

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

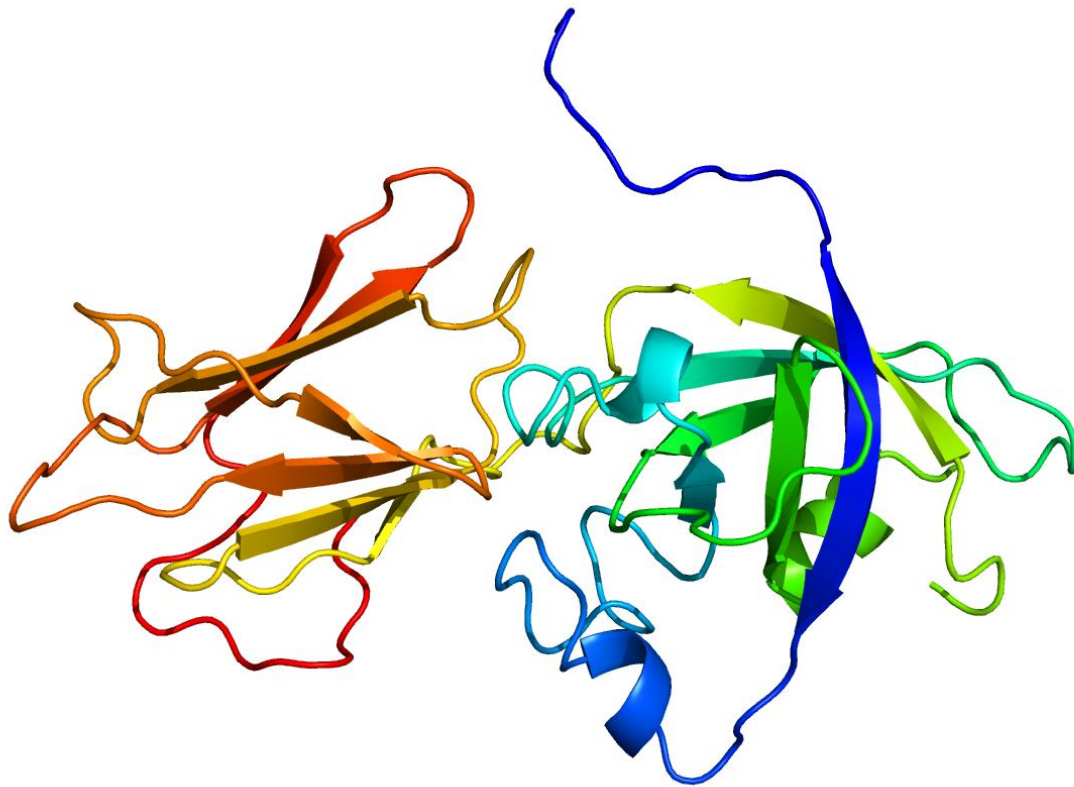
Locus: XP_011070988

Gene Model: XP_011070988.1

Description: SinEXPA-02

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

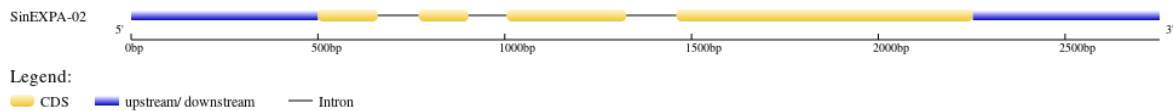
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

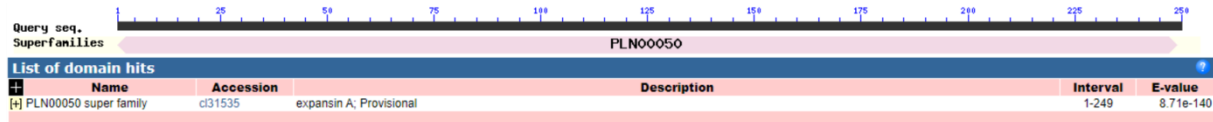
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPA-02

MAFLGVFLVGFLAMASHVQANGGGWINAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIKCVNDGQWCLPGSIVVTATNFCPPNNALPNN
AAGGGWCNPLHHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVA YRRVPCNRKGGIRFTINGHSYF
NLVLITNVGGAGDVHA VSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSFKVTTS
DGRTVVSYNVAPASWSFGQTFSGAQFR

CDS (coding sequence)

>SinEXPA-02

TGTGTGACTAGTGACTGTAGCCAGAAAAGCTCCCAACCCACCCCAAGGGCTACTA
CTTTCCTTACCTCTATTTAAATCACCACACTCCTTCAAACGCTCCTCACTCAGCTC
CTCACATCCGTTGTCTAGCATTGCTTTCCAGGGCCTAAGCTCAACAAGTGAAA
ATGGCTTTTCTTGGAGTTTCTTGGTTGGTTTTCTTGCAATGGCGTCGCATGTTGAG
GCCAACGGTGGGGGATGGATTAACGCTCATGCGACCTTCTACGGCGGTGGTGATG
CCTCTGGAACAATGGGTGGTGCTTGTGGGTATGGGAATCTGTACAGCCAGGGTTA
CGGTACAAACACTGCAGCACTAAGTACAGCCCTGTTCAACAGTGGGCTGAGCTGC
GGTTCCTGCTACGAGATTAAGTGTGTGAATGACGGGCAATGGTGTGTTGCCGGGCT
CAATTGTGGTGACCGCCACCAATTTCTGCCCCCAAACAATGCCTTACCCAACAA
TGCTGCGGGTGGCGGGTGGTGCAATCCTCCCCTGCACCACTTTGATCTCTCTCAGC
CTGTTTTCCAGCACATCGCTCAGTACAAAGCTGGAATTGTCCCTGTTGCTTACAGA
AGGGTACCCTGCAACAGAAAGGGAGGCATAAGGTTACCATTAATGGACACTCC
TACTTCAACCTAGTACTCATCACCACGTTGGTGGAGCCGGGGATGTTTCATGCTG
TTTCCATCAAGGGGTCCAGGACCGGGTGGCAGCCCATGTCAAGAACTGGGGAC
AGAACTGGCAGAGCAACTCCTATCTCAACGGCCAAAGCCTGTCGTTTAAGGTCAC
GACAAGCGACGGCCGACCGTCGTCCTACAACGTCGCCCCGGCTAGCTGGTCCG
TTTGGGCAAACCTTCTCCGGAGCCCAATTTTCGTTAAATGAATGATTTTGGAGTTGT
CCCATATCAAAGTTTTTAGCAGGAGGGAGATTTAATAAATTACTAGAAGTTAGGT
ATTTGGATATTGTTATGAAAACATATATATGGTCACGAATATTAGTAGTGTGACTT
TATTACAATGGGAAGTTGATGTTGAAGGGGACTAATTTTAAATGGTCCTCGTCTTT
GAGGAGGAGGGGCACTCAATTTATGAGGGGCTTTCTCCTTGCTCTTGAGGTTCTTT
CCTTTACTTTTTCTTTTTTGGGAGTTTTAAGGTGGCCGAGGTGGAATTATCACCAC
CCGCTTACTATTAAGGTAGTCCTAGTGGAGTTACATGTGGGACTTTTATGAATCTC

TTTTGTCTTTAATTTCTGGGTTTCAGCATCATGTGAGCTGAAGGAGTTATCCCCTAG
TTAGGATTGTGTTTGTACGAAGCAAGATGTAAATTTTCGATTTGAGTAGTAATGA
AATGGCTTCTTTCTTCTTCC

Nucleotide

>SinEXPA-02

GTTCCCAATAAAAATCAAGAAATAGAGTACATCAAAAAGTAAATACATACAACAA
AGCAAAGAGGGATAGGCCGGTTGGGGAAGATAACAAAAGTTAAAGGACCTTTGC
CGCAAATTGGCATTGCTTGCACATGCTATGGAATTCAATTCACACAATGTTTTAC
CCTGGAAACCCACTTGGGATATGTCAACTTTCCCTTGTAATATCATTCTTTTCTTT
TCTTTTATTTAATATATTACAATTACATTATAAATTTTAATTATTACCATTAATCT
TTATAATTGACAATAAACTATTATTGACGTAAATTAGTATTACAAAATTTCAATTT
ATTAAGAAAATAAACGTGATTGGACAAAAGAGTCCCATCAAAAATAAAACCATT
CAGCAAGGCATGAATTTACCTTTGCAGGCAGCATCAGAATCTGTTTCTGGTTTAA
ATCGTATCAGTATCAGTTGTTGGTCCCCACAACAGCCCTAAAAATTTTCAGTTAG
TTGTGTGACTAGTACTGTAGCCAGAAAAGCTCCCAACCCACCCAAGGGCTACT
ACTTTCCTTACCTCTATTTAAATCACCACTCCTTCAAACGCTCCTCACTCAGCT
CCTCACATCCGTTGTCTAGCATTGCTTTCCAGGGCCTAAGCTCAACAAGTAATT
AACTAACATCTCATTTCCTCTCAACAATTTTAGGATGTCTATTTTCTTGAATTTAC
AAGGAAAATGCTTCTAAGACAGCACTTGTCTTTTCTTCTTCTGCAGGTGAAAAT
GGCTTTTCTTGGAGTTTTCTTGGTTGGTTTTCTTGCAATGGCGTCGCATGTTCAAG
CCAACGGTGGGGGATGGATTAACGCTCATGCGACCTTCTACGGCGGTGGTGTATGC
CTCTGGAACAATGGGTATGCTAATAAAAATCACTTCTTTTTTACCATTTTTTACTTA
GGAAAAGTGCATGTTTAGTACTAACTAAACCTTTTCACTGCCTGAAATTCTTGG
AACAGGTGGTGTGTTGTGGGTATGGGAATCTGTACAGCCAGGGTTACGGTACAAAC
ACTGCAGCACTAAGTACAGCCCTGTTCAACAGTGGGCTGAGCTGCGGTTCTTGCT
ACGAGATTAAGTGTGTGAATGACGGGCAATGGTGTGTTGCCGGGCTCAATTGTGGT
GACCGCCACCAATTTCTGCCCCCAAACAATGCCTTACCCAACAATGCTGGCGGG
TGGCGGGTGGTGCAATCCTCCCCTGCACCACTTTGATCTCTCTCAGCCTGTTTTCC
AGCACATCGCTCAGTACAAAGCTGGAATTGTCCCTGTTGCTTACAGAAGGTAAAA
TTATTTATATTACTTTTTTTCTTTTTTACAGAAAAAAGGCCAATTTAGTACAGA
ATTGAATTGCCATTTCTCCTCTGTAATGACATAAACTGACTGATTTTACTGTTGT
GGGTTTAATTCTTGTAGGGTACCCTGCAACAGAAAGGGAGGCATAAGGTTACCA
TTAATGGACTCCTACTTCAACCTAGTACTCATCCAACGTTGGTGGAGCCGG
GGATGTTTCATGCTGTTTCCATCAAGGGGTCCAGGACCGGGTGGCAGCCCATGTCA
AGAAACTGGGGACAGAACTGGCAGAGCAACTCCTATCTCAACGGCCAAAGCCTG
TCGTTTAAGGTCACGACAAGCGACGGCCGCACCGTCGTCTCCTACAACGTCGCCC
CGGCTAGCTGGTCGTTTGGGCAAACCTTCTCCGGAGCCCAATTTTCGTTAAATGAA
TGATTTTGAGGTTGTCCCATATCAAAGTTTTTAGCAGGAGGGAGATTTATTAATTA
ACTAGAAGTTAGGTATTTGGATATTGTTATGAAAACATATATATGGTCACGAATA
TTAGTAGTGTGACTTTATTACAATGGGAAGTTGATGTTGAAGGGGACTAATTTTA
AATGGTCCTCGTCTTTGAGGAGGAGGGGCACTCAATTTATGAGGGGCTTTCTCCT
TGCTCTTGAGGTTCTTTCCTTTACTTTTTCTTTTTTGGGAGTTTAAAGGTGGCCGAG
GTGGAATTATCACCAACCGCTTACTATTAAGGTAGTCCTAGTGGAGTTACATGTG
GGACTTTTATGAATCTCTTTTGTCTTTAATTTCTGGGTTTCAGCATCATGTGAGCTG
AAGGAGTTATCCCCTAGTTAGGATTGTGTTTGTACGAAGCAAGATGTAAATTTTC

GATTTGAGTAGTAATGAAATGGCTTCTTTCTTCTTCCTACTTTTGTCTTTATTTTC
GTTTCGCCTTTTCCCAATCTTAATATTCCATCTTAGTTCAATTCATTCTTTCTTTT
CCAGTTATTAGAGGGTTAAATAAGTAAATCTTGCTGCAACAACAATTTCTTTCTT
TTTCTTCTTTACCAATAACTACTTCCAAGTTTAACTTATACAAATTACGTGTATAA
TATTTTTAAATAAAATAAATAATGTATATTTTTAACTAAAATTATAATAAAATTTG
TAATAGAAAATTCATCGGCCATGTCAAGATGTCGGAGGAATGTATAAAATTGGGT
TTGAGATTCTAACCAGGCAGCTTGTATAAGAGGTAGAGAACCGAAAAGGCTAAG
CCCAGATTGTCCACATAAAGACAATAAAAGATCTTATTCTTTTCTTTAACTTTGCT
CTTGCATTTAAGGTAAAGGGGGAAATTAATCTTGCAACATAGTTAAAGAATAAT
GTTTATTTAAGGGGAAGAAAATAAAGTCGCTTT