

IDENTIFICATION

Species: *Eutrema salsugineum*

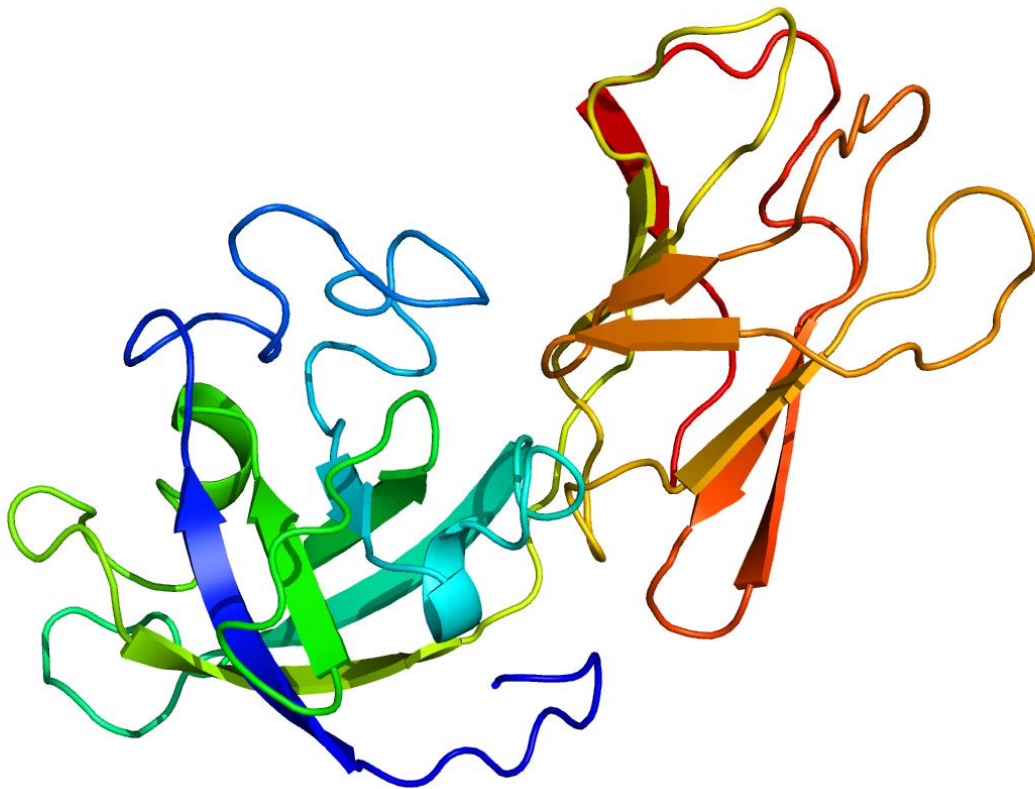
Locus: Thhalv10023648m

Gene Model: Thhalv10023648m

Description: EsEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Esalsugineum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02985>

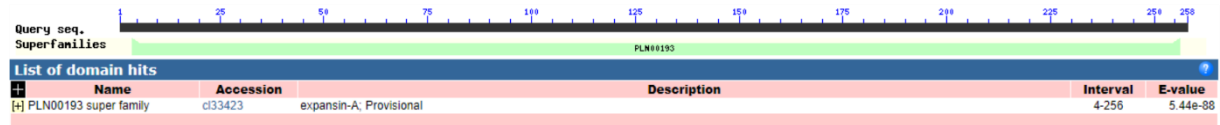
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>EsEXPA-14

MDQSLYRKCLVILLAMAMFGTSTAYYRGSVWRRGSATFYGDETASATMGGACGYG
NLWDSGYGAATTALSTVLFNDGYSCGQCFQIRCVSSPNCYRSPATVVTATNICPPN
WGQNSNNGWCNPPRAHFDLAKPAFMKIANWKAGIVPVSYRRVACRRMGGIRFKF
EGNGYWLLVYVMNVGGAGDIKSM AVKGSRTNWINMSHNWGAS YQAFSSLYGQSL
SFRVTSYTTRQTIYAWNAAPASWSAGKTYKSRANFS*

CDS (coding sequence)

>EsEXPA-14

ATGGATCAAAGTTTGTATCGTAAGTGCTTGGTTATTTTGTGGCGATGGCGATGTT
CGGAACATCAACGGCGTATTATCGCGGGTCCGTGTGGCGCCGGGGTTCGGCCACT
TTCTATGGCGACGAGACTGCTAGCGCAACTATGGGTGGGGCTTGTGGCTACGGCA
ACCTATGGGACAGCGGCTACGGCGCGGCCACGACGGCACTAAGCACAGTGCTGT
TCAACGATGGTTATTCTTGC GGTC AATGTTTCAAACACGGTGCGTGTCTCCTCGCCT
AACTGCTACTACCGTTCACCAGCCACCGTGGTGACTGCAACCAACATATGTCCAC
CCAATTGGGGCCAAA ACTCCAACAATGGTGGCTGGTGT AATCCGCCACGTGCCCA
TTTTGATTTAGCTAAACCGGCTTTCATGAAAATCGCTAATTGGAAGGCTGGTATC
GTCCCCGTCTCATAACCGGAGAGTGGCATGCAGAAGGATGGGAGGAATCAGGTTT
AAATTTGAAGGAAATGGATATTGGCTACTTGTGTACGTAATGAACGTGGGTGGTG
CTGGTGATATCAAGTCAATGGCTGTTAAAGGTAGCCGCACGAACTGGATCAACAT
GAGCCATAAATTGGGGAGCTTCGTACCAAGCTTTCTCTTCTCTCTATGGTCAATCTC
TCTCGTTCCGAGTCACTTCTTACACA ACTCGTCAGACCATTTATGCTTGGAAATGCT
GCTCCGGCTAGCTGGAGCGCAGGCAAGACTTACAAGAGCAGAGCTAATTTTAGCT
GA

Nucleotide

>EsEXPA-14

ATGGATCAAAGTTTGTATCGTAAGTGCTTGGTTATTTTGTGGCGATGGCGATGTT
CGGAACATCAACGGCGTATTATCGCGGGTCCGTGTGGCGCCGGGGTTCGGCCACT
TTCTATGGCGACGAGACTGCTAGCGCAACTATGGGTATAATTCAAATACTTTCTA
TGTTTTAATCTATGTACGTAGAACACGGTCTATATTACATAGTAAGATCACGTATC
AATATAAGATTAACGTC ACTACTAATTTTAAACACAAATTATCTTAATTATAAGCTT
AAGATTGTATGGAGGAAGAAATCTACTTATTAGGTTTAAATTACAATCATATTTT
ACTATATAGTAATTTCAAAAATTTAATCATTTCAAAACAATAAATTTGCTTTAATA

GACCGTTAAAACGAAACTTATCTATAGTTAAACAAATTTTTACTTATTTATCTACA
TTTTCACTTTGAAGCCGCATTAATTTCTTAAAATAATATCAGAATGTAAGAACAAT
TTAAATTTGACAACTTAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGGAAGGATAAACATGA
AAATGTATGTACATATAGAAGTTATCATTAAAATGTAATAGACAATTTTTGTTGG
CTTGACCATGTTATATATTACGTTCGATCAGGTGGGGCTTGTGGCTACGGCAACCT
ATGGGACAGCGGCTACGGCGCGGCCACGACGGCACTAAGCACAGTGCTGTTCAA
CGATGGTTATTCTTGCGGTCAATGTTTCCAAATACGGTGCGTGTCCCTCGCCTAACT
GCTACTACCGTTCACCAGCCACCGTGGTGACTGCAACCAACATATGTCCACCCAA
TTGGGGCCAAAACCTCCAACAATGGTGGCTGGTGTAAATCCGCCACGTGCCCATTTT
GATTTAGCTAAACCGGCTTTCATGAAAATCGCTAATTGGAAGGCTGGTATCGTCC
CCGTCTCATACCGGAGGTAAACCACCACAACCTTACATTACAAGTATATATATAT
ATGCATAAGATATTACAATTCTCTAGTTTCTCTTTAATCTTTTTCTTACATTTGTTT
TATAACAATACATGCAGAGTGGCATGCAGAAGGATGGGAGGAATCAGGTTCAA
TTTGAAGGAAATGGATATTGGCTACTTGTGTACGTAATGAACGTGGGTGGTGCTG
GTGATATCAAGTCAATGGCTGTTAAAGGTAGCCGCACGAACTGGATCAACATGA
GCCATAATTGGGGAGCTTCGTACCAAGCTTCTCTTCTCTCTATGGTCAATCTCTC
TCGTTCCGAGTCACTTCTTACACAACCTCGTCAGACCATTTATGCTTGGAAATGCTGC
TCCGGCTAGCTGGAGCGCAGGCAAGACTTACAAGAGCAGAGCTAATTTTAGCTG
ATTATTTGATTGAAAAGAAAAGGAAAACCGTTCTTGCCCTTTGTTCTTGAGGCA
AATCGACCGAGAGGCTACTTTTTTTAATAACTCGGTTTGATTATATATATTAGTAC
TTAATTCTTGTCTATTTTTATTTTTGTCCATCATTGGTTCTTGAGAAAAGGATATA
TCTCCTTCGTTTGCTTCAACGAGACAAATTGTAGACTTTTACGTGTTTAATTTTGT