

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

Locus: AUR62017327

Gene Model: AUR62017327

Description: CqEXPA-41

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

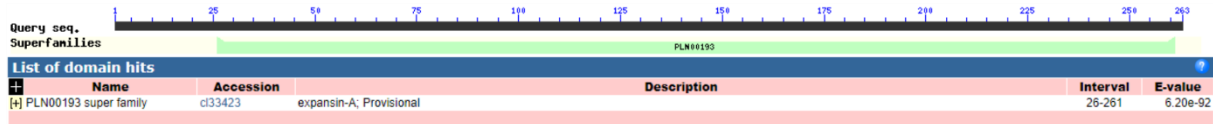
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-41

MRFSLFISVVAVLGTVQLSNGYAMNYKPSKWSYAHATFYGDDSAETMGGACGYG
NLFNNGYGTNTAALSTVLFNNGYGCGSCYQIMCIGSKWCNSRGYGHGPTSITVTATN
LCPNWAQDSNAGGWCNPPRAHFDLSMPAFKCLAFWKAGIVPVQYRRVPCVKKGG
IRFSLQGNNYWLLTTVMNVGGAGDIAKMWVKGSRGTGWISMHNWGASYQAFACL
GGQCLSFKIQSYSTRETIVAYNVVPPYWSISMITYQAIVNFR*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-41

ATGCGATTTAGTCTGTTCAATTCAGTAGTGGCAGTATTAGGAACGGTGCAATTGTC
AAACGGATATGCTATGAATTATAAGCCAAGTAAATGGAGCTACGCACATGCAAC
TTTCTATGGTGATGACAGTGCCTCTGAAACCATGGGAGGAGCATGTGGATATGGA
AATTTGTTCAACAATGGGTATGGAACAAATACAGCTGCATTGAGCACAGTATTGT
TCAACAACGGATATGGTTGTGGTAGTTGCTATCAAATAATGTGTATCGGATCAAA
ATGGTGCAATAGTAGGGGTTATGGCCACGGCCCGACTTCGATTACTGTCACGGCC
ACAAATCTATGCCCTCCAAATTGGGCTCAGGATAGCAATGCTGGTGGCTGGTGCA
ACCCTCCTAGAGCCCACTTCGACCTCTCCATGCCTGCATTCAAGAACTTGCCTTT
TGGAAGGCTGGCATTGTTCTGTCCAATACCGAAGGGTTCATGTGTTAAGAAGG
GAGGCATAAGATTTAGCTTACAAGGAAACAATTATTGGTTACTAACGACGGTAAT
GAACGTTGGTGGTGCGGGTGACATTGCCAAAATGTGGGTGAAAGGTTCAAGAAC
CGGATGGATTAGCATGAGCCACAATTGGGGAGCTTCATACCAAGCCTTTGCTCAA
TTAGGAGGCCAATGTCTTTCCTTCAAATCCAATCTTACTCTACTCGTGAGACTAT
TGTTGCCTATAATGTTGTCCACCTTATTGGAGTATAAGCATGACTTATCAAGCTA
TAGTCAACTTTAGATGA

Nucleotide

>CqEXPA-41

ATGCGATTTAGTCTGTTCAATTCAGTAGTGGCAGTATTAGGAACGGTGCAATTGTC
AAACGGATATGCTATGAATTATAAGCCAAGTAAATGGAGCTACGCACATGCAAC
TTTCTATGGTGATGACAGTGCCTCTGAAACCATGGGTATATATCATTAATCATTA
TTTATTTGATTTATTTTATTTTATTTTATTAGTGTAATCCTTTATATACATGATGTCT
AACTTCTATTTCCATCATATAATTAGTGATGGTGATTATTTTAACCCTCAAATAGC

TTATTTAAATACTAGTGCTACATTAAGGTTAATCACTTAAAGAATTGTAGTATCTA
TGTTAGAATACATAATTTTTTATGTAATATGAAGTATGTTTAGATTTATGAGAAAA
ATTACTATATTTGATGATTAACATAAACAACACTATTAACCTATAGACATACATGTCA
TCTCTCTTTATTTTTGATTGAGCCTATTAGGCTATTACCTATTTTCATAGTTTTTAA
CATAGTGAAGTTTTTCAACTATTATTATATGAAATGCTGATTTTTAATTTATATTA
TATATATAGGAGGAGCATGTGGATATGGAAATTTGTTCAACAATGGGTATGGAAC
AAATACAGCTGCATTGAGCACAGTATTGTTCAACAACGGATATGGTTGTGGTAGT
TGCTATCAAATAATGTGTATCGGATCAAAAATGGTGCAATAGTAGGGGTTATGGCC
ACGGCCCGACTTCGATTACTGTCACGGCCACAAATCTATGCCCTCCAAATTGGGC
TCAGGATAGCAATGCTGGTGGCTGGTGCAACCCTCCTAGAGCCCCTTCGACCTC
TCCATGCCCTGCATTCAAGAACTTGCCTTTTGGAAAGGCTGGCATTGTTCCCTGTCCA
ATACCGAAGGTAATAAACTAAGCTATACACCGATCCTACATGTTCTTTTTTTTTT
TTTTTGTTTTTTTTTTGTCTAAACCTAAGCTACATACTACAGAGTATTATGCATTAG
AAGTTTCCCTTGTAAGGAAGGTCCCCTAATAGCCTCTGTTTTTCTAACCTCTTTAT
ATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATGAAAAAAAA
GAGCTACATACTATTTGTTTTTAGTATTATTTTATAAAAAGTATCATTAAATTAATGC
TCTCGACCTATTTTAAAGCTTTATTATTTGGATACCACTTTGAATCCAAGTTAAGT
TAATATACAAAGCATTATAGTTTAATTTTGTATTTTATGTCAAACATACTTTTAT
CTGTATAAATTCATTTATAATTAATTTTATATTCATTGGTGACGGAATAGGGTCC
ATGTGTTAAGAAGGGAGGCATAAGATTTAGCTTACAAGGAAACAATTATTGGTTA
CTAACGACGGTAATGAACGTTGGTGGTGCGGGTGACATTGCCAAAATGTGGGTG
AAAGGTTCAAGAACCGGATGGATTAGCATGAGCCACAATTGGGGAGCTTCATAC
CAAGCCTTTGCTCAATTAGGAGGCCAATGTCTTTCCTTCAAATCCAATCTTACTC
TACTCGTGAGACTATTGTTGCCTATAATGTTGTCCCACCTTATTGGAGTATAAGCA
TGACTTATCAAGCTATAGTCAACTTTAGATGA