

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

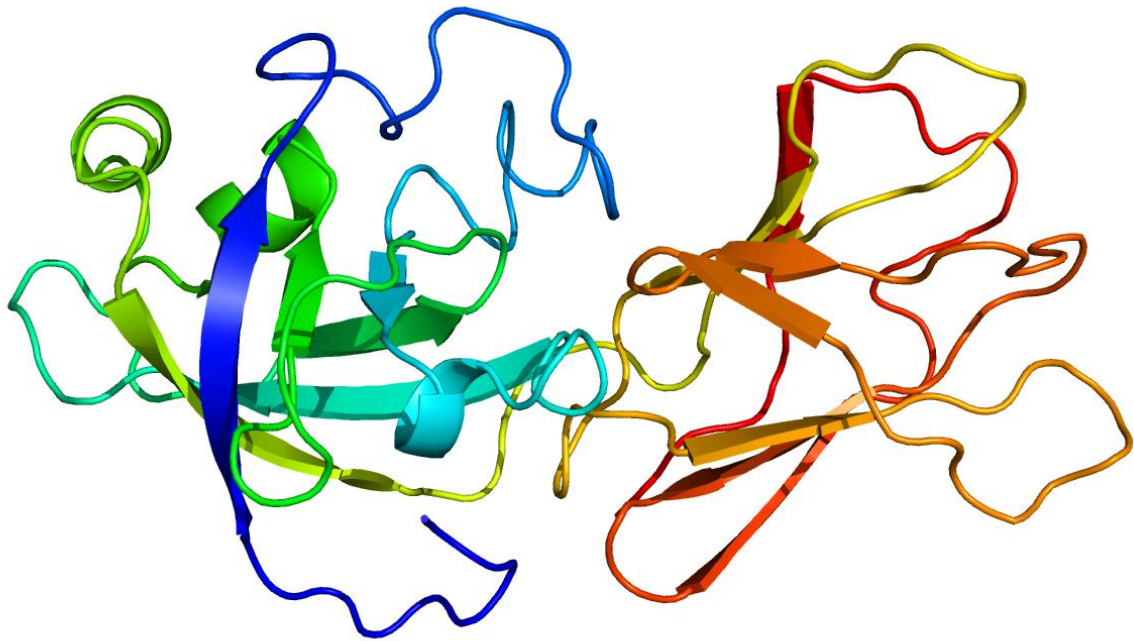
**Locus:** XP\_015953447

**Gene Model** XP\_015953447.1

**Description:** AdEXPB-03

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

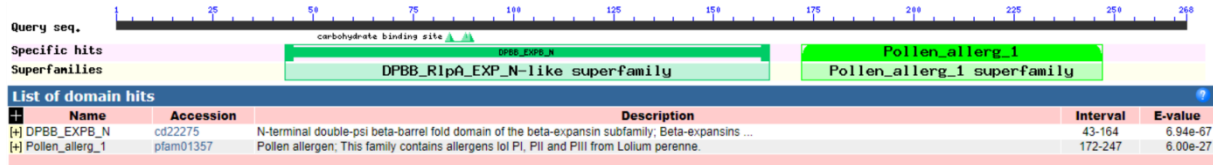
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPB-03

MPDYRSFASSNPSFFFLFSIVLKLMVPCAAEIQPQRHATDLHWYPGTATWYGDPEGD  
GSTGGACGYGTMVDVKPLRARVGA VGPLLFMNGEGCGACYKVKCVDSICSRRAV  
TVIITDECPGCPDQTHFDLSGA AFGRLA IAGENGQIRDRGQIPVIYRRTPCKYPRKIA  
FHVNEGSTPFWLSLL VEFEDAEGDLASMHIREGGSSEWLQMNHLWGANWCIIGGPL  
RGPFSVKLSTSSGRTL SARDVIPTNWV PKATYTSRLNFYA

### CDS (coding sequence)

>AdEXPB-03

AAACCCTTTTAACGGTTTCACTCAAAAAACCCAAACTTAGTAGTAGTCCCCTCAA  
CTCCCCCTCTCACTCTTTGCGCCACTTAAGTGTCGGCAACGCCACACGACACC  
GTTTTTTCCCCTCCTACTACCAGGGGTGGCGCGCCACACATTATTCTTACAAACA  
CAATGCCGACTACCGTAGCTTCGCCTCGTTCGAATCCGAGCTTCTTCTTTTTGTTT  
AGCATTGTGTTGAAGCTCATGGTGCCGTGTGCGGCGGAGATAACAACCTCAGCGCC  
ATGCCACCGACCTACATTGGTATCCGGGGACCGCCACGTGGTACGGTGATCCCGA  
AGGTGACGGCAGCACCGGTGGAGCATGTGGGTATGGGACCATGGTGGATGTGAA  
GCCATTGAGGGCGAGGGTGGGGGCAGTGGGTCCCCTATTGTTTATGAATGGTGAA  
GGGTGCGGCGCGTGTTACAAGGTGAAGTGTGTTGACTCATCTATATGCTCAAGGA  
GAGCTGTGACGGTTATTATCACCGACGAGTGCCCCGGCTGCCCTCTGACCAAAC  
ACATTTGACCTCAGTGGTGCCGCCTTTGGCCGCCTTGCTATCGCCGGCGAGAAC  
GGCCAGATCAGGGACCGTGGTCAAATCCCCGTCATTTACCGAAGAACACCATGTA  
AATACCCTGGAAGAAAATTGCCTTCCATGTCAATGAAGTTCCACACCTTTTTG  
GTTATCACTTCTTGTGAGTTTGAAGATGCAGAGGGAGATTTAGCCTCCATGCAT  
ATAAGAGAGGGAGGGTCAAGTGAGTGGCTGCAGATGAATCATCTATGGGGTGCA  
AATTGGTGCATTATTGGGGTCTTTAAGAGGACCTTTCTCAGTGAACTAAGCA  
CTTCTCCGGAAGAACCCTCTCTGCAAGAGATGTTATTCCTACCAATTGGGGTCCA  
AAGGCCACTTACACTTCTCGCCTAAATTTCTACGCCTAAGGTTCCCTCCCAATCTT  
GGTATCATCACTTCTTTTTTTAACTGGTTATAAACTTGGTCAACTCCCACAACC  
CAAAAAAATAGTCTTCATGGCCTTCTTACGTGGATTTCCCTTTATATGTTGCCAGT  
GCTTTGCACAATTTTACTACTACAATAGTTTTTCACTTGTTCCTTTTTTTTTTACC  
CTTTTC

## Nucleotide

>AdEXPB-03

TAATATATACTAATAATAAATCCGTGTCCATTATTCTTTCTTTTGGTCAACATGGA  
AATTAATTAGTGCAAGGAAAAAATATAAAGGATAAAAAAATAACAGAGCTATAA  
GACCCCACTTGCTGCACTTTTCCGTTTTTCACACATGATTATCAAGGCAAAAACTA  
GACTCAAGAATCAACATTCAAGAACACAAAATAAATATTCATTAAGAGCCC  
AACAGGCCACCCAGTACACACACAGTACAACACGCAATTCACACTACACGCTCT  
CTCTCCTCTTTTGGAGAGGGCTACATATGACATTTACTACCAACAATTACACACAC  
CAGAAAGGTAGGTATACAAAATCAATCAAGACAACACTGAGAAAAAAAAAAAAAGA  
AAAAATAATAATAAGAAAAGGGAGAAAGGATCCTTTGGATACATGCCGCTTAT  
GCCTATGCACTCCAAAGTCCAAATGGCTACTTTTCTTATAAAAAAAAAAAAAAGAAA  
GAAAAAGAAAAGGGTGAAAAAAAAAAGGAAACAAGTGAAAAACTATTGTAGTA  
GTAATAATTGTGCAAAGCACTGGCAACATATAAAGGGAAATCCACGTAAGAAGGC  
CATGAAGACTATTTTTTTGGGTTGTGGGAGTTGACCAAGTTTTATAACCAGGTAA  
AAAAAGAAGTGATGATACCAAGATTGGGAAGGAACCTTAGGCGTAGAAATTTAG  
GCGAGAAGTGTAAGTGGCCTTTGGAACCAATTGGTAGGAATAACATCTCTTGCA  
GAGAGGGTTCTTCCGGAGGAAGTGCTTAGTTTCACTGAGAAAGGTCCTCTTAAAG  
GACCCCAATAATGCACCAATTTGCACCCCATAGATGATTCATCTGCAGCCACTC  
ACTTGACCCTCCCTGCCAATACCAAAGTCCAACAACAATGAAACAAGAAAACA  
CACCATCAGTACTATTAAAAATCTATGTGATAGCTTCAAATCTAAAATAAAGGTGA  
ACAACAAAATTTTGATCGTTGGTATCCAAGTCACATTAATAAATTTAAAGCCTTATTT  
AGTAATTGTCTAAAAATAGAAAGATGAAGACACAAATTTGTTTTTTCTTTTAGAA  
AAAAAACATATGACAATAGGTAAAATATTTTAGTTTTGAATGAAATTTGTCCAA  
TTTTTATTGTTTACCCAAACTGGAAAAAAGGAAAATAATGACGGAAAACACAGC  
ATTTTGTCTTATGTCTCTATTGTCCTAGTATTTTACTATTTTTGTCTTAAATTA  
CTGAACACAACCTTAAGATGAAAAGTGAATGTTAGAGTGGCATAGGATGATACAG  
ATGCTAAAAACATAAATTAATTTACTGTGAATATTTGCAAATAAAATTAGTTG  
GAGTTGGTCCCCTTACCTCAAAGAACAGTATAAGAATTATCAATAATAATTTCT  
TCACTGAGCACTGAGGAGAGATATCTATTATTATCTTATGTAGAGAATTGTATTAT  
TTATTATGTCAAATTGCAAATAAGATTGCAAAACCTAAAAAACTTTATGGTCCT  
ATGCATTAACCTTTATGTCCCTAGATAAGACTCAGTGGGGAGAGGTATGAAATGAA  
ACACACAACAATGGTCCCAAAATAAGAGCATAACAGTAAAAGCACCACAAAAGGA  
ATATTGCATGCCAATGTGCCAGATTATGTGTATCAGGAATGACCTTATGATAATG  
ATATCATATTTAATACAGATGAAAGAAAAGAGTAATGCAAATTGCGATTGCAA  
AACTTGCCAAGATAATCTAATCTAACTGAAAAAGGTGGTGAGAAAAAAAAAAAAAG  
GCACATGAATTAAGGAGACACGTCCGCAGCATTGTGAAATGTGAATTGTCCATTC  
TGGACATGGGACTAACATAACATATTAACATGCTATTCTTCTACATTTCCCTTTTT  
ACATTGATCAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAATCTAGTGACCACGA  
TGCTTAATTTACGTTTAGGCCAATTACCCTTGGTCAAATCTGAAACACTTTTCAA  
GAACCAGTGTTCCAAGGATTCCAAAGATTCAGATTAGTAGTAGACTATTAGCAAC  
CCATTGCTCTTTATTACTTAAATAAATCAAGTGTGGATTCTACCTATAAAATATAT  
GATTAAGTCTCAATAAATTATTGTACTTAAAAGGATAAATAATCGAGGCTAGCTG  
TAGTAGCATCTGTTCTTTGAACAGAAGCTCATGCTTCTCTTGTGCAATTATTTA  
AACTCGTTCTCCCTCATATTTTAATACATTTATTGTTTCATGTAATATAAATTGAG  
ATAATTAAGGAATAAGCATTAAAAGAATGAAAAATAACATATAAATAGCTAAAG  
GAAGATAATGCATACCTCTCTTATATGCATGGAGGCTAAATCTCCCTCTGCATCTT

CAAACCTCAACAAGAAGTGATAACCAAAAAGGTGTGGAACCTTCATTGACATGGA  
AGGCAATTTTTCTTCCAGGGTATTTACATGGTGTCTGCAGACAATCAAAGAACA  
AAATTCGTTTACTACACAAATTGACATTTTTTCAAATGTTCCTTTCCTTTAATCTA  
CAAATAATAAGGTGCATCAATCAAGATTCACATGATAGTGTCCAATATATAG  
AGAAATACACAGGACAGTGAAAATACAACATGAAAAGTTCGGTAAATACTACAA  
GAAAAGCTAAACTAACAAAAGCAGTCAAAAAGTTAAATTTGGGAAAATTATAGAA  
AAGAAAAGAAGTAGTCAAAGGGTCAACACAAGCAGGGAAAAGGCCTGGAGCAA  
ACTCCAGAAAAAACCTTTAATATTTTTAACTCTGTGTAAAAAATTAATTGAATA  
AAATTTTATGTCTATTTAACTATTTTATTTGCCAGTTTTTACACCATGCTCATGTAA  
AGTGTATATAAAATTATACGAGGGATAAACTAGAAATTTAACAAGAATAACAA  
ATACAATAATACAGAATAACAGATAAAGTGAATCAATATAACTAAATGCTGGC  
ATTGAGTGATTTTAATAGTGGCCTGACAACATGGCTAAAGAAATAAAGGAAACA  
TCAGAAAACAATTCAGTATTAATAAACCAGTTCATTTAATTTGCAGGGGAAGAA  
AAAACCTCAACAGTCAAAAATGGAAAGACCGAAATACAAAACATTCTTTGTTTTTC  
TTCTCCTTTCAAATGAAAAACAAATTTATTTATGAGTTCCTATTTATAAAACA  
ATAAGGGTAGGAGATCGTTAAATTTTAAATAAATATTTAATTAATAATAATAA  
AACATCATCAAATTTTTTATTATTTATTATTTTAAATTAATTATTAATTTAAAAA  
TATAAACCAAAGAAAATTATTAGATTAATAAACTAAATAAATTAATTAATAAATT  
AATAATTAATAATAATTGTAAAAATAATAAATTTTTATCATCTTCTAGAATTTCTT  
TTAATTAATATTGCGACATTAATAAAATAAACCTTCTTAAAATTTATTACTTCGT  
AAAAGAAAAGAGATGGAAAATGCTGACCTTCGGTAAATGACGGGGATTTGACCA  
CGGTCCCTGATCTGGCCGTTCTCGCCGGCGATAGCAAGGCGGCCAAAGGCGGCAC  
CACTGAGGTCGAAATGTGTTTGGTCAGAGGGGCAGCCGGGGCACTCGTCGGTGAT  
AATAACCGTCACAGCTCTCCTTGAGCATATAGATGAGTCAACACACTTCACCTTG  
TAACACGCGCCGCACCCTTCACCATTTCATGAACAATAGGGGACCCACTGCCCCCA  
CCCTCGCCCTCAATGGCTTCACATCCACCATGGTCCCATACCCACATGCTCCACCT  
GAATTCCCCAATTACCCACAAAATGTCACTAACAACCGCCAATTTATAACAAATT  
ACATCACTGACGAATTCATGTAACCATAGGGTCGAGTTCGGTATTTACTCATTAC  
GCGGAATTACACAGTAAAAAGTGAAAACGTCCATTCGCGGACATTCGACAATTG  
AATAGTAAAAATCATGTGACTTCAGAGTGGTTAGCATTATTATGCTCATAATTTTA  
TTGCTTCTACCTTCATATTTTTACACACAATCACAATTACCTGCAAAAATTCACT  
GATAACACTCGTTGAGTCAACTCAGCGAGTCATGCAAGTAATAATGCCAGAGAG  
AAGGAACTTACCGGTGCTGCCGTCACCTTCGGGATCACCGTACCACGTGGCGGTC  
CCCGGATACCAATGTAGGTCGGTGGCATGGCGCTGAGGTTGTATCTCCGCCGCAC  
ACGGCACCATGAGCTTCAACACAATGCTAAACAAAAGAAGAAGCTCGGATTCG  
ACGAGGCGAAGCTACGGTAGTCCGGCATTGTGTTTGTAAAGAATAATGTGTGGGCG  
CGCCACCCCTGGTAGTAGGAGGGGAAAAAACGGTGTCGTTGTGGGCGTTGCCGA  
CACTTAAGTGGCGCAAAGAGTGAGAGGGGGAGTTGAGGGGACTACTACTAAGTT  
TGGGTTTTTTGAGTGAAACCGTTAAAAGGGTTTTTTGGGTTTCTTATAGAAGAAA  
ATGCACCATCGTTTTGACATTTGTGTCTCGTTCCTTTGCGGTTATTTACGGAAGG  
GTGCCACTGAGTGACTTACTGTGGGTCCCACCGGTAGTTAAGGCGTTAATTCGC  
ATTTGCGCGCGTAATGGGAGGTCAGGTTGGTCATTTTCATGTTTGAACGAAGAAA  
GCAAGCAAAGCGAAGCGAGGCTTGTAACCTTTGGAAGGTGAAATGCTCTTGAAA  
ACGATGTTTTGATTTTACTGACCCGAGATTCCGTACGAAAACGGTTGCAGAAGAG  
GTAGAGCTTTCACTATGCATAGAGCTCCATATGTGAAAACGTGAAGTTAGTGTG  
AAACTGTGAATGAGATTTTGTTCATCGTTGACTTTTGGCATTTTAACATTCTCTAT

TAACATTTTATGTAGCATCTAAAATGGAGGAAATAATTTTATTATGGCAGCATA  
TCTAGGGCTAAAAAATTTAATATAAATTTTATCCGAA