

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

**Locus:** AUR62010562

**Gene Model:** AUR62010562

**Description:** CqEXPA-06

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

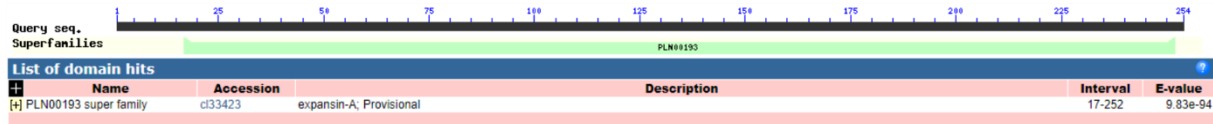
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-06

MVVLGMLRLSNGYATNFKPSKWSYAHATFYGDDSAETMGGACGYGNLFNNGYG  
TNTAALSTVLFNNGYGCGSCYQIMCIGSKWCNSMGYGHGPTSITVTATNLCPPNWA  
QDSNAGGWCNPPRAHFDLSMPAFKKLAFWKAGIVPVQYRRVPCVKKGGIRFSLQGN  
NYWLLTTVMNVGGAGDIAKMWVKGSKTGWISMHNWGASYQAFACLGGQCLSFK  
IQSYSTRETIVAYNVVPPYWTMGMTYQAKVNF\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-06

ATGGTAGTACTAGGAATGTTGAGATTGTCAAATGGATATGCTACTAATTTCAAAC  
CAAGTAAATGGAGCTATGCTCATGCAACTTTCTATGGTGATGATAGTGCCTCTGA  
AACCATGGGAGGAGCATGTGGATATGGAAATTTGTTCAACAATGGGTATGGAAC  
GAATACAGCTGCATTGAGCACAGTATTATTCAACAATGGATATGGTTGTGGTAGT  
TGTTATCAAATAATGTGTATCGGATCAAATGGTGCAACAGTATGGGTTATGGCC  
ACGGCCCGACTTCTATTACCGTCACGGCTACAAATCTATGCCCTCCAACTGGGC  
TCAAGATAGCAATGCTGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTAGAGCCCACTTTGACCTC  
TCCATGCCTGCATTCAAGAACTTGCCTTTTGGAAGGCTGGCATTGTTCCCTGTCCA  
ATACCGAAGGGTTCATGTGTGAAGAAGGGAGGCATAAGATTTAGCTTACAAGG  
AAACAATTATTGGTTGCTAACGACAGTAATGAACGTTGGTGGCGCGGGTGACATC  
GCCAAAATGTGGGTGAAAGGATCCAAAACGGGATGGATTAGCATGAGCCACAAT  
TGGGGAGCTTCATACCAAGCTTTTGCTCAATTAGGAGGTCAATGTCTTTCGTTCAA  
AATCCAGTCTTACTCTACTCGTGAGACTATTGTTGCCTACAATGTTGTCCCACCTT  
ATTGGACTATGGGCATGACTTATCAAGCTAAAGTCAACTTTAGATGA

### Nucleotide

>CqEXPA-06

ATGGTAGTACTAGGAATGTTGAGATTGTCAAATGGATATGCTACTAATTTCAAAC  
CAAGTAAATGGAGCTATGCTCATGCAACTTTCTATGGTGATGATAGTGCCTCTGA  
AACCATGGGTATATATACTAAATCATTATTATTATTATTATTCTTTTTTCTTTTT  
TTTTTATTTTTTTTTATTTCTTTTTTATTTCTGTAACACTTTATATACGCGAGGTATA  
ACTTTTTATTTTATATAGCTAGTGATGGTTGAGAAATTAACCCTCACATATCTTAT  
TAAAACACTAGTGCTACATTAAGTGTAATAACTTAAATAAATACATAATTGCTTAT

GTAATGCGAAGTATGTTTAAATTTATTATGAGAAATGTAAC TATA CATAATGATT  
TAGTAATACTCGTAATGCAATTAACATATATATAGAAATTA AATACATATCTCTCT  
TTATTTTTGGGTACAAATAAAAATGCAAATGATTGAGCCCAATACCTCTTTTCATA  
GTTTTTAACCTAGTGAAGTAATATAAACTATTATTATATGAAAATATGAAACGCT  
GATTTTTATATATTTATTTATAGGAGGAGCATGTGGATATGGAAATTTGTTCAACA  
ATGGGTATGGAACGAATACAGCTGCATTGAGCACAGTATTATTCAACAATGGATA  
TGGTTGTGGTAGTTGTTATCAAATAATGTGTATCGGATCAAAAATGGTGCAACAGT  
ATGGGTTATGGCCACGGCCCGACTTCTATTACCGTCACGGCTACAAATCTATGCC  
CTCCAAACTGGGCTCAAGATAGCAATGCTGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTAGAGC  
CCACTTTGACCTCTCCATGCCTGCATTCAAGAACTTGCCTTTTGGAAGGCTGGCA  
TTGTTCCCTGTCCAATACCGAAGGTATTA ACTAAGATATATACACTAATACACCGA  
TCCTACATGCTCATTTAATTATTTAACTAGACAAATTA AATTTATATTAGGTCTCA  
TCTTTTTTGCCAACCTAAGCTACATACTATTTGACTATTTGTTTGTAGCACTATTTT  
TATAAAAGTACTCCATAACAAAAATTTCAATTAATTAATGCTCTGGATTAGTCTTAA  
GGCTGGCTTTACTTGGATACA ACTTTAAGTCTGGTTTAAATTACTATACGAAGTAT  
TGTTTAAATTTTGTATTTATGTCAAAACATACTTTTATTAGTAAAAAAATCATTCTA  
ATCATTTTATTCATTGGTGACGGAATAGGGTTCATGTGTGAAGAAGGGAGGCAT  
AAGATTTAGCTTACAAGGAAACAATTATTGGTTGCTAACGACAGTAATGAACGTT  
GGTGGCGCGGGTGACATCGCCAAAATGTGGGTGAAAGGATCCAAAACGGGATGG  
ATTAGCATGAGCCACAATTGGGGAGCTTCATACCAAGCTTTTGCTCAATTAGGAG  
GTCAATGTCTTTCGTTCAA AATCCAGTCTTACTCTACTCGTGAGACTATTGTTGCC  
TACAATGTTGTCCCACCTTATTGGACTATGGGCATGACTTATCAAGCTAAAGTCA  
ACTTTAGATGA