

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

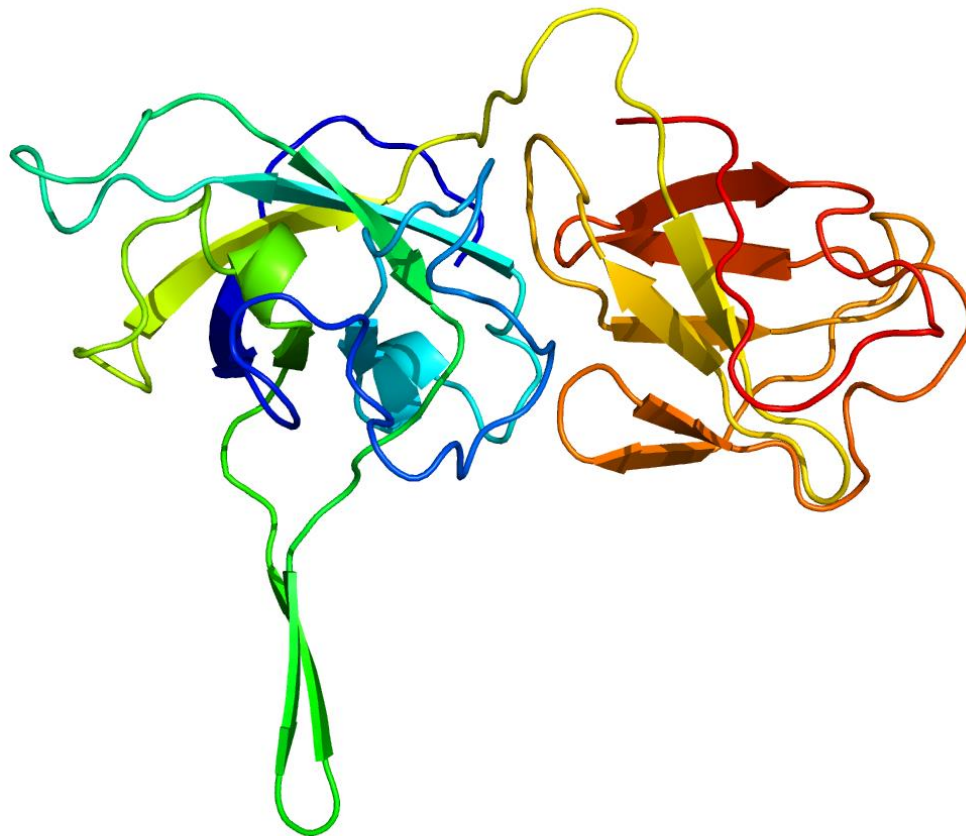
**Locus:** Ca\_08945

**Gene Model:** Ca\_08945

**Description:** CarEXPA-12

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

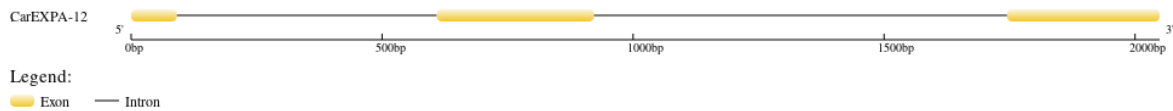
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

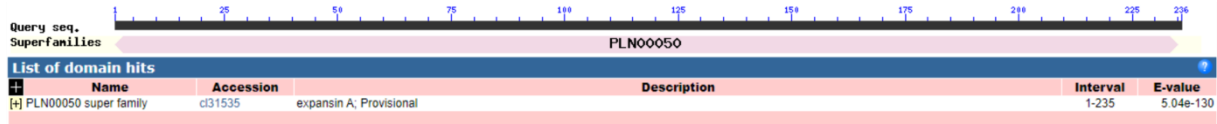
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPA-12

MNMQSAIADYGGWEGAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQGYGTNTAALSTA  
LFNGLSCGSCYEMRCNDDPRWCKPGSIIVTATNFCPPNPSLANNGGCNPPQLQH  
DMAEPAFLQIAEYRAGIVPVSFRRVPCMKKGGIRFTINGHSYFNLVLTNVGGAGDV  
HSVSIKGSRTGWQSMSRNWQNWQNSYLNQPLSFQVTTSDGRTMTSYNVAPSN  
WQFGQTFQGAQF\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPA-12

ATGAATATGCAAAGTGCTATAGCTGATTATGGTGGTTGGGAGGGTGCTCATGCCA  
CTTTCTATGGTGGGGGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTGGAGCATGTGGATATGG  
TAATTTGTATAGCCAAGGATATGGAACCAACACAGCAGCACTAAGCACTGCTTTA  
TTCAACAATGGTTTAAGTTGTGGATCTTGCTATGAAATGAGATGCAATGATGATC  
CAAGATGGTGCAAACCTGGCTCTATTATTGTTACTGCCACAAATTTTTGTCCACCA  
AATCCATCTTTGGCTAATAATAATGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTTTGCAACATTT  
TGATATGGCTGAACCTGCCTTCCTTCAAATTGCTGAATATAGGGCTGGAATTGTG  
CCTGTGTCCTTTAGAAGAGTGCCATGTATGAAAAAAGGAGGAATAAGGTTCA  
ATCAATGGACACTCTTACTTCAACCTAGTTTTGGTCACTAATGTTGGTGGTGTGCTGG  
AGATGTTCAATTCAGTTTCCATAAAAGGTTCAAGAACTGGGTGGCAATCCATGTCA  
AGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCTTACCTTAATGGTCAACCCCTTT  
CATTTCAGTCACCACAAGTGATGGTAGAACTATGACAAGTTACAATGTGGCACC  
ATCCAATTGGCAATTTGGTCAAACATTTCAAGGAGCTCAATTTTAG

### Nucleotide

>CarEXPA-12

ATGAATATGCAAAGTGCTATAGCTGATTATGGTGGTTGGGAGGGTGCTCATGCCA  
CTTTCTATGGTGGGGGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTGAGTTTAATAAATTAATT  
TAGCTTTTTTATTTCTTTATTTTATATATTTAGTCTTTTGTTCCTTTTTAATGTTTCA  
TTCTATATTTTATTTAATGAACTTTACACTAAAAGTTATAGGATTTGTGATGGTT  
ATGCAATTAGCTTGCTTAGTTTTTTTTATGTGTTACACATTTATAATTTTGAAAATT  
GTCACCTATAAACTTTTCCAATTAGCAATGTTATTTTGTGTTCTTAAGGATTTTATA  
CCTACCTTTGATTTGAGAAAATGTTCTTAGTTTGTTCCTTAATAACTATTTTTATA

TTTAAATACAAAATTTACACATTATTTTCAATTTGTATGACTAAAACATCACTTAA  
AGAATTCAAGTTGAACAAAGTCAACAATAGTACACTACTATTTTTATCTTTGTCA  
AGAAAATATATTATTTACTTTATTTATTTTAGAAAATGTGATTCTTGATAATT  
AAGATGTTGAGGTTTATTAATATTGATTTGTTTTATATATATGTAGGTGGAGCATG  
TGGATATGGTAATTTGTATAGCCAAGGATATGGAACCAACACAGCAGCACTAAG  
CACTGCTTTATTCAACAATGGTTTAAGTTGTGGATCTTGCTATGAAATGAGATGCA  
ATGATGATCCAAGATGGTGCAAACCTGGCTCTATTATTGTTACTGCCACAAATTTT  
TGCCACCAAATCCATCTTTGGCTAATAATAATGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTTT  
GCAACATTTTGATATGGCTGAACCTGCCTTCCTTCAAATTGCTGAATATAGGGCTG  
GAATTGTGCCTGTGTCCTTTAGAAGGTTAGTGAATATATAAATTTGGCAATTATGT  
CTCAAACCTTAAAAGATTTTAATTTTCATATAATGTAAATTTTTTTTACATTATTGAC  
AGATTATAATATTTGTTTGCFTAATTTTTTAAATAATTTTAGTTAAAGTGAAATAT  
TTTTAATAATTTAACTATTATGATTAATTTATTGAGAGTATAAAAACCTATTTATTC  
TAGCCGTGGTGTATATAAATTAATACCAAACCTTAAAACCTACAATTAATTGTGTT  
GTTGATATAGAACTATACCTTACTTCCACCTAATTTATAAAGTGAAGATATTAAT  
GTTGAAAACCTAATTTACCCTTATTGGAAACGTGTTATAAAGATTAAACACTTATT  
CTCTTTGTAGAACTTGGTATGGTCTTTTCACAACCATTGGAAAATTAGGATAGTTT  
CTATAGAACATTTATTTTCATCTTTTCATGTCAAATATTTGTTGAGTAAAAAGATAG  
GATAATAATATTTATAGAAATATTATATAGGTCTGACACGTCGCATTAGTTTTCAA  
GTCTTTGATATTGAAGAGAATTGTAATTACATTAATCTCGATTGTAATTGTGGAG  
ACATAAAACACTTTGTTGTAATAAAAATAAAGATTAAAATAAGAATATTTTAAAC  
TTGATGTAGTGATATGTGCTAAAATATAAATATAATATTTTAGGCCGATTCCAAA  
CATAAAAACCAGCCTCAAATTGCATATATACTATGTAAAAAATAAATTATTAATT  
GTTGATGTGTCTAAGAAGTAATGATTTTGAATTTTTGTTTAACTTTGATTTGGTGA  
TGATGATAACAGAGTGCCATGTATGAAAAAAGGAGGAATAAGGTTCACAATCAA  
TGGACACTCTTACTTCAACCTAGTTTTGGTCACTAATGTTGGTGGTCTGGAGATG  
TTCATTCAGTTTCCATAAAAGGTTCAAGAAGTGGGTGGCAATCCATGTCAAGAAA  
TTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCTTACCTTAATGGTCAACCCCTTTCATTTT  
AAGTCACCACAAGTGATGGTAGAACTATGACAAGTTACAATGTGGCACCATCCA  
ATTGGCAATTTGGTCAAACATTTCAAGGAGCTCAATTTTAG