

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cucumis sativus*

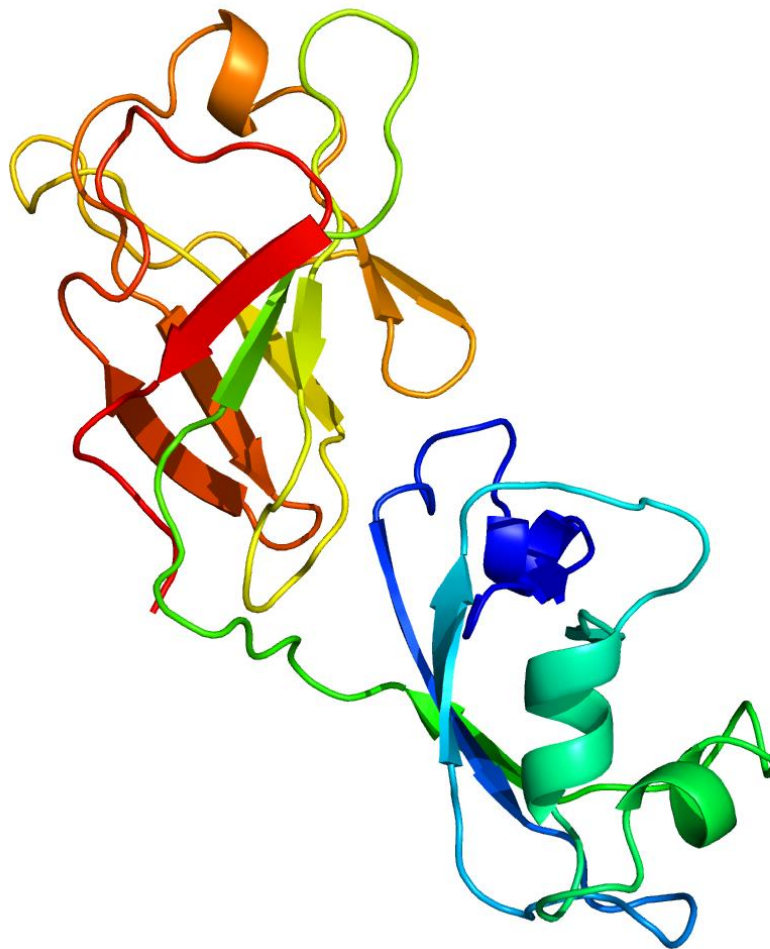
**Locus:** CsGy7G001330

**Gene Model:** CsGy7G001330.1

**Description:** CsEXLA-06

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

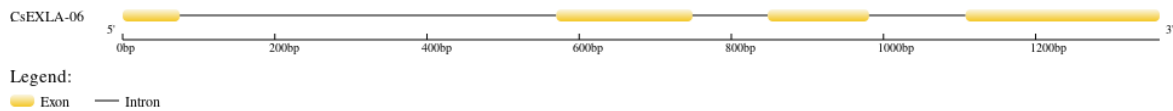
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

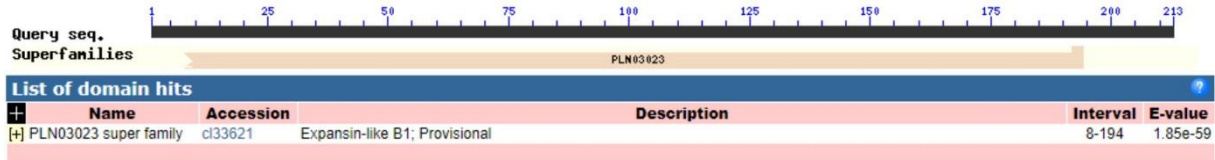
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CsEXLA-06

MSKGYFAAAVPSIYREGMGCGACYQIRCKNATLCNTVGTKVVLTDQNSDNRTDFVV  
SRKAFSAMALDGKGQQLLKTGIVDIEYKRIPCEYNKNLLIQVVEWSHKPYYLAIKFLY  
QGGQTDITAVDLATQDGS GGWQYMRRNYGAIWDTNKKVPEGAIKLVVIVVSGYKNG  
RGIMINYALPADWKTGEIYDTGIQIKDIATEACNPWRCGDQPWN

### CDS (coding sequence)

>CsEXLA-06

ATGTCTAAAGGTTATTTTGCAGCTGCTGTCCCTTCTATCTATAGAGAAGGAATGG  
GTTGTGGTGCTTGCTACCAGATAAGATGCAAGAATGCAACATTATGTAACACAGT  
TGGGACCAAAGTAGTTTTGACAGATCAAATTCTGATAACAGAACAGATTTTGT  
GTTAGTAGAAAAGCTTTTTGACAGCTATGGCTTTAGATGGCAAAGGCCAACAAC  
TGTGAAAAGTGAATTGTTGATATTGAATACAAAAGGATACCTTGTGAATACAATA  
AACTTATTAATACAAGTAGTAGAATGGAGCCACAAGCCATATTATTTGGCTATT  
AAATTCCTTTACCAAGGAGGCCAAACAGACATAACCGCAGTCGATCTAGCAACTC  
AGGATGGTTCTGGAGGGTGGCAATACATGAGAAGAACTATGGAGCTATTTGGG  
ATACAAATAAAGTTCAGAAGGAGCGATAAAGCTAGTGGTGATTGTAGTTTCAG  
GTTACAAAATGGAAGAGGGATAATGATAAATTATGCACTTCCTGCTGATTGGAA  
AACTGGAGAGATTTATGATACTGGAATTCAAATCAAAGATATCGCTACTGAAGCT  
TGCAATCCTTGGAGATGTGGTGACCAACCATGGAATTAA

### Nucleotide

>CsEXLA-06

ATGTCTAAAGGTTATTTTGCAGCTGCTGTCCCTTCTATCTATAGAGAAGGAATGG  
GTTGTGGTGCTTGCTACCAGGTAACATTTTCATACATATATATATTGACATTTGATC  
TATCAATGCTTTTATAGATGTGATATCCACCATTTTCATTATATATGGTAAAATCT  
ATGAAATATTACTAATATGACTATAATATATGCAAGTAATAAATATATGTAACT  
TGTTTAAAAGCGAGCAAGGTTTATTTGTTAGATAATTTTCTAAAAGATATTCATC  
TAATTTTAAAATGTTATTAGTATATTTAGTTTTCTTTCCAACGTTATAATTCTGTAG  
TTTTATATTATACATTATTTATAGTAAAATTTGTACTTGTGTAGATATTCTTTCAA

AAGGTGTAGCAGAAGAAATATATATGTGTATGTTTTAAAAGAAAATGTGTTTTTT  
ATTATTGAAACTAAAAAAAAAAAACTTTTTTCTATATAATAGACGTTTCGTGATTC  
TCTTAATAATTTTGTCTATTTTAGCTTTGCTTCTAACTATGAGCATATATTTACTT  
TTCTTTGCAGATAAGATGCAAGAATGCAACATTATGTAACACAGTTGGGACCAAA  
GTAGTTTTGACAGATCAAAATTCTGATAACAGAACAGATTTTGTTGTTAGTAGAA  
AAGCTTTTTCAGCTATGGCTTTAGATGGCAAAGGCCAACAACCTTTTGAAAACCTGG  
AATTGTTGATATTGAATACAAAAGGTAAATCATAATATATATATATATAGTGTGTGT  
GTGTGTGTATAAGTAATAATTGGTATTATGATACCATTGAAAGGGACTTGCTAAT  
TTAATGTTGTAGGATACCTTGTGAATACAATAAAAACTTATTAATACAAGTAGT  
AGAATGGAGCCACAAGCCATATTATTTGGCTATTAATTCCTTTACCAAGGAGGC  
CAAACAGACATAACCGCAGTCGATCTAGCAACTCAGGTTGGGTAAAATTTTATTT  
TAATTTGAACTTTAGTTAATTTACGTAACCTAAAAGAATATTTAGCTAAAATCTAG  
TAGCTTTTGTATGCAATAATGATAAATTTGGTGTATATATAAACATATATAGGAT  
GGTCTGGAGGGTGGCAATACATGAGAAGAACTATGGAGCTATTTGGGATACA  
AATAAAGTTCCAGAAGGAGCGATAAAGCTAGTGGTGATTGTAGTTTCAGGTTACA  
AAAATGGAAGAGGGATAATGATAAATTATGCACTTCCTGCTGATTGGAAAACCTG  
GAGAGATTTATGATACTGGAATTCAAATCAAAGATATCGCTACTGAAGCTTGCAA  
TCCTTGAGATGTGGTGACCAACCATGGAATTAA