

IDENTIFICATION

Species: *Phaseolus vulgaris*

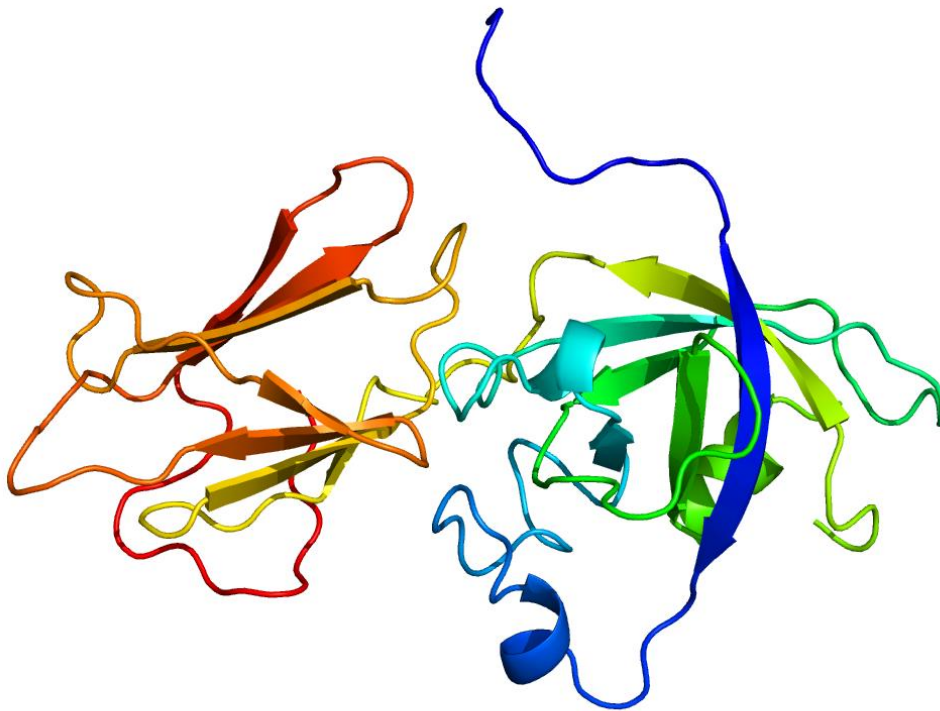
Locus: Phvul.009G186400

Gene Model: Phvul.009G186400.1.p

Description: PvEXPA-23

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Pvulgaris_v2_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T03093>

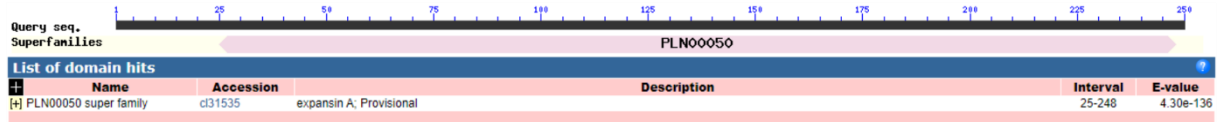
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.pulsedb.org/organism/636>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PvEXPA-23

MVLLGLLFLGFLSLASPVSAASDYGWMSAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNSAALSTALFNGLSCGACFEIKCVDDKRWCLPRSVVVTATNFCPPNNALPNT
AGGWCNPPLHHFDLSQPIFQQIAQYRAGIVPIAYRRVPCQKRGGIRFTINGHSYFNLIL
VTNVGGAGDVHGVSIKGSRTNWQTLTRNWGQNWQSNAYLNGQSLSFKVTTSDGRT
VVSYNVAPPSWSFGQTFNGHQFI*

CDS (coding sequence)

>PvEXPA-23

ATGGTGCTTTTGGGGCTTCTCTTTCTGGGGTTTCTTTCTCTGGCTTCACCTGTCTCT
GCTGCTTCTGATTATGGTTGGATGAGTGCTCATGCAACCTTTTATGGAGGGGGTG
ATGCTTCTGGCACTATGGGTGGAGCATGTGGGTATGGGAACCTTGATAGCCAGGG
TTATGGAACAAACAGTGCTGCTTTGAGCACAGCTTTGTTCAACAATGGTTTAAGC
TGTGGGGCATGTTTCGAGATTAAGTGTGTTGATGACAAAAGGTGGTGCCTTCCAC
GCTCAGTTGTGGTCACTGCAACCAATTTCTGTCCCCCAAACAATGCCCTCCCTAAC
ACTGCAGGAGGATGGTGCAACCCTCCCCTTACCATTTCGACCTTTCTCAACCTAT
CTTCCAACAAATTGCTCAATACAGAGCTGGAATAGTACCCATCGCTTACAGAAGG
GTCCCTTGCCAAAAGAGAGGGGGCATCAGATTCACCATCAACGGCCACTCATACT
TCAACCTAATTCTGGTCAACCAACGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATGGAGTTTCC
ATCAAAGGTTCAAGAACAATTGGCAAACCTCTGACAAGAACTGGGGTCAGAAC
TGGCAAAGCAACGCTTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCTTTTAAGGTTACCACCA
GCGATGGACGCACCGTGGTCTCTTATAATGTTGCACCCCCAAGTTGGTCCCTTGGC
CAAACCTTCAACGGCCACCAATTCATTTAA

Nucleotide

>PvEXPA-23

ATTTATATCCTACCCATGCTCCTTTCATTTTCCTCATCACTCATACTCTCTCTCTAA
CTCCATCAAGTTCTTACTCTATTTATCACTCAGATATTTTGGGACGCTAGAAAAGA
TGGTGCTTTTGGGGCTTCTCTTTCTGGGGTTTCTTTCTCTGGCTTCACCTGTCTCTG
CTGCTTCTGATTATGGTTGGATGAGTGCTCATGCAACCTTTTATGGAGGGGGTGAT
GCTTCTGGCACTATGGGTGAGTTACACTTCTACTTATGTTAGTCATCCACACACA
CACAATGCTCACTCTATAATCACAAGAAACAAAATCAAATTACATATTCATTT

TGTCATTTCTGCATATAGATAATACGTGTCATAAATTTTCACCCTTATCTTTTCAA
GTTATAACAGCACAGCACTTTGTACTATCTTCTAATCATAAAGTGCCATGTAAATT
TATTACCACTTAAATGATGTAAATAGTCTCTACAGATCCATCCAAAAGTGAATAA
TGAAGAAATATCTCACCATAAGAAGTTCTTATATTTTAGTTTTCTTAATTAGGGTTG
AGACAATGGTTGAGTGTGATTTGTTGGTGCAGGTGGAGCATGTGGGTATGGGAAC
TTGTATAGCCAGGGTTATGGAACAAACAGTGCTGCTTTGAGCACAGCTTTGTTCA
ACAATGGTTTAAGCTGTGGGGCATGTTTCGAGATTAAGTGTGTTGATGACAAAAG
GTGGTGCCTTCCACGCTCAGTTGTGGTCACTGCAACCAATTTCTGTCCCCCAAACA
ATGCCCTCCCTAACACTGCAGGAGGATGGTGCAACCCTCCCTTCACCATTTCGA
CCTTTCTCAACCTATCTTCCAACAAATTGCTCAATACAGAGCTGGAATAGTACCC
ATCGCTTACAGAAGGTACTTCTCAATCACTATGTTTTATTATTTACCATAAATTAC
ACTCATCATTCCATAAAGTTTTATAATAACAAAAGTGTACACCCAATAAATATTAAT
ATTTTAATTATTTATAATTTTTTTAATTTTAAAATTTTGCATTTTTTTTTATTTCATT
AAAAAGATTTTTTATTTAATGTAGTATGTCATAATCCTTTATTAATTCTTTTGTCTT
TTTTCCACACTTTTTTTAAGAGGACGATGAAGTTTGTTTATGTAACCTTGAGGAAAC
TTTAGGGTATTTAGCATAATTTAGTTCATTATTTATTGACTTTGAAATTTGAGAT
GAATTTAGTTTTGGTTTTTTAAATTTTAAAAACATTATTTTAATAATTTTAAATTA
AAAAGAAAAAAGACATTTGCACTCTTCAAGGAATGAATTTGAAGAATTTAAAATA
ACTTAAACCTGTCTTTAGTTAAATTGAAAAAATTAATGCTTCAAATTTTAAAGGCT
GATTTTTTTAATATCAGATTCATTTTAAATTTTGAAAAAATAAAAAATATAATTA
AATTTGTTTTAAGTTTGCAGGGTATTTTGGAAATTTTATTATAAAAAATAGTCTGCT
GAAAGCCATTCTAAGGCCTAATAAAACAAAATGTGGTAACCGTCAATTTTGACAC
ATCTAGGGACTGGACCATGTCTGAAGCATGGCATAGAATCTTTTCCTTCTGTTCTA
CTTACACACAATTACAAATAAATTCAGCAGAAGTGCAGACTCTACATGTGAGCCT
TTTTGTTTCTAATTCTAAGTGCTTTTTCTGGTTAAGGGATTTTTGGATACATAAG
CAATGCATTGTATAAATTGTAATACAGGTATATAGAATAGAATTTCTGGTTCCT
GCTATCACAAGGCTGAGAATTAAGTATTTTCTTATCCAACAATGACTTTTTTAAAGT
TGGGAAGCTGATAGGGTTTTCCATATTTCCAGAAAAGAAAAGAGTTGAAAAGAA
TTCTCAAGTTTGTGAGATTCTTTTGTGTTGAGTTTTTGTATATAAAAACCATGTAT
GCGTGTGGCCACGTTTCATGTTGAAGTGATTCGTGACTAGGAATATATTCCATGT
ACCAAGTGTGACTGCACACTTTTTTGTCCAAAATATTGATTTTTTTTTGCTTTAACT
ATTAGGGTCCCTTGCCAAAAGAGAGGGGGCATCAGATTCACCATCAACGGCCACT
CATACTTCAACCTAATTCTGGTCACCAACGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATGG
AGTTTCCATCAAAGGTTCAAGAACAAATTGGCAAACCTCTGACAAGAAACTGGGG
TCAGAAGTGGCAAAGCAACGCTTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCTTTTAAAGTT
ACCACCAGCGATGGACGCACCGTGGTCTCTTATAATGTTGCACCCCCAAGTTGGT
CCTTTGGCCAAACCTTCAACGGCCACCAATTCATTTAAACACATGACAACAAATT
TTTATATCTTACAAAATGGTTTAGTTTTAATTCATCCATCTTTAGTTTTTCCCAAT
ACTGTACGTAAGTATAAAAATAGAAAACCTTAATATGGTATAGGAGTTGAGTGATGA
AGGGCTTGTTTTAGGATGGTCTTGTTAATTTGAATTGTGTTTGTGTTGAGGGATT
TTGTTGTGCCTAGCATTTCGACAAGGCAGAGAGTTTAGGTGGCAGGGGTGGGTGTT
TAAGGTTTACCACCCGCTAGTTTTTGGTTTGGTTTGTGGTTGTGTTGTTGTCGT
GCACAAATTGAAAACGGAGAGCGTGATGTTTTGCTAGCTTAGCAAAAAGAGAATA
GAATAGGAAAGAGACGAAGCATTTTTGCTTATAGGAAGCAATTGTCATCAACTTT
ATCAAGTTTGGTGAATTTATGACATGTAAGGAATAAAAATTACGCTTCTCCTGAG