

## IDENTIFICATION

**Species:** *Ricinus communis*

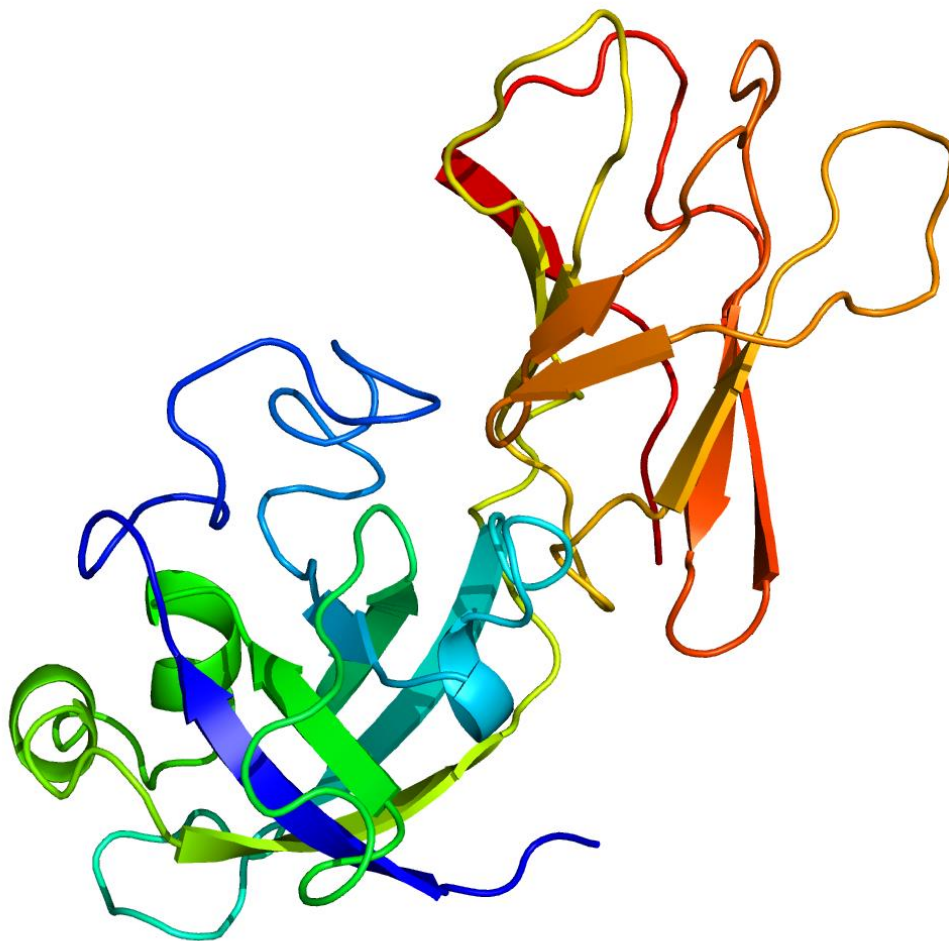
**Locus:** 29983.m003217

**Gene Model:** 29983.m003217

**Description:** RcEXPB-01

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

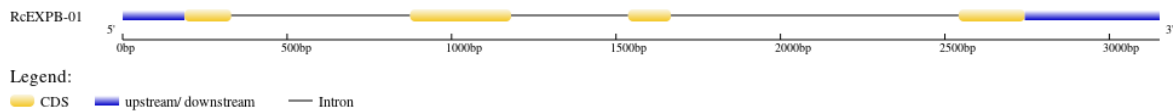
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis\\_v0\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis_v0_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01087>

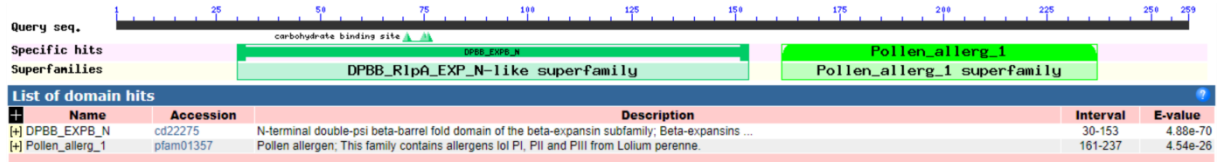
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>RcEXPB-01

MQFLALYIVVFLKCFVVYGGVHHRVTDLHWKPATATWYGSPDGDGSDGGACGYGS  
LVDVKPLKARVGA VSPILFKNGEGCGACYKVKCLDKSICSRRAV TIIVTDECPGGYCS  
NGRTHFDLSGA AFRMAITGESGQLRNRGELPVTYRRTPC KYPGKNIAFHVNEGSTN  
YWLSLLVEFEDGDGDV GSMHIREAGGSEWLEMNHLWGANWCIIGGPLKGPFSV KLT  
TLSTGRGLSARDVIPRNWSPKATYTSRLKFYPN

### CDS (coding sequence)

>RcEXPB-01

ATGCAGTTCTTGGCCTTGTACATTGTTGTGTTCTTGAAGTGTTTTGTTGTTTATGGA  
CAAGTTCATCACCGTGTA ACTGACCTACACTGGAAACCAGCCACCGCTACATGGT  
ATGGTAGCCCTGACGGCGATGGAAGTGACGGAGGGGCATGTGGGTACGGGTCTCT  
TAGTAGATGTGAAGCCGTTGAAGGCAAGAGTTGGCGCAGTGAGCCCAATACTGTT  
CAAGAATGGAGAGGGGTGTGGGGCATGCTACAAAGTTAAGTGCTTAGACAAGAG  
CATATGCTCAAGGAGGGCAGTGACCATAATTGTAACAGATGAGTGCCCCGGTGG  
GTATTGCTCCAACGGTTCGAACCCACTTTGACCTAAGTGGTGCAGCCTTCGGTTCG  
ATGGCTATAACCGGTGAGAGTGGTCAGCTCAGGAACCGAGGAGAGCTCCCTGTC  
ACTTATCGCCGGACACCATGTAAATATCCGGGGAAGAACATTGCCTTCCATGTTA  
ACGAAGGTTCAACAAATTACTGGCTATCTCTTCTAGTGGAGTTTGAGGATGGTGA  
TGGTGACGTTGGATCTATGCATATCAGAGAAGCAGGTGGCAGTGAATGGCTAGA  
AATGAATCATCTATGGGGTGCAAATTGGTGTATTATTGGTGGACCCTTAAAGGGA  
CCATTCTCAGTTAAGCTAACGACACTATCAACAGGAAGAGGACTTTCTGCTAGAG  
ATGTTATTCCAAGAACTGGTCACCAAAGGCTACTTACACCTCCCGCCTCAAATT  
CTATCCTAATTGA

### Nucleotide

>RcEXPB-01

CGCTACACATAAACAGCAAATTTACACTGTCGGCAAACCTCTTTTTTAGACTGCTT  
TTAACGTTTTTTCTTTTGTCCGCCGCTCGCCGTGAAAGTGACACTCCACTGGTGG  
TGGTTATAGTGGTGGCGGCGGCGGCTGGTTTCTCTTTTTTTTTTTCTTTCTT  
TCTTTGACTTGTCGTAACAATGCAGTTCTTGGCCTTGACATTGTTGTGTTCTTGA  
AGTGTTTTGTGTTTATGGACAAGTTCATCACCGTGTA ACTGACCTACACTGGAAA  
CCAGCCACCGCTACATGGTATGGTAGCCCTGACGGCGATGGAAGTGACGGTAGG

TCTCTCTTGTTATTTTATTCATCTTCTTCTTGCTGCTCTAATAGCTATTGCATTGTA  
GTTTGGATCTTTTCTTTTCAGTGGGTCTTGTTAACTCAGTGAGTTAAGTTGGAATTT  
CTGAATTTTAAGCTTGTTTACTACTATGTAAATTTTGTACAGCTGTATGTGTTAT  
GGCAAGTCACGGTCCAATTCTAGTTTACCCAGTTCCTGCTTTAGAATGCAAAGTTT  
GGACCTTTATGGCATTATAGCCCAGCATTAAAGTTTTTAGAATCGTTTTTCACTCT  
TTCACTAAACCCCAACTCCCATCCATTTCTTTACACAATACCCGAAGAGAAAAAG  
CACAATTTTTTTATCCACTAGTTGAATTGTGGGACGCTTATCTTACTATTCATACA  
TTTTATTGAAAGGCTAATGTATTAGTAAAAAAATTGAGAGGGTGTAAAAAATTGC  
TTCTAAAATGTCCAAAATGTGTACAAGTTCTTGAGAATTACTAGTCAATTATGTA  
ATAACTAAAAGTAATCATACACATGCTTTGTGCAGGAGGGGCATGTGGGTACG  
GGTCCTTAGTAGATGTGAAGCCGTTGAAGGCAAGAGTTGGCGCAGTGAGCCCAA  
TACTGTTCAAGAATGGAGAGGGGTGTGGGGCATGCTACAAAGTTAAGTGCTTAG  
ACAAGAGCATATGCTCAAGGAGGGCAGTGACCATAATTGTAACAGATGAGTGCC  
CCGGTGGGTATTGCTCCAACGGTTCGAACCCACTTTGACCTAAGTGGTGCAGCCTT  
CGGTTCGCATGGCTATAACCGGTGAGAGTGGTCAGCTCAGGAACCGAGGAGAGCT  
CCCTGTCACTTATCGCCGGTATGTAATGTACTATGTTGTCTTACTTTTGTGTGTGTG  
TACTACTTAAGTTTGGTCCTTTTATTTTTATTTTTATTTTTCTATAATTCTTTAGTT  
TAACGGTCTCTGTTTATTTTGTGTGTCATTTTTATTTTGTACCTTTGGTTTATTCTT  
TAAGTTGATATTATTATTTTCTTCAATTGTTTCTTTCCTAATTAATGGCTTTGTCA  
TCGAAAATGACCAAACGCCCCCTAGTTTTCTTGATAATTCTTTGTCTCTACCTAC  
CCTGGAAGTGTAGGCAAAGCAATTATTAAGAAATTAATGAAAATGAATTGTGT  
TTCCCTCCATTAATTTTTTTTTCATGCTTGTAGGACACCATGTAAATATCCGGGGA  
AGAACATTGCCTTCCATGTTAACGAAGGTTCAACAAATTAAGGCTATCTCTTCTA  
GTGGAGTTTGAGGATGGTGTGATGGTGACGTTGGATCTATGCATATCAGAGAAGTAA  
ATATACTCTACTCTTCTCCTTCACTTTCCATTCACTGGCACTTTTGTCTTCTCATT  
TTTTTGGGTTTACGGAGAGGAGACTAGAGACGTTTTTTCTTTTTTAATTAATCCAC  
TGACGACGAATTATATATAACAGGAGATAGTCATTCTTTATTCATATTAAGATTTA  
GACTCGTCGGAGTATTTTATTGGTGAACAGAAAAATATATTATTTAGGCTCCAGA  
GTGAGATACCAATTGCTTCTTGGGTCAATAAAGGGTAAAGGGTCTTTATTCTTTA  
GTAGGTTCTTTCTAGTGCATGTTCTAAAGCCTGCACTTCCCTCATTTACCTAAAAAG  
AGCTTAATGGCCAAACGTGCTATTAAAAAACAACAGAGCATATAAAAGGAATG  
GAAATTACATGAAAGTAAAAGATAAGTATTTTGTTTAGAGTAGATAATTCCTATT  
ATTGCGGATATGTTACCTGTTAATCATGTAGATTTGCTCAACACCACTCACTTCAC  
TCCCACCACTTTATCAAGAAAACATTGCCTTAATGTTCCCTTGCCTAATTAATCCA  
AGAAATATCCCATCTTGTATTATTTTATATAATCATGTTTCTCTAGTGGTGCCAAA  
TTTCTGAAAAGCACTTTTGCCTACCTATCTTTTTAAATTTTCTATCATATATGATAT  
GTCTTCAACAATTTTCAATTGATAATTGCATGTGACTTGGGGGCCACTCTGAAAAAC  
TTCATATTCTAAGCTACTTCTCCATACATTGATGAAAAAGAGAAAGGTTGCAAAT  
CTGTAGCTGTTGAAAGAAATAGCTAGACATACAAAGTTCATACTGTATTATTATA  
TAATCTGAGTGGGTTTTAAACATGTTTATAATGGCAGGCAGGTGGCAGTGAATGG  
CTAGAAATGAATCATCTATGGGGTGCAAATTGGTGTATTATTGGTGGACCCTTAA  
AGGGACCATTCTCAGTTAAGCTAACGACACTATCAACAGGAAGAGGACTTTCTGC  
TAGAGATGTTATTCCAAGAACTGGTCACCAAAGGCTACTTACACCTCCCGCCTC  
AAATTCTATCCTAATTGATATAACAATCTCCCAGTCTCTCTCCTCTTGGTCTGATT  
CTGAAACTGCTTTGGAGAGAGTCAAGAAACAGGAAACAAGGCCTTGTGTTTTTAT  
GCCAGAAAGCTCCTCTTGTCCCCTTACACAAATCTACCCAATCTGTTCTTTTTT  
GCCCTTTTCTTTTTATTTTTTAGAAGAAAAGTAGCTCTTGGATTGCATAATGGC  
ATCCATTGCTGTTTTTTCTCTTTCTGTTTTTGTTTTTCTTTCTTTCTTTCCATTCTGT  
TTTTCAACCCTAAAGTTTGTATGTTTGTGCAAGTGTTTTTCCGTAGAGGTAGCCCTCT

CCAAAGGAGAGAGAGCTAATAGTAATGTATTTTATAATGTTATTGGGGTATGAAC  
TATGTATTTTTTTTTTTTAAATCAATCTGGTCTTGC