

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

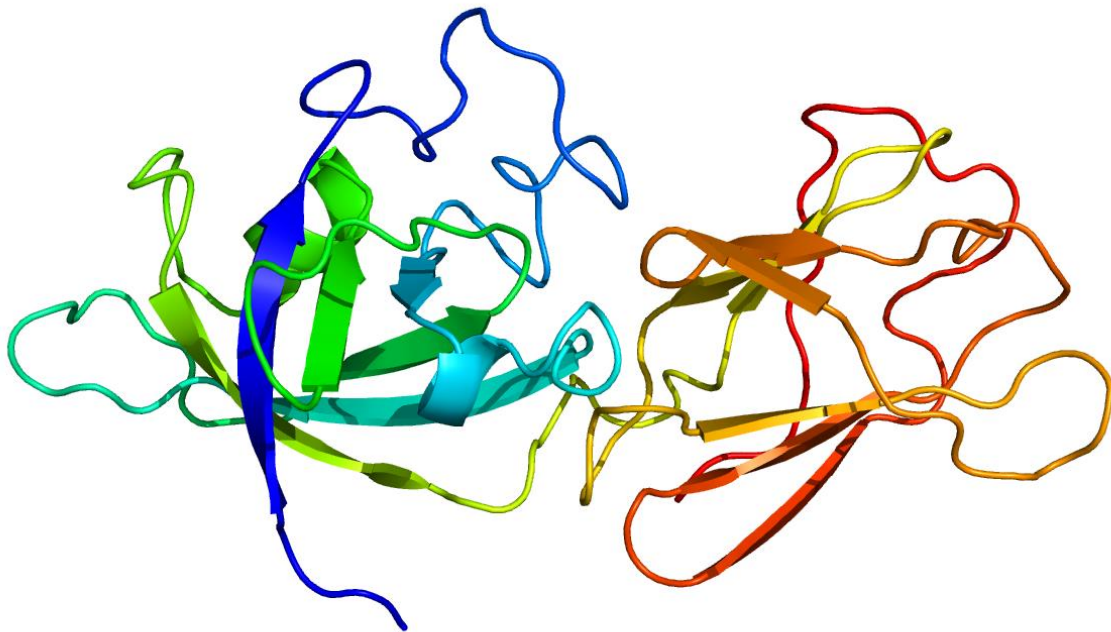
Locus: XP_015060001

Gene Model: XP_015060001.1

Description: SpnEXPA-26

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

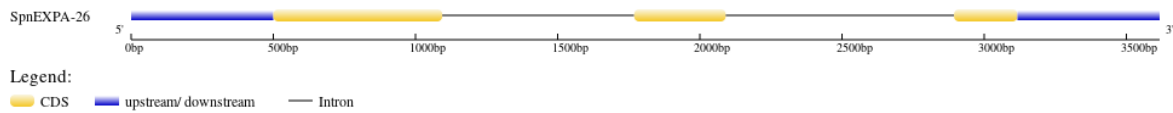
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

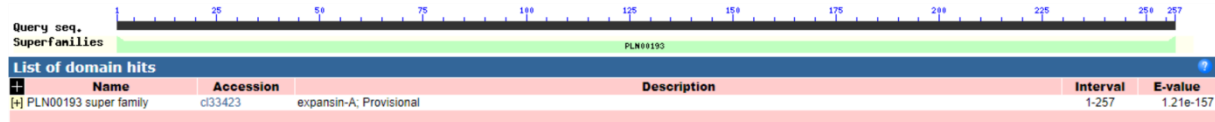
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-26

MANNVNALGFIIGLCTFFLSANGFSADSGWTSAHATFYGGADASGTMGGACGYGN
LYSTGYGTRTAALSTALFNDGGSCGQCYKIICDYKLDPQWCKKGVSVTITSTNFCPPN
YNLPSNNGGWCNPPRPHFDMAQPAWEKIGIYKGGIVPVLYKRVPCCKKHGGVRFIN
GRDYFELVLSNVGGAGSVESVQIKGSNTNWLTM SRNWGASWQSNAYLDGQISISFK
VTTSDGVTKTFLNIVPSSWKFGQTFSSQTQF

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-26

TTTCTTGGCTATGTCAATATTGTAGAATTCATCAAAGTTTCAAAAAGTAATTTCTT
AATTTTCCACTAAGAAATTAATAATGGCAAATAATGTCAATTTAGCATTGGGATTT
ATAATTGGTTTGTGTACATTTTTCTTAAGTGCAAATGGTTTCTCAGCAGATTCTGG
ATGGACAAGTGCTCATGCCACATTTTATGGTGGAGCTGATGCTTCTGGCACGATG
GGAGGTGCTTGTGGATATGGTAATTTGTATTCAACAGGATATGGTACTAGAACAG
CAGCATTGAGCACAGCATTGTTCAATGATGGAGGATCATGTGGTCAATGTTACAA
ATAATTTGTGATTACAAATTAGATCCTCAATGGTGCAAAAAGGGAGTATCAGTT
ACAATTACATCTACAAATTTTTGTCCACCAAATTATAATCTTCCTAGTAACAATGG
TGGATGGTGCAACCCTCCACGTCCACATTTTGATATGGCTCAACCAGCTTGGGAA
AAAATTGGCATTTACAAAGGTGGCATTGTTCTTGTATACAAAAGGGTACCTT
GCAAGAAGCATGGTGGAGTTAGATTCACAATAAATGGAAGAGACTATTTTGAAC
TAGTGTTGGTAAGCAATGTAGGAGGGGCAGGATCTGTTGAATCAGTTCAAATCAA
AGGCTCAAACACAAATTGGCTAACAATGTCAAGAAATTGGGGAGCAAGTTGGCA
ATCCAATGCATATCTTGATGGACAATCAATATCATTAAAGTTACTACTAGTGAT
GGTGTACAAAAACATTCTTAAACATTGTTCCATCTAGTTGGAAATTTGGCCAAA
CATTTTCAAGCCAAACTCAATTCTGATTCGTAATGTTTCGATGAATACGTTTTTAA
TCAAAGGTCTTGAGTTTATAGGGCAGCGGCATGCTTACTTTTTACATCAAGTAGC
CCTCCCCAAAAAAGAATCATTCTTATTGAGGTATATTTTTGAGGAGTTGTTGGTT
AAGTAAGCACATGAATGAACTATAGTCCAAATAAAGATAGTGAAAAAATAGAAA
TAATCAATTATTGGTGTAAGTAGGGGTAGTTCAAAAAAATTGTATTTTTTTTACTA
TATGAAAGGATGAATAAGATAAGTTTGTTTAAGCTA

Nucleotide

>SpnEXPA-26

ATTGACCATCTTATATAATGTTCCATAAAAATTCTAATATCACATAACTATGTATAT
ATTTAGGAGCATATTGAAAGGCATAATACATAAATATACACTTAAATTAATTTG
GCATCAACTGATAAGTAAGAACGTTAACATTGAGAGTACACATCATCTAGACATC
TCAATTTGGTTTGAATTGATGACTACAACTCCAATTCGTCCCTGCTGTATTTTCGT
GGACACTGACGCTGACGTGATACATAAATTTTAAAAATGTTCGCGATCGATAATCA
TTTTGTAAGTTGGAGTGCTCAACTAACACAATAGAAACAAATTAAGGCGTCTAGA
TGTGCATATACTCAAATTAATAATCGAAATACTTATTAATTTACCAAATGAAGTCA
AGTTTGAGTGTGTGTGTGTGTGTGGGGGTGTTATACATACAAGATGTATAACAAG
AAAATAGTCATATTACAAGGGTACAATATATAGAGCAAATTGAAATATATAATTG
ATGTAGCTTAAACAACTTATCTTATTCATCCTTTCATATAGTAAAAAAAATACA
ATTTTTTTGAACTACCCCTACTTACACCAATAATTGATTATTTCTATTTTTTCACTA
TCTTTATTTGGACTATAGTTCATTCATGTGCTTACTTAACCAACAACCTCCTCAAAA
ATATACCTCAATAAGAATGATTCTTTTTTTGGGGAGGGCTACTTGATGTAAAAAG
TAAGCATGCCGCTGCCCTATAAACTCAAGACCTTTGATTAAAAACGTATTCATCG
AACATTTACGAATCAGAATTGAGTTTGGCTTGAAAATGTTTGGCCAAATTTCCAA
CTAGATGGAACAATGTTTAAAGAATGTTTTTGTGACACCATCACTAGTAGTAACTTT
AAATGATATTGATTGTCCATCAAGATATGCATTGGATTGCCAACTTGCTCCCCAAT
TTCTTGACATTGTTAGCCAATTTGTGTTTGAGCCTTTGATTTGAACTGATTCAACA
GATCCTGCCCTCCTACATTGCTTACCAACACTAGTTCAAAAATAGTCTCTTCCATT
TATTGTGAATCTAACTCCACCATGCTTCTTGCAAGGTACCCTACTCAACAAAAGA
TATATATAAAACATCAATTGCTCGAGATCGTATAAGGAGACAACAACCTTATTTCA
TCGATAGACGTGAGACCATTCTAGCATAACATTTGGAGGATGTATCTGACTCTGAC
TCTGATATCATGTAATGAAAATAGACTTCAAGCTTAATTTAATCTCAAAGTATAG
CTACAAAGTATTGTCTAAGACCATATGAGAAAGATAACAATACTTCACTTAATCA
ATGTGTAATATTCTAACATAGCCTTAGTATATATTAGTTGTTCAAATCATGATAA
ACAAGTTTGACAACAATTCAATTAATCAATGAGGTATATTGCTACATCCAATATA
ACATGGATGCCAATATCGGCAGAGGTAGAGCAAAAATTTTAAATTTTTGAGTTCT
GAATTCTAGCACATGACAATCGACATCAATCAATCAACAAGAATATATCTCGATA
AAAACAATTCACTCTATCAATATAGGAGAATTATGTAACACCCCTTAGAGGAACG
ACAATATAACACAGAAGTTGATTCTGACTCTGACTTTGACTCTGATACCACCTTG
GACACACTTAGCCTCGAAATATCGTTTGTAAAGTGAAAAAAATTGTCTAAGACCA
TACGAGGAGACAACAACCTATTCCCTACTCGAACAATGAAGAATGATGACTTACC
TTTTGTATAAAACAGGAACAATGCCACCTTTGTAAATGCCAATTTTTTCCCAAGCT
GGTTGAGCCATATCAAATGTGGACGTGGAGGGTTGCACCATCCACCATTGTTAC
TAGGAAGATTATAATTTGGTGGACAAAATTTGTAGATGTAATTGTAAGTACTGATC
TCCCTTTTTGCACCATTGAGGATCTAATTTGTAATCACAAATTATTTTGTAAACATT
GACCACATGATCCTCCATCATTGAACAATGCTGTGCTCAATGCTGCTGTTCTAGTA
CCATATCCTGTTGAATACAAATTACCATATCCACAAGCACCTCCTGTTTATTCCAA
GCCAAAAAATAAACTTGATCATTGTCGTCTGTTTGGTCAAGCTTTTGAATA
GTCAAAGTGTGTACTTTTTAAAGTTGATAGGGTTGACCAAATTTTTAAGTGAGT
GTCCAAGCTTTTGAAGTTGCCAAAAGTGTATGTTTGTAAAGTTGCGATGTTTGATC
AAGCTTTAGAGAAGTTAAAAATGCGCCTTATGTTTAAAAGTTGCGATGTTTGGTC
AAAGTTTTTGAAGTCAAAGTGTGTTTGTCTTTTGAAGTTTGGCAGGTTTGTATCA
ACCTTTTGAAGGAGTAAAAAATGCTTATGTTTGAAGTAATTGCGAAGTTTGTATCT
GATAAGTCAAAGTGCTTATATTTGAACGTTGCGATGTTTGGTCAAGCTTCTGAC
CAGAAGTAAAAAATGCTTATGTTTGAAGTAATCGCGAAGTTTGTATCAAGCTTTT
GATAAGTCAAAGTGCTTACATTTGAAATTTGATTTTCAAGAACAAATATCTAGGAA
AAAATTAAGTGTGTTGAAGAATAATAGAAATATAAAAAAATAAAGTAAATTTTCC
TCATTAGCACTTTTGTGACCATGGTAAAGCACAAATTACTACTTCAATATTGACTA
AATTAAGTGTCCAAATAAATTAGCGTAACACAATACTTCTCTTAAAAAGTTTTT

TTCCCGATAAACACTTCTAACAAAACAAATTATTAGTATTTTTTCGGTAAACACTT
CTAACAAAACATATATATATCTAGAACTGCACGCAATATTTTTAAATTTTAAATCT
ATTTCTCGTTACGTACCCATCGTGCCAGAAGCATCAGCTCCACCATAAAAATGTGG
CATGAGCACTTGTCCATCCAGAATCTGCTGAGAAACCATTTGCACTTAAGAAAAA
TGTACACAAACCAATTATAAATCCCAATGCTAAATTGACATTATTTGCCATTTTAA
TTTCTTAGTGGAAAATTAAGAAATTACTTTTTGAAACTTTTGATGAATTCTACAATA
TTGACATAGCCAAGAAAAGTAATGGATAGTTACTTAAATAGATGTACTATTTATT
AAATACAATAACCACCCTACATGTGATCATTGCAACTAGGTGTGAAAATAATAAT
AATTAAACTATATATTATAAAAATTAATTTATCTCTGGAGAAAACCTGAAAACCTC
ATTCAATTATTCTCACGTTCTATCACCTCATATACTTGTTAGGCCACATGGGAATG
CATCAATTACCCATCTCAATTTGGACATTTGTCATATTTTTCTAATGTTTTTTCTTT
CTTGGTTCTTTTGTGAAATTATGGTAACACGTTCTCAAGTCGTTTTGTGTGATCTA
TAAGGTATAAAGTATAATAAAAACCTCTCGAATAAAAATATAGGACTATTTTATTCT
GTATTTGGTTTGTGAGGTATTAGATCGTCGTACGGATCAACTCATGCCATCAATAAG
AATTTAACGGACGCTCATAAAAAAAGTCGACCAAAAACGCATCGAAATTACAAA
TTATTCACCGAAAATTCAT