

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

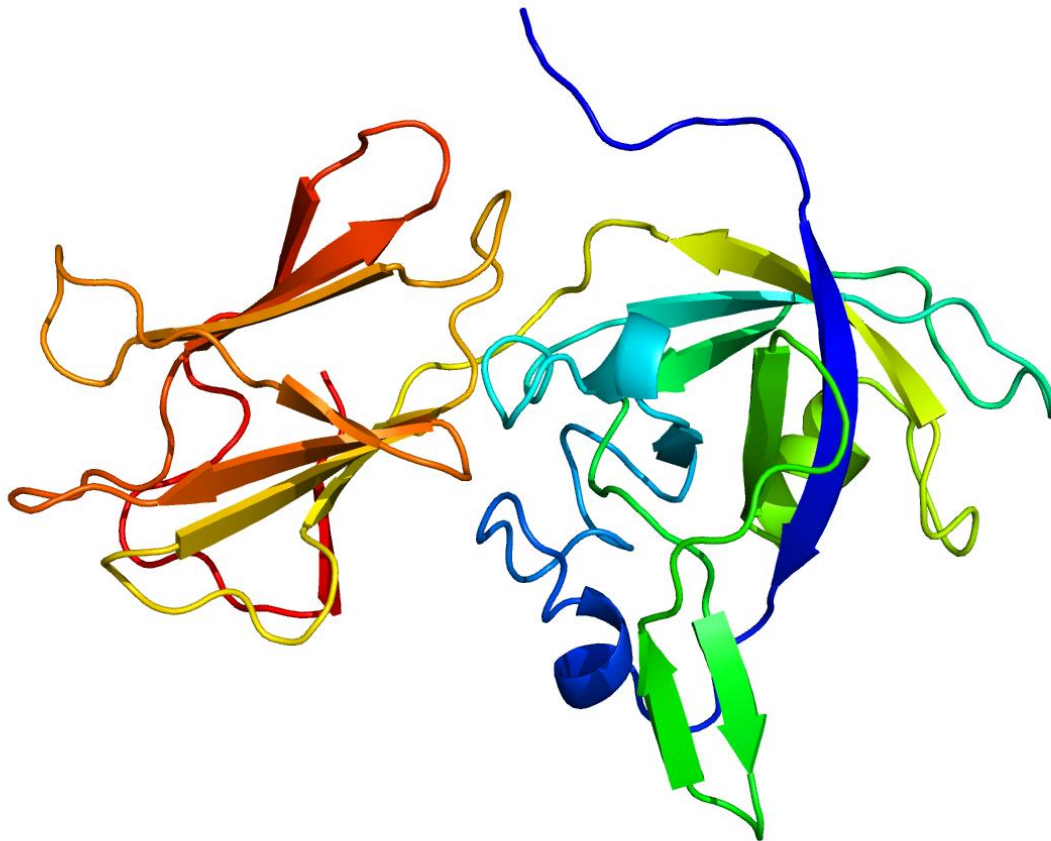
Locus: Ca_28193

Gene Model: Ca_28193

Description: CarEXPA-24

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

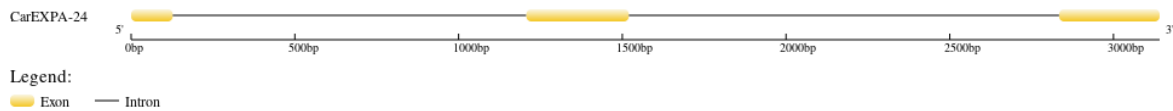
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

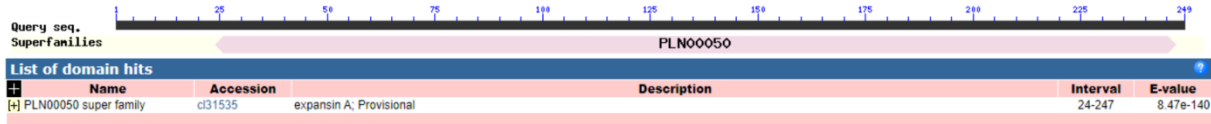
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-24

MSLLGLLSLGFLFLGSYVYASNDGWIDAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQG
YGTNTAALSTALFNGLSCGACFEIKCVNDRWCLPTSIVVTATNF CPPNNALPNN
GGWCNPLHHFDLSQPVFQQAQYKAGIVPISYKRVPCKKGGIRFTMNGHSYFNLV
LITNVGGAGDVHSVSIKGSKTNWQAMSRNWGQNWQSNTYLDGQSLSFKVTSSDGR
TVVADNVAPAGWSFGQTFTGLQFP*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-24

ATGTCTTTATTGGGGCTTCTCTCTCTGGGATTTCTCTTTCTAGGATCATATGTCTAT
GCGTCCAATGATGGTTGGATTGATGCACATGCTACCTTCTATGGAGGTGGTGATG
CTTCGGGCACAATGGGTGGAGCTTGTGGATATGGGAACCTGTATAGCCAGGGGTA
TGGGACTAACACAGCTGCTTTAAGCACAGCTTTGTTCAACGGTGGATTAAGCTGT
GGGGCGTGTTTTGAGATAAAGTGTGTTAATGACAATAGGTGGTGCCTTCCAACCT
CAATTGTTGTAAGTCAACAAATTTTGGCCACCAAACAATGCACTCCCAAATAA
CGCAGGTGGATGGTGTAAACCCACCCCTTACCATTTTGATCTCTCTCAGCCTGTCT
TCCAACAAATAGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTACCCATTTCTTACAAAAGGGT
CCCCTGCCAAAAGAAAGGAGGAATCAGATTCACAATGAACGGCCATTCATACTTC
AATCTAGTACTAATTACCAACGTGGGAGGTGCTGGTGATGTTCACTCAGTTTCCA
TCAAAGGTTCAAAAATAATTGGCAAGCAATGTCTAGAAATTGGGGACAGAATT
GGCAAAGCAATACTTACCTTGATGGACAAAGCCTTTCTTTTAAGGTCACATCTAG
CGACGGACGCACCGTGGTTGCTGATAATGTTGCACCTGCTGGTTGGTCCTTTGGC
CAGACATTCCTGACCTTCAATTTCTTAG

Nucleotide

>CarEXPA-24

ATGTCTTTATTGGGGCTTCTCTCTCTGGGATTTCTCTTTCTAGGATCATATGTCTAT
GCGTCCAATGATGGTTGGATTGATGCACATGCTACCTTCTATGGAGGTGGTGATG
CTTCGGGCACAATGGGTGAGAAATGAACCTTTTTTATCATTAAAATCTAAGATGA
TAGAATGGTTTCTTAGTTAAAATAGAATAGACTTTAACAGTTAAAGTTTATTTAA
ATTTTATAAATAAATTTACATTTTATCTTTGAATGACAGAAATTAACACTATAAT
TATGCAACACAATTATTGTATAAATATGCTTAAGCCATACCAATTCACACTTTGGT

TATTTTGTCAATTTTAATTACATTTCTTTTATATACACGCCAAAATTTTACCTCTTCG
TGAATTGAAAGGTTATATATGATATAAATGGTATTTAATATCGTCTCTCAATTTTA
TAAAAGAAGACATTCGAAAGTCGGTTTATGATGCAGCCATAAATTGTTGAGTTAA
GAGAGTGAAATTCTCTGTTTTGATTTAATGGTTTACGATCAACGACAGAGAATAT
AGGTTTAATTTTATACATATATTTAACA AAAATCAGTAACATATTATTAGTCTCTAC
TATGACCCAATGTGGAAATTA AAAACACCTAAATTTGCTTTTGAAAATCAGTAAT
ATTTATGTAGTGCGAAGATCAGTTTGATTTCAAGAATAAATTTGAGATAAATTTTC
AGTTAATAACTTATTATTA AAAATAAATTTTACTAATTCAATAATA AAAATA AAAAA
TTCTTATTTACTAGATTAATTCACATAAACTGTTATA AAAATTTTAAAATTATTTAA
TATTTTTTTTTAAATAACTTCAATTA AACATATAATAAATTTTTTAAAATATAAAT
AAATATCAATCGTTAAATTATATAATTATGCATTTTATATATATAAACTTTGTGT
ATTAAATTGATAATAAATATATTAATTTAATAATTAACAGTTGGATTAGTAAAAT
TTATTTTATATAAATGAAATAATTCATCTAAAATTTATTCCAAAATTAACAAATCC
CAACACATTATTGATTTTATAGGAATACAAAAAATACATTTATTCTTTTATTTGAA
TTTTCAACAACACTGGTAGATGATTGCAATTATAATTTTCAACCATACGATATTAT
ATAATGTTGTAATGTGATTTTGGTGGATATTTTTATAGGTGGAGCTTGTGGATATG
GGA ACTTGTATAGCCAGGGGTATGGGACTAACACAGCTGCTTTAAGCACAGCTTT
GTTCAACGGTGGATTAAGCTGTGGGGCGTGTTTTGAGATAAAGTGTGTTAATGAC
AATAGGTGGTGCCTTCCAACCTCAATTGTTGTA ACTGCAACAAATTTTGCCACC
AAACAATGCACTCCCAAATAACGCAGGTGGATGGTGTAAACCACCCCTTACCAT
TTTGATCTCTCTCAGCCTGTCTTCCAACAAATAGCTCAATACAAAGCTGGAATTGT
ACCCATTTCTTACAAAAGGTACTTTATTTTTATCCTTTTTATTCTAGTTGGCCTAGC
TAATGTCTAATAAAAACAAAATTTTGGTTTTTAAAGGAAAAAAAAAATTGCAAGTTT
TATATGTATAGAAAATCAATATGGCACGAAAATTGGTTTTGAAGAGTATCACCCCT
TCGATTTCAATTTATAAGCCAATTTTATAAAAATCAATTAGGCCTATGATGTTGAG
CTAGCTAATAAGAATCATATTA AATTTGTTTTAAATTAATTTAAGGTTTTTTAGTT
GTAATTTTAAACTATAATTATAATTTTTGTTTGCATTTTAAAATTTTTATATATATA
TATATATATAAAAAAAATTCTTCTAAATATTTAACATACTAAATTA AAAATGATTTT
CACATATGCTAGAGGATTTTCAAGTTCCTTTTTTATCCCAAGATTTTCATGGTTAT
TTCGATTA AAAGGATATATATAACACAAGATATATCTTTCACATATTCTTATTCTA
GTAAATTGTTATTTTTTGGGTATCAAAAAGTCTCATATTGCATAAGAGTTAAGGGT
TAAAATAAGTTTATAATACGACCAGGTTTCTTTTACTAAAATTA AAAATTATAAAA
ATTTATCTTGTGACCACAAAATATATAATACCTTATAAATGTGATTGAACGCCAT
CTTTAGCAAGGCCGTGTAGAGAAATTTCGGGGTCTTAGATAAAAATTTAAAGTAT
TTTTATAATTTATGTA AAAGA ACCATTCAAATAACATAAAAAAATCATTCAACA
AAATAAATGTTTCAATGGAATATATATAACATTCTTATATAAACTAACACTTTTAC
TTTTTACA ACTTTTCAATGCTTAGATTA AATTTGTTAATTTACCCTTTTGAACACTTC
TCTTAATATTTTTAATTATA AAAAATA AAAATAACTACATTTAAAAGATCAGTTATTT
TAAAGTTC A AATGTAAATACAAATTCATTTTGCTTGTTA AATATATAAATAAGTCTT
CTTATTTAATCTACTATAATATATATATATATATATATAAATTTATAAGAATGTA
AAATTATTTTTATTTAAATCTACATAAAAAAATAGTATACTGAATATTTTTAAAT
TTTGAATTTATAAAGTATGTA ACTATAGTTTAGCAATATTAGTGTGACAAAGGT
GGGCCTAAAGCAACCACTCACTTGCCTTGCCCACTCCACAACCATGGTCTATAGG
ATTGGGCCTAGGCCCATG AATCTAAACTAAATAGGAATGTATTCCAATGCAATG
GAGACAACACTACTTTTTCTTTATTTTCTAATTGTTGATATTGTATAGGGTCCCT
GCCAAAAGAAAGGAGGAATCAGATTCACAATGAACGGCCATTCATACTTCAATC
TAGTACTAATTACCAACGTGGGAGGTGCTGGTGTGTTCACTCAGTTTCCATCAA

AGGTTCAAAAATAATTGGCAAGCAATGTCTAGAAATTGGGGACAGAATTGGCA
AAGCAATACTTACCTTGATGGACAAAGCCTTTCTTTTAAGGTCACATCTAGCGAC
GGACGCACCGTGGTTGCTGATAATGTTGCACCTGCTGGTTGGTCCTTTGGCCAGA
CATTCACTGGCCTTCAATTCCTTAG