

IDENTIFICATION

Species: *Capsella rubella*

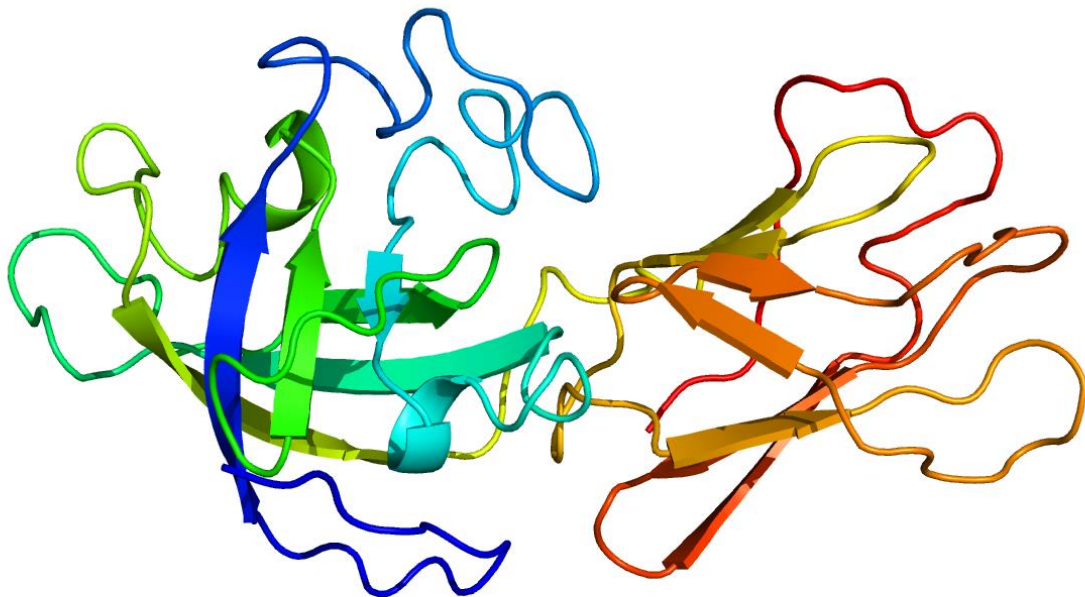
Locus: Carub.0004s0994

Gene Model: Carub.0004s0994.1.p

Description: CrEXPA-09

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

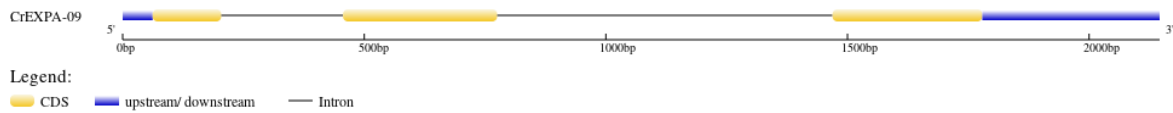
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Crubella_v1_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02984>

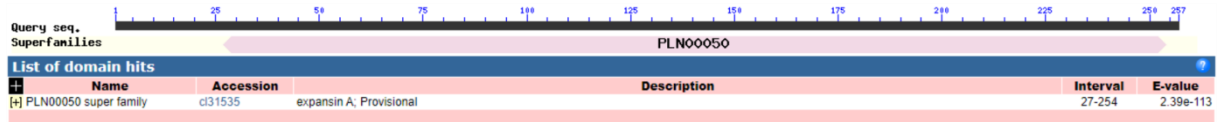
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CrEXPA-09

MSMLGLVLLVLNVLALSEARIPGVYNGGGWETAHATFYGGSDASGTMGGACGYGN
LYSQYGVNTAALSTALFNNGFSCGACFELKCASDPRWCHSGSPSIFVTATNFCPPNF
AQPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVSFRRVPCRKRGGIRFTINGFR
YFNLVLVTNVAGAGNIVRLGVKGTHTSWMSMSRNWGQNWQNSVLVGQSLFRVT
SSDRRSSTSWNIAPANWQFGQTFMGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>CrEXPA-09

ATGTCGATGTTGGGTTTGGTTTTATTGGTTCTTAACGTTCTTGCATTGTCTGAAGC
AAGAATCCCTGGAGTTTATAATGGTGGTGGTTGGGAAACTGCTCATGCCACTTTC
TATGGCGGCTCTGATGCTTCTGGCACCATGGGAGGTGCTTGTGGTTATGGTAACTT
ATACAGCCAAGGCTACGGTGTGAACACGGCGGCTCTAAGCACGGCTCTATTCAAC
AATGGTTTTAGCTGTGGTGCTTGTTTTGAGCTCAAATGCGCAAGTGACCCAAGAT
GGTGCCATTCTGGTAGCCCTTCGATCTTCGTCACGGCGACCAACTTCTGTCCTCCT
AACTTCGCTCAGCCTAGTGACAATGGCGGCTGGTGTAAACCCTCCTAGGCCTCACT
TCGATCTCGCTATGCCTATGTTCCCTCAAGATCGCTGAGTATCGTGCTGGAATCGTC
CCCGTCTCTTTCCGCCGTGTGCCTTGCCGGAAGAGAGGTGGTATAAGGTTACGA
TCAACGGCTTCCGTTACTTCAACTTGGTTCTAGTCACGAACGTCGCGGGAGCCGG
AAACATCGTGCGGCTAGGCGTGAAAGGAACACACACTTCGTGGATGAGCATGAG
CCGTAACCTGGGGACAAAACCTGGCAGTCGAACTCGGTTTTGGTCGGTCAGTCGCTT
TCGTTTAGAGTTACGAGCAGTGATCGTAGAAGCTCGACGTCGTGGAACATTGCTC
CGGCGAATTGGCAGTTTGGTCAGACCTTCATGGGAAAGAACTTCAGAGTTTGA

Nucleotide

>CrEXPA-09

AAAATCTCTTCTTCTCCTCTGCCTCTTTCTCCCAAAGCTCTCTCTCTGTCTC
TCGTAATGTCGATGTTGGGTTTGGTTTTATTGGTTCTTAACGTTCTTGCATTGTCTG
AAGCAAGAATCCCTGGAGTTTATAATGGTGGTGGTTGGGAAACTGCTCATGCCAC
TTTCTATGGCGGCTCTGATGCTTCTGGCACCATGGGTATGTCTCTATACTCTTCTCT
TTCATCAAATTCGTTCAATTTTCATCAATCTAAACCTAAAGTTCCCATCTTTATTTGT
AACCACATTGTCAAATTTGAGTTTTTACTTCAAAGGTTTCAGCTTTAATACAAAC

CCAAACATAAAGTTTCTATCTTTCTTAAACCACATTGTCAAATTAACGATTTTGT
TAACTTCTTGATTATACTCCTCAAAGGTTAATTTTTTGCTCTGTTTTGTATTTC
TCAGGAGGTGCTTGTGGTTATGGTAACTTATACAGCCAAGGCTACGGTGTGAACA
CGGCGGCTCTAAGCACGGCTCTATTCAACAATGGTTTTAGCTGTGGTGCTTGT
GAGCTCAAATGCGCAAGTGACCCAAGATGGTGCCATTCTGGTAGCCCTTCGATCT
TCGTCACGGCGACCAACTTCTGTCCCTAACTTCGCTCAGCCTAGTGACAATGGC
GGCTGGTGTAACCCTCCTAGGCCTCACTTCGATCTCGCTATGCCTATGTTCCCTCAA
GATCGCTGAGTATCGTGCTGGAATCGTCCCCGTCTTTTCCGCCGGTAAGAATTA
CAACTTTTAGAGATGAGAACTGTGTTAAGGGTTTAGATTAGGGTTAACTATAGT
AGATTATAAAGTTTGGGGTGTGAGACCTTAATATTAGAAGTATTTGGGAATGAAG
TTGAGAAGTCTCAGTCCTGACTAAATGAACAAGTGAGGTTAATGTCGGCAGAATT
AAAAGTCTTAGGGTACTAGTTAAGAAGTCTTTCTTATAGATTCTGAACGACTGAG
GTAAATTTCAATAGGATTCAAAATTTATGGTACTGAAATCAACATTTTAGAAATA
CTAGGATGCAGTTTGTGAAGTTTGTCTGAATAATTAGGGTTAAAGTGTAGAATT
AAAAATGTAGGGTGATTGTTCAAAAAAAAAAATGTAGGGTGTGAAACATAACAT
TTTAAACTAAAGGGTATAGTTGAAAAGTCTTTGTCTTTTGTATTCTTGGCGCGA
GTCGGTGCAGCATAATGTCGGGTCTCTCGTACCAAAAATTTACCAAATCTAAA
GATCTTATTGTTCTGCAAAAAGACGGAAGTGTCTTAGAACAATCCCCTTTTACC
TTATCAGTACCCTCGTTGATAAAAGTCAATACCAACAATAATGTAAAACTGTC
TTTTAGTCAAACAACGCGTTTTCTCCTGAAATGACGAACTAACCTTTGTACATTT
TGTTTTAATTTACACAACAGTGTGCCTTGCCGGAAGAGAGGTGGTATAAGGTT
ACGATCAACGGCTTCCGTTACTTCAACTTGGTTCTAGTCACGAACGTCGCGGGAG
CCGGAACATCGTGC GGCTAGGCGTGAAAGGAACACACACTTCGTGGATGAGCA
TGAGCCGTA ACTGGGGACAAA ACTGGCAGTCGAACTCGGTTTTGGTCGGTCAGTC
GCTTTCGTTTAGAGTTACGAGCAGTGATCGTAGAAGCTCGACGTCGTGGAACATT
GCTCCGGCGAATTGGCAGTTTGGTCAGACCTTCATGGGAAAGAACTTCAGAGTTT
GAAAATGGGCAAAATCGGAATGTCATCTATCTTCTAATTATGATTATTACTATTA
GAATTTCTAGCCGAAGGCATTATTACTTTATTAGTAGTAATTTGGGAAATTTAAT
ATAAATATAAATATAATTATTTTTACATGTTTTTTAAGAGACCACTAAAATTCC
AATTTTTCTTACATCTGATGGTTTTTTTTATATATGCTTGTGATGTGTTTGTGGAG
AGTGTGAAAGTGGTTTTTTAGTGTGTGGGGTGTAAATGTTTATTTAGTAACTTT
TGGGGTGAAATTAGAAGTTTAGTAAAAGTAGAAGGAGCCTATCTTTGTAATGCTT
CTTGTAGACCTTATATTGTAATTTATATATAA