

## IDENTIFICATION

**Species:** *Asparagus officinalis*

**Locus:** evm.model.AsparagusV1\_08.193

**Gene Model:** evm.model.AsparagusV1\_08.193

**Description:** AofEXPA-10

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis\\_V1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aofficinalis_V1_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05243>

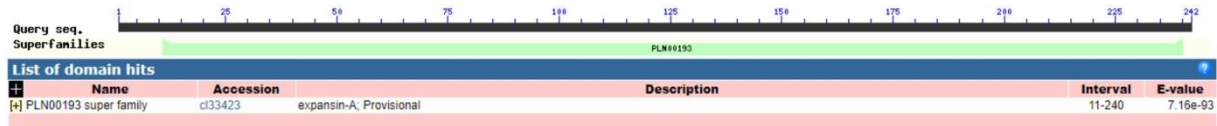
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AofEXPA-10

MAMVRVDARMSPSGWSLAHATFYGDESASDTMGGACGYGNLFNSGYGTNTVALST  
TLFSNGYACGSCYQIRCFGSPHCYRGYPFATVTATNLCPPNWSSEDSNNGGWCNPPRT  
HFDMSKPAFMKIADWKAGIVPVMYRRVPCIKNGGVRFQNGYWLLVYVTNVGG  
GGDIGSMWVKSGKTGWISMHNWGATYQAFATLGGQSLSFKITSYTTRETIISWDVA  
PSNWNAGLTYQASTNFA\*

### CDS (coding sequence)

>AofEXPA-10

ATGGCAATGGTTAGGGTTGACGCGAGGATGAGTCCGAGCGGTTGGTCATTAGCCC  
ATGCGACCTTCTATGGCGATGAGTCGGCATCTGATACCATGGGCGGAGCTTGTGG  
CTATGGCAACCTATTCAACAGTGGATACGGCACAAATACTGTGGCATTGAGCACA  
ACACTGTTACAGTAACGGGTATGCATGCGGATCTTGTTACCAAATAAGGTGTTTCG  
GATCTCCCCATTGCTACCGAGGTTACCCGTTTGCCACCGTGACCGCTACAAACCTT  
TGCCCGCCAAATTGGTCGGAGGACTCCAACAATGGTGGGTGGTGCAACCCTCCGA  
GGACCCATTTTGATATGTCCAAACCCGCTTTTATGAAGATTGCGGATTGGAAAGC  
GGGCATTGTACCTGTTATGTATCGTAGGGTACCATGCATCAAGAACGGAGGAGTT  
AGGTTTAGTTTCCAAGGAATGGATATTGGTTGCTTGTGTATGTGACGAATGTGG  
GAGGAGGAGGAGACATCGGGAGTATGTGGGTCAAAGGAAGCAAGACCGGTTGG  
ATAAGCATGAGCCATAATTGGGGTGCAACTTATCAAGCTTTTGCTACATTGGGAG  
GTCAATCTCTCTTTTAAGATCACCTCTTACACTACAAGGGAGACTATTATTCT  
TGGGATGTTGCTCCTTCCAATTGGAATGCAGGCTTGACTTACCAAGCATCTACAA  
ACTTTGCTTGA

### Nucleotide

>AofEXPA-10

ATGGCAATGGTTAGGGTTGACGCGAGGATGAGTCCGAGCGGTTGGTCATTAGCCC  
ATGCGACCTTCTATGGCGATGAGTCGGCATCTGATACCATGGGTATGTAAGTCAAG  
CTACACATGTATTACCTAGGCCCTTGTAAATATTGAAGCTAGTTAATCAAATTAAG  
GGTATGTTAGGCAACTCTCCTTGAACCAAGTTTGATAAAAAAATAAAAACAAGCA  
TAAAATTAAGAAGGCCCGCCAGCATCATTCAAACCTTAGGTATAGAATAAATTG

GTGTAAGTGAAAAAAGTTTAGTAGGATGAGATTTGCCAAACTAACTTGAAGTGTC  
ATGCTTTTTAATTCTCTTGTAATATATTTAGGCGGAGCTTGTGGCTATGGCAACCT  
ATTCAACAGTGGATACGGCACAAATACTGTGGCATTGAGCACAACACTGTTTCAGT  
AACGGGTATGCATGCGGATCTTGTTACCAAATAAGGTGTTTCGGATCTCCCCATT  
GCTACCGAGGTTACCCGTTTGCCACCGTGACCGCTACAAACCTTTGCCCGCCAAA  
TTGGTCGGAGGACTCCAACAATGGTGGGTGGTGC AACCCCTCCGAGGACCCATTTT  
GATATGTCCAAACCCGCTTTTATGAAGATTGCGGATTGGAAAGCGGGCATTGTAC  
CTGTTATGTATCGTAGGTAAGAACAAGTTTTTATAATAAAAAAATTCTCAATTTT  
ATCATAATGTTATAAATAAATTAATTAATAAATACTTGAAGGGTTTACATAAGAA  
TATTATGAATGCATGGTTTCAGTTAAAGAAAAACATCATAAACTTTCAAATTAGC  
CAAGAAATGCATATTTAATAAAAACAATTTGCGCATAAATTTAATGACATGAGGT  
TTTTTTTTAATTAATGTTTCTCTCAAATACCTTGAATTTTTGTATGACTTCGTTAAA  
CTATCTTGGACTTTAACTTTAAGGTATTATATATCATAGA ACTACATGTGGGTATC  
TGATAACATTTGATATTTCTACTGATTTGAAAGGGTGAGGTATTTTCTTGAAAACG  
TAGTCATGATAGTTTAATGCAAAAATCGTAATAGTTTTGATAATTTTGTGAAATTT  
ACTCCTCGTTTTTCGTGTCAATTTTATCCGATTCTGTCTTATAACTAGTGTAATTA  
TAAATTATTAGTCCATAACCTAATAAAGAGTTTAATTTGTGTAGGGTACCATGCA  
TCAAGAACGGAGGAGTTAGGTTTAGTTTCCAAGGGAATGGATATTGGTTGCTTGT  
GTATGTGACGAATGTGGGAGGAGGAGGAGACATCGGGAGTATGTGGGTCAAAGG  
AAGCAAGACCGGTTGGATAAGCATGAGCCATAATTGGGGTGCAACTTATCAAGC  
TTTTGCTACATTGGGAGGTCAATCTCTCTTTTTAAGATCACCTCTTACACTACAA  
GGGAGACTATTATTTCTTGGGATGTTGCTCCTTCCAATTGGAATGCAGGCTTGACT  
TACCAAGCATCTACAAACTTTGCTTGA