

IDENTIFICATION

Species: *Asparagus officinalis*

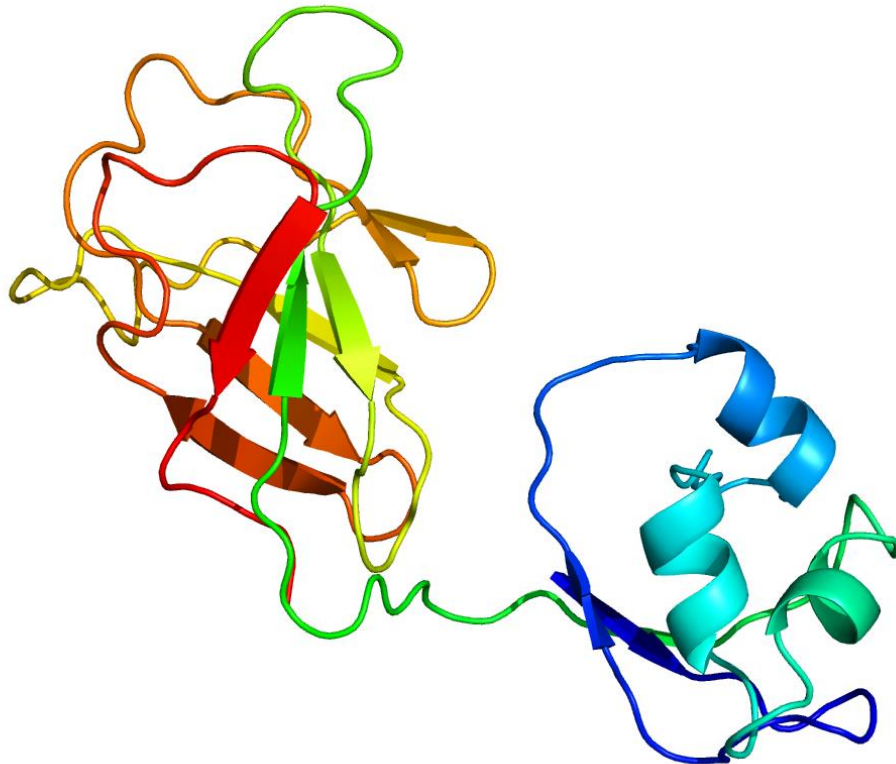
Locus: evm.model.AsparagusV1_04.3276

Gene Model: evm.model.AsparagusV1_04.3276

Description: AofEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis_V1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05243>

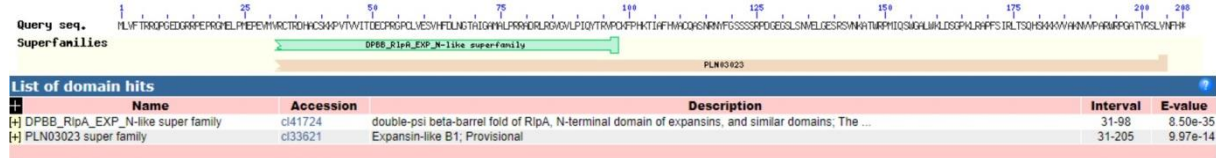
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AofEXPB-01

MLVFTRRQPGEDGRRPEPRGMELPMEPEVMVRCRDHACSKKPVTVVITDECPRGPC
LVESVHFIDLNGTAIGAMALPRRADRLRGVGVLPYQYTRVPCKFPHKTIAFHVACQAS
NRNYFGSSSRPDGEGSLSNVELGESRSVNKATWRPMIQSWGALWKLDSGPKLRAPF
SIRLTSQHSKKKVVAKNVVPRWRPGATYRSLVNFH*

CDS (coding sequence)

>AofEXPB-01

ATGCTAGTCTTTACTCGCCGGCAACCCGGAGAAGATGGTCGCCGGCCGGAGCCAC
GTGGTATGGAGCTGCCAATGGAGCCGGAAGTGATGGTGAGGTGCACAAGAGATC
ATGCCTGTTCCAAAAGCCGGTGACCGTTGTGATCACCGACGAATGCCCCAGGGG
TCCGTGTCTAGTGGAGTCCGTACATTCGATCTCAACGGCACCGCGATCGGGGCG
ATGGCCTTGCCCCGCCGTGCTGATCGTCTGCGGGGTGTCGGAGTTCTACCTATCCA
ATACACACGCGTCCCCTGCAAATTCCTCACAAAACCATCGCCTTCCACGTCGCA
TGTCAGGCTTCGAACCGCAACTACTTCGGGTCCTCGTCGAGTCGCCCTGACGGAG
AGGGAAGCCTCAGCAACGTCGAGCTCGGCGAGTCAAGGTCAGTCAACAAGGCCA
CGTGGCGACCAATGATACAATCCTGGGGTGCACGTGGAAGCTTGATTCAGGGCC
GAAGCTGAGGGCTCCGTTCTCGATAAGGCTGACGTCGCAGCACTCGAAGAAGAA
GGTGGTCGCCAAGAATGTAGTTCCGGCCAGGTGGCGGCCGGGGGCCACTTACAG
GTCTCTTGTTAATTTCCACTAG

Nucleotide

>AofEXPB-01

ATGCTAGTCTTTACTCGCCGGCAACCCGGAGAAGATGGTCGCCGGCCGGAGCCAC
GTGGTATGGAGCTGCCAATGGAGCCGGAAGTGATGGTAATTAATTAGATGAAAT
ATGAATGAATGCGTCCATACGTACATACTA ACTTCATACATAAGAGCATATAATG
TGATGTAAAGGCTAATTAATTACCAGATTGGTATATTTAGTTACTATTATAAA
CAAGAAGGTATATATTCTTACTCTGGCGCCACAAAAGGTGCGGAAATTGATAAA
GTCTTGACAGCAAGGTACCCCTTGTTGGCGGTGAGTTTTTGGGCGATCTAAATTA
GGAGTTTTTGCATAATGTACCCCTCAAATTTCTCATATTTACAAATACAACCTCC
AAATCTTGATATTTGATTGAAAAAGAACCCTCTCTCTCCTCGGTCTTTCTCTCCC

TCCAAATATATCTACCATCTTATCCAAGAATCCATGTTTACAATACATAACTGTTG
TTGCATTGCCACAAACATTTTCGCCATCTTCTTTGCAAATCGATAAATCCACTCGG
CCAAACGCAAAGCACCCACACGAGAGCACAAGAGAAGAGCAACCCAACAAGGG
CGAACTCATCGAGCCCCAAACTCGCATCATTCATCTGTACTTTGAACAACCTCGA
AGCCTCATCAGTCACCGCGCAAACCTATTATACCGAAACATGAGATCGCCGAATC
CCAAGATGCTAATTCATCTATGTAGTTGTAGTGGATGGGTAGAGAAGAATGACCG
GGGAATGGCGTAGTGTACACCCCAGGCCACGGGCCCGTTGGCGCGTGCAAGC
CGACCCACCGATCGAGAACAACCTCGATGTTAGCTAAAGTACACTGCCAAAATGCT
AGCACTAGTTTCTTGGGCCTTGGGCTTTTCTATTTAAGTCACTAACATTTTTTTCAC
ACTAATTCATGTGGGACTAAAGTGAGGGTGTCAAATTACCCTACCTTACGAAGA
CAATGTCCTCGTCATCACGACATGACAATTAGCCAATCCCAGTACTACTGCTAGA
TGATGTTGACTCTAGAGGTGGCTCCTACGGGCTCTAGAGGTGGCTCACACCACAT
CCACATGGTGTAGCACTTAGCCCCGTATAATACTTAGCTCCACACTTCCGACTGTC
AACTTCTTTGATAACCATTTTGTACGCTCCAGGCCACGGGCCCGTTGGCGCGTGT
AAGCCGTGGGACCCACCGAGAACAACCTCGATGTTGACTAAAGTCCAACGCCAAA
ATGCTAGCACTAGTTTCTTGGGCATTGGGCTTCTCTATTTAAGCCGCTAACATTTA
TTCACACTAATCCATGTGGGACTAAAGTGGGGGTGTCACAAATAGATTGAGAGGT
GGTGATCGCTTGGTTATGATTTGAGTGCAGGTTTCGGTGGTTGTTTCTGGAGTAGG
TTGCGGGATATTGTAGTAGACGAGTTTGAGCCTTCTTTCCGACTTAACTCACGTCA
TCTCTCCACAGGGTCCCAAATGAATTAGTTTATTTGAAAAAATCCTTGTTCTTTG
GAAGATCTATCTCGTGTCTGGTACTGCATGGTTCAGATAAATGTGAGGGGGGGGG
GGGGGGGGGGGATATCAAGAATTAGAGGTTAAATTTATAATTACTGGAGGTTT
GAGGGGTATATGTGCAAAGGCCCTAATTTAAATTGTTCAAACCTCATCGACAACA
ACGATAAATATCTTATTGTCAAATATAACCCTTTTTTATACCTTGTAGTTGTCCG
AGCAAGAAAATTTATTTTATTGATAACCACGGGTAACATAATATCAATTTAGT
AATTTATCCTCCATATTAATGACATTGCATTATCATTAACTTCCATGCCACGGAC
AAACATAGAGAACTATCTACCGATCTTTGTACATCTTCATAATTGATGTATCAAGA
AAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAATTTAATTGTTTTCCGCTATTTTGTACCGATCAA
AGAATAAACGGTTGTTGTTAGAAGGTCGAGTCAAGTGAGACCATGGTTTTAAATG
AACTATGTTGATGCCTCAATGGTCAATTTATTTTTCTCTAAAAGAAAAATAAATA
ACAAATAATAGAGGAGTTAAATGGTAATTATCTTTTTTTTTCTCTCGTGTGAATTG
ACAGGTGGAGCATGTGGATATGGGAATGCAGTAGGGAAGCCGGAAGCATCCATT
CTCCTCTAGCATTGCTGCTGGAAGCCCCTCCGTTTTCAAAGCCGGCAAAGGCTGC
GGTGCCTGCTATCAGGTATATATGCAATAGGGAAGCGTTACAGGCATACCCTCAG
GCACATTACCAACCACCCCCCTCTCTATCTACAGTGCAGGGGTCTCACATCAGT
TTTTTTAAAAAATATGATGTGGGCCCCCCTGTACTGTAGATAGAGAGGAGGTGT
GGTTGATGGTGTGTCTGAGGGTGTGTCTGTATTATTTTTCTATGCAATATTATTAC
AATACATATAATACTAGTGGTCTTTTTTGTATTTACTCCTTTAAATATTTCAA
AGTTAAACTTAGGCCATCAAATCCCTGAAATTGCTATCAGGAGTGGTAAATGATC
GAATCGAATCGAATACCAAGGTGTTTCGTATTTGTATTTGTTTAAAATTATCGAATT
CGAATGCAGACTCTAATATTCATATATGGAGTTTTTTTTGAATTCGAACCTCGAATAC
TTGGTATTTGATAAATATTCATGAATATTCACGAATACTTTTCGAATATCAAAGTA
TATTTATCCGCTAAAGAATTTGATTTTTCAAATGGTATTTAAATTCATAAATAAAA
ATTATTCCTTTATAATATATAATGTATGCATATTTAAATAAAAAATTCATTAGAA
AACAAATTTAAGATTATTTAAGTCTTTAGATCAGTACATAAAACTTTAGTATAAA
TGATAAATAGGTTAAAAATATGACATCATATGTGCAATAATAAATAATAAGTGA
TCAAATTTTAAACAAATATTTGATAGACAAACGAATCGAATATACATCTGGTTAA

ATTCTATTCGTTAGTAAACTCGAATACTAAAAAATATTTGTTTAGTGGTAAATGA
ACTACCGAATCGAATATGGCCGAATAGTTACATGAACAATTATCGAACTATTTAT
TAATTATTTGGTTCATTTCCACCCCTAATTGCTATTACGTCTCTCATTTTTTGTAAG
CCGTAAAAAATTAATCTCTCTCCAATTCCTACTTTTAGCCTTGAAGTAGCTTAAGA
AGGGGAGGTGAGCAATTTTAATGGTAAATTTGAACTACAAATTTCAAAGTACGAA
AAGTCTGAGGGATTAATATCGAAAAAACTCTGCGTACTCATTCTAGCCGTTTGA
ATTGAATGCATCGTTGTTCTACTAAAATTGAGCTCTCTTGAAACTCATCAGGTGA
GGTGCACAAGAGATCATGCCTGTTCCAAAAAGCCGGTGACCGTTGTGATCACCGA
CGAATGCCCCAGGGGTCCGTGTCTAGTGGAGTCCGTACATTTTCGATCTCAACGGC
ACCGCGATCGGGGCGATGGCCTTGCCCCGCCGTGCTGATCGTCTGCGGGGTGTGC
GAGTTCTACCTATCCAATACACACGGTAAGAATATATACGTAACACCTCCGACTA
CAACTTCTATAGTTCTATCTAAACTCATTCTTCTTTCTAACTATTTCAATTAAGGG
CTTATTTGGTAATTCTTAGTAAGGTTCTAATTGTAGATATTATTTGAAGAACGCTG
TTACAGGGACCCAAAATATAGGATCATTGAAGGGGACATGTGAGATGCTCCCCTC
CTATTGCATAATGAGCTGACATGACCAGCTCATTATGGAATAGGGAGGGGACACC
TCACATGTTCTCTCCATTGGTCCCATATTTTTGGTACTTAAGTCATTTTTCTTATTT
GAATAATAGAAAATTGAGATGACAGCTGATATGATGTCTTTTCTTTTATATTTAAT
TGATTATATAGTAGAAAGTGAATATTTCTGGATACGTAAACGGATACAAACGTG
ATAAGCTAATAACATGTTTGATCTGATCTGTTCCACCAAAGGGTAGTATCTAATTC
AAGTAAGATCTAATTCATTAAGCTAATAATATGTTGTGGTACAAAATTAGTATGA
AATTGTAATTGTAGTAACAAAATAACGACAAAATAACGAATTACATCTTACTTGAT
CTCTCCCGTCAGCGTCCCCTGCAAATTCCTCACAAAACCATCGCCTTCCACGTCG
CATGTCAGGCTTCGAACCGCAACTACTTCGGGTCCCTCGTTCGAGTCGCCCTGACGG
AGAGGGAAGCCTCAGCAACGTCGAGCTCGGCGAGTCAAGGTCAGTCAACAAGGC
CACGTGGCGACCAATGATACAATCCTGGGGTGC ACTGTGGAAGCTTGATTCAGGG
CCGAAGCTGAGGGCTCCGTTCTCGATAAGGCTGACGTTCGAGCACTCGAAGAAG
AAGGTGGTCGCCAAGAATGTAGTTCCGGCCAGGTGGCGGCCGGGGGCCACTTAC
AGGTCTCTTGTTAATTTCCACTAG