATNFC  
PPNYNEPVQYHWCNPPNKHFDLSMKMFLSFAEYRGGIVPVKFRVMCHKRGGVRFE  
IKGNPYFIMVLVYNVGGAGDVTNVEIRGDKSNWIGMSRNWQIWNAGSDLVGQKL  
SFVVRTSDGKSLTFFNVAPENWGFQTYEGTLNF\*

### CDS (coding sequence)

>CgrEXPA-18

ATGAATCGAACAATGAGTTTTGTTATAGTACTTGTGATTCTTGTCTCGGTTTCAAA  
CCTTGTCGTGGCGGCTCATGTCGGTCTTACAACCTACCGACCCTTCTTGGGACGACG  
CACACGCTACGTTCTATGGCGACATTAACGGTGGAGAAACCATGCAAGGAGCAT  
GTGGTTACGGTGACCTATTCAAAGAAGGTTACGGCTTAGAGACCGCAGCACTAAG  
CACAGCTCTATTCAACAACGGGAAGACTTGTGGTGCATGTTTTGAGCTAATGTGT  
GTGAACTCACAATATTGCAAACCTAACGCTGGTACAATCAAATCACAGCTACTA  
ACTTCTGCCCACAACTACAACGAACCTGTTTCAGTACCATTGGTGCAACCCTCC  
TAACAAACACTTCGACTTATCGATGAAAATGTTCCCTTTCGTTCCGCCGAGTACAGA  
GGAGGGATAGTTCCAGTGAAGTTCAGGAGAGTAATGTGTCATAAAAGAGGTGGT  
GTGAGGTTTGAGATTAAGGGCAATCCTTATTTTATCATGGTTTTGGTGTATAACGT  
TGGTGGTGCAGGAGATGTTACTAACGTTGAGATAAGAGGTGATAAGAGTAATTG  
GATTGGTATGAGTAGGAATTGGGGACAAATTTGGAATGCTGGTTCGGACTTGTT  
GGACAAAAGCTCTCGTTTTGTTGTTAGGACAAGTGATGGTAAGAGCTTGACGTTCT  
TTAATGTTGCACCAGAGAATTGGGGGTTTTGGTCAAACCTTATGAAGGAACACTCAA  
TTTTTAG

### Nucleotide

>CgrEXPA-18

ATGAATCGAACAATGAGTTTTGTTATAGTACTTGTGATTCTTGTCTCGGTTTCAAA  
CCTTGTCGTGGCGGCTCATGTCGGTCTTACAACCTACCGACCCTTCTTGGGACGACG  
CACACGCTACGTTCTATGGCGACATTAACGGTGGAGAAACCATGCGTTAGTGTTT  
TTATTATAATGTCTTTTTGTGTGTTTATTGTTTTGCCTTCTAAAAGATTTTTGATTA

TTAGTTTCTTACAAATAAGACTTTTTATATGCTTAAATTTAGAATTTTAAGTTAAA  
TATGTGAAATTATAAAATATTTAATTTAGGGATGGAGTGTAAGGATTTTTGGTTTG  
GTTTCGGTTTGATATTTTTGCCTTATAAAGAGTTTAGATTATTAGTGTCTTTCAAGT  
ATGTAATACTTTTTATATGCTTAAATTTAGTATTTTTGTTTTTGGTAGATGCTTAAA  
TTAATATTTTTAGTTAAATATGTGGAATTATAGAATATTTAGTTTAGGGATGGAG  
CATACGGTTTTTTTTGGTTTGGTTTCGGTTCGATATTTTTGTCTTCTAAAGATTTTTG  
ATTATTAGTGTTTTACAAATAAATACTTTTTATAGGCTCAAATTTAGTATTTCTAGTT  
AAATATGTAGAATTACAAAATTAATTTAGGGGTGGTTGTACGGTTTTTTTTGGTATT  
TTTTACGGTTCGGTTTTTTTCGATTTAAGTTTTACGACAATTAACCATATAGAAA  
TCACTTATATTTAGGTTTGGGTTCTACGGTTGAATAAATTATATTGTAACATAAATG  
ATAAAAGTGTATTATAGTTCTAAACCTCACATGTGTAATTAATTATTGTAAAATG  
GTTATAGATTTATTCATTCATAAGGTTTATTATAAGTAACAAAATCATTTCAGTCA  
CAACTAATTAATTACATGTTTATCATCTAGTTACAATATTATATATACAACAGTT  
TTTTATATGTTTCATGTATCTATTTTTTTTTAATGGTATATAATTTTGGTGTGACAGAA  
GGAGCATGTGGTTACGGTGACCTATTCAAAGAAGGTTACGGCTTAGAGACCGCA  
GCACTAAGCACAGCTCTATTCAACAACGGGAAGACTTGTGGTGCATTTTTGAGC  
TAATGTGTGTGAACCTACAATATTGCAAACCTAACGCTGGTACAATCAAATCAC  
AGCTACTAACTTCTGCCACCAAACCTACAACGAACCTGTTTCAGTACCATTGGTGC  
AACCTCCTAACAAACACTTCGACTTATCGATGAAAATGTTCCTTTCGTTTCGCCGA  
GTACAGAGGAGGGATAGTTCCAGTGAAGTTCAGGAGAGTAATGTGTCATAAAAAG  
AGGTGGTGTGAGGTTTGAGATTAAGGGCAATCCTTATTTTATCATGGTTTTGGTGT  
ATAACGTTGGTGGTGCAGGAGATGTTACTAACGTTGAGATAAGAGGTGATAAGA  
GTAATTGGATTGGTATGAGTAGGAATTGGGGACAAATTTGGAATGCTGGTTCGGA  
CTTGGTTGGACAAAAGCTCTCGTTTTGTTGTTAGGACAAGTGATGGTAAGAGCTTG  
ACGTTCTTTAATGTTGCACCAGAGAATTGGGGGTTTTGGTCAAACCTTATGAAGGAA  
CACTCAATTTTTAG