

IDENTIFICATION

Species: *Aquilegia coerulea*

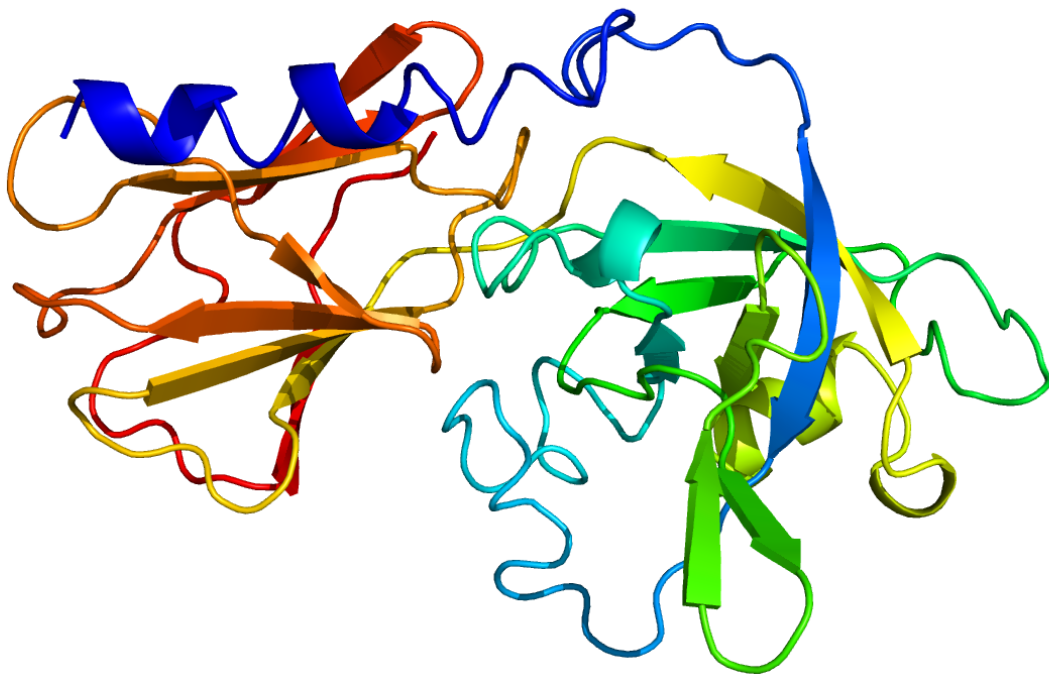
Locus: Aqcoe6G215000

Gene Model: Aqcoe6G215000.1.p

Description: AcEXPA-18

Family: Alpha Expansin

3D structure:

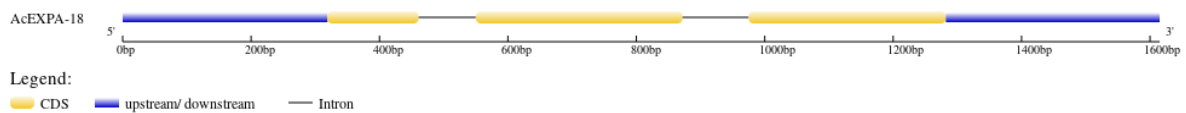


GENOME DATABASES

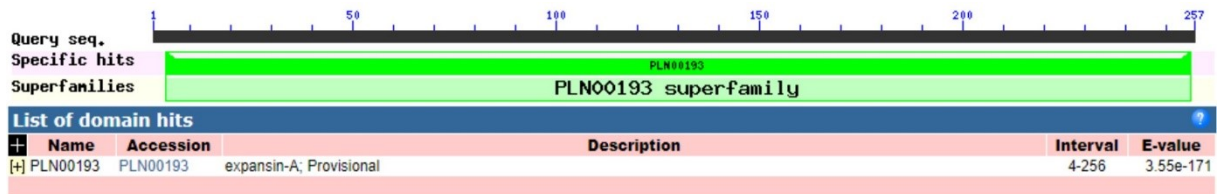
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea_v3_1

EXTERNAL RESOURCES

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AcEXPA-18

MAMKIIFALVVVLYVLSYRSIVDAFSPSGWTKAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL
YSTGYGTRTAALSTALFNDGASCGQCFKIICDYKADSRWCLKGRSVTVTATNFCPPN
FAQANDNGGWCPNPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVIYQRPCKKHGGVRFTVN
GRDYFELVMISNVAGSGSIQSVQIKGSKTSMAMSRNWGANWQSNSYLNQSLSFK
VTTTDGETRFFTNVPSGWKFGQTYSSRVQF*

CDS (coding sequence)

>AcEXPA-18

ATGGCCATGAAGATAATTTTTGCATTGGTTGTAGTGTTATATGTATTGAGCTATAG
ATCTATTGTTGATGCCTTTTCTCCTTCTGGTTGGACAAAAGCCCATGCTACTTTTAA
TGGTGGTAGTGATGCTTCAGGAACAATGGGGGGAGCTTGTGGGTATGGTAACTTA
TATTCAACTGGATATGGGACTAGAACAGCAGCATTAAAGTACTGCTCTGTTCATG
ATGGGGCTTCTTGTGGACAATGCTTCAAGATCATATGTGATTACAAAGCAGATTC
AAGATGGTGTTTGAAAGGAAGGTCTGTGACAGTCACTGCTACCAACTTCTGTCCA
CCTAACTTCGCTCAAGCTAATGATAATGGAGGCTGGTGCAATCCACCACTCAAGC
ACTTTGATATGGCTCAGCCTGCGTGGGAGAAAATTGGTATTTACAGAGGGCGGGAT
TGTGCCTGTGATCTACCAAAGGGTGCCATGTAAGAAACATGGTGGAGTAAGATTC
ACAGTTAACGGGAGGGACTACTTTGAGCTTGTAAATGATAAGTAATGTGGCAGGA
AGTGGCTCAATTCAATCTGTGCAAATTAAGGCTCTAAAACAAGTTGGATGGCAA
TGTC AAGGAATTGGGGAGCTAATTGGCAGTCTAATTCTTATCTCAATGGGCAATC
TCTTTCTTCAAGGTCACCACTACCGATGGAGAGACTCGTTTCTTACCAACGTTG
TTCCATCTGGTTGGAAGTTTGGTCAGACCTACTCTAGCCGTGTACAATTTTAA

Nucleotide

>AcEXPA-18

GAAATAATTGAATGAGAGACAGAAATCATCAGAGAGTTGCAGAGATAATAGAGA
TGGTTGAAGAATACATTCATTGCTTATTAATATTAACAAACATGAACAAAATACAAG
TTTCTCTAGTTGCAGTAGTTGTCACATGTGAGGTTGATGCAAGATAGGATAATTA

AGTCTCTCTATATATACTTAAAGGGATAGGAAGTATTGCCACTTCACATAAGGCA
ATAAATGTAAACAAGTTTGTAAACTGATCATCTCATCTCATATTGCATTCAT
CTTCTTCTTCTTTTTGCTTCCAACATTACTTTTGAGTCAGAGAAATGGCCATGAAG
ATAATTTTTGCATTGGTTGTAGTGTATATGTATTGAGCTATAGATCTATTGTTGA
TGCCTTTTCTCCTTCTGGTTGGACAAAAGCCCATGCTACTTTTTATGGTGGTAGTG
ATGCTTCAGGAACAATGGGTATGTAAATCTTTGGCACTTTCTACACTTAAACTTGT
TTCTTTTCGGTTCATATAGTAAAACATGTAGCTAAGACTTAGTTGTTTACAGGGGG
AGCTTGTGGGTATGGTAACTTATATTCAACTGGATATGGGACTAGAACAGCAGCA
TTAAGTACTGCTCTGTTCAATGATGGGGCTTCTTGTGGACAATGCTTCAAGATCAT
ATGTGATTACAAAGCAGATTCAAGATGGTGTGTTGAAAGGAAGGTCTGTGACAGTC
ACTGCTACCAACTTCTGTCCACCTAACTTCGCTCAAGCTAATGATAATGGAGGCT
GGTGCAATCCACCACTCAAGCACTTTGATATGGCTCAGCCTGCGTGGGAGAAAAT
TGGTATTTACAGAGGCGGGATTGTGCCTGTGATCTACCAAAGGTAATTTACTTCA
TCCTTCCTGCGCTAGTAATCTACGTATTAACATCTTCTTCTGTTTTCTACACTATG
TAACTGAATATATATTGAGTGTGATCCTTGCAGGGTGCCATGTAAGAAACATGGT
GGAGTAAGATTCACAGTTAACGGGAGGGACTACTTTGAGCTTGTAATGATAAGTA
ATGTGGCAGGAAGTGGCTCAATTCAATCTGTGCAAATTAAGGCTCTAAAACAAG
TTGGATGGCAATGTCAAGGAATTGGGGAGCTAATTGGCAGTCTAATTCTTATCTC
AATGGGCAATCTCTTTCCTTCAAGGTCACCACTACCGATGGAGAGACTCGTTTCTT
CACCAACGTTGTTCCATCTGGTTGGAAGTTTGGTCAGACCTACTCTAGCCGTGTAC
AATTTAAGCTCACTGCAAAGCTTAAGGTTCAAGGGTTAGGTTGGCAGAGGCCGT
GCTTGATATTTTAATGAAGCAGCCCGCCACTCTTACATGTCTCTATGATGTAAAAG
TGATGATATTTTTCTACTCTTGGTTAAAGCCAGTATTGAACCTGGGAACCAGAGG
GCATCATAAAACACAGGTTGATCCCAAGATGGTAAACATTTGTAGGATTAATCTA
TTTCAAAGTAGAATTGTAGATTACACAAGTTTTCTTTCTTTTCCTTTCATTTATAT
TCATGTAATGTATTATTATAGTACCCTCAAATATCAAATTAATAAAAGGCCTT
GGATGTCT