

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis ipaensis*

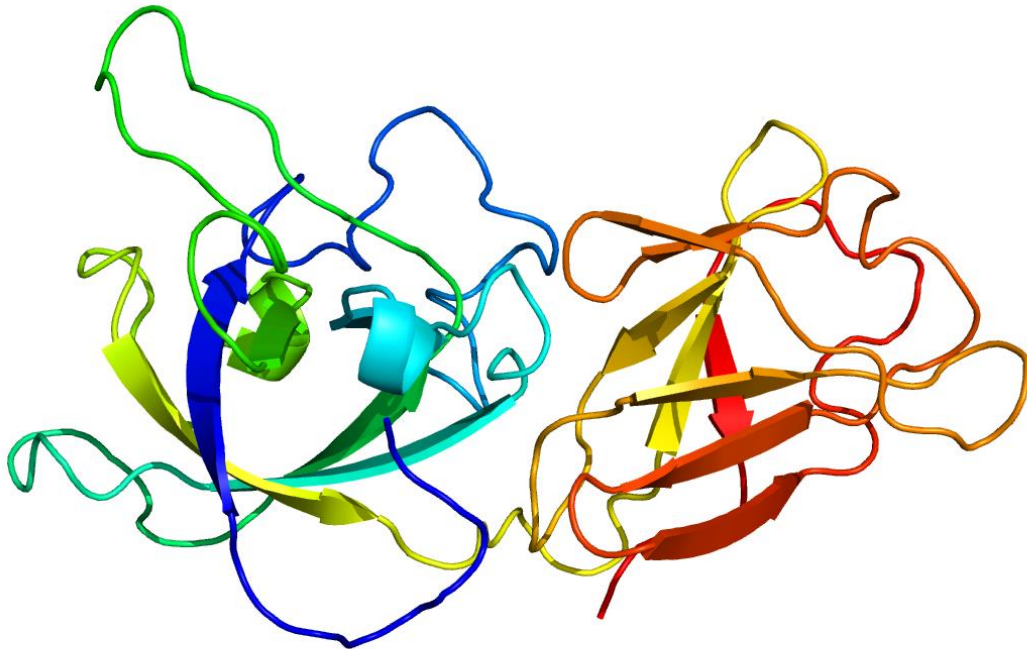
**Locus:** XP\_016202753

**Gene Model:** XP\_016202753.1

**Description:** AipEXPA-14

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: [https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome\\_assembly\\_id=315604](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

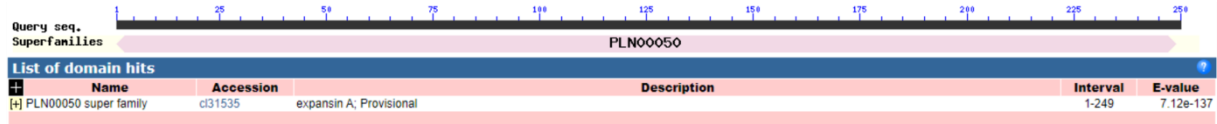
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AipEXPA-14

MDLIGLVLVINLAMFSSSVYGYGGGGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS  
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIRCVNDRRWCLPGSVMVTATNFCPPNNALP  
NNAGGWCNPLHHFDLAQPVFLRIAQYRAGIVPVSYRRVPCRRRGGIRFTINGHSYFN  
LVLVTNVGGAGDVHGVAIKGSRTGWMPMSKNWGQNWQSNNYLNQSLSFKVTT  
DGRSVVSYNVAPAGWSFGQSYTGAQFH

### CDS (coding sequence)

>AipEXPA-14

GAATTTGTGACTGTGGTCCCTGTAGCCACCCCTTACACCCCAAAAAGGTCTATA  
AATTAAGTCGCACTTCCCTTCATTATGCTTCACTCAACTACTCATCAACAACACAT  
TTGCCTCTCATTGTGCCTACTTCCCAATAACCAAAGTTGTCAACAAGAAAAGAA  
ATGGATCTGATTGGTTTGGTCTTGGTCATCAACCTCGCAATGTTCTCCTCCTCCGT  
GTACGGCTATGGCGGAGGAGGGTGGATTAACGCACATGCTACCTTCTATGGTGGG  
AGTGATGCTTCAGGAACAATGGGTGGGGCGTGTGGGTATGGGAACCTGTATAGTC  
AAGGTTATGGAACAAACACAGCAGCTTTGAGCACTGCACTGTTCAACAATGGTTT  
GAGCTGTGGTTCATGCTATGAGATAAGGTGTGTGAATGACCGTAGGTGGTGCCTA  
CCTGGCTCCGTAATGGTAACTGCCACCAATTTCTGCCCTCCAACAATGCCTTACC  
CAATAATGCAGGAGGGTGGTGAACCCTCCCTTGCACCACTTTGATCTTGCTCAG  
CCTGTTTTCTTGCGCATTGCGCAATACAGAGCTGGAATTGTCCCTGTTTCTTATAG  
AAGAGTACCCTGCAGGAGAAGGGGAGGAATAAGGTTCACAATCAATGGCCACTC  
ATACTTCAACCTAGTCTTGGTGACAAACGTTGGCGGCGCCGGCGACGTTTCATGGC  
GTGGCCATTAAGGGTTCAAGA ACTGGGTGGATGCCAATGTCAAAAAACTGGGGA  
CAGAATTGGCAGAGCAACA ACTACCTCAACGGCCAAAGTCTCTCCTTCAAAGTCA  
CCACCAGTGATGGCCGTAGTGTGGTCTCTTACAATGTTGCCCCAGCTGGATGGTC  
ATTTGGCCAAAGCTCACTGGAGCCCAATTCCATTAAGATCTCTTCGATTCGATTC  
GCAATTTCTGTCACTTTGAAATTTTTGGTACGCTAAAAAAATTTATATCTATGTAC  
CAAAAAAATCGAAGTGGTAGTTATTAAGTTGATGGTGGTATGTTATAATTTCTT  
AAATTTAAATGTCCGTAGTAGTATATGACTTAATAGTATACTAGGATATTAGATA  
GTATGTTACTTGGTTATAGGGACAATTAATTAAGGGATAATTAAGCTATTTGCATT  
ATTGGAGGGGGTTAGAAAATGGGAAGGGCTTATTTTAACTTAGCTCTTCATCATT

TTCATTTGACTTGCGTTAAAGTAGGGAATTCCTAATTAAGTGTTAGGAGCTTCCTT  
GATGATTGGGGGTATT

**Nucleotide**

>AipEXPA-14

TTTTTTAAAAGATCTTTTTTCCTTAAAAAAAAGATGTTTTTCATGTAATAAATAAA  
CAAAAAAGTACTTTTATATTGTTATACCCAAACATATTGATTGATAAAAAGACCT  
TTTACATGAGATATCCAAACATAAAATTACTTTTACTTCTCTATAAGATCTTTTA  
AAAAAAGATAACTCGAAAAAAGATCTTTTTTAAAAAGCTCACCCAAACAAGCCC  
TAAGAGTGGACAATCAATGTGGCAAGAAAGAACTTCAAAAAGTGGACTCGTTT  
CAGCCTTCCTTTTGCAATTTGCATCATTACTAAAAAATAATATATGTATTATTTGT  
ATAAATGTTATATTTTTAGTATTAATTAATTGATAAAAAGATGAGAAATTTTTTT  
TAATTCATAAAGTGTGGAAAATAATAACCAACTTATACACCTATATGAATATCTA  
TAGTATGCCCTTGCGGTTTTTGGTCCCAACAGTTATAAAAGCGTTAGTTAAGTTA  
GTGAATTTGTGACTGTGGTCCCTGTAGCCACCCCTTACACCCCAAAAAGGTCTA  
TAAATTAAGTCGCACTTCCCTTCATTATGCTTCACTCAACTACTCATCAACAACAC  
ATTTGCCTCTCATTTGTGCCTACTTCCCAATAACCAAAGTAATTGCTTCTTCCAAC  
TCCTCCAAATATTGCTTCTTCATGTGGACTTCTAAAGTGCACATTTTTCCCTAGCAC  
AAATAATGTTGCCAAAAGAAAAATGACTAAATTCCTTTTTGTTTTAATTTTCTTGCT  
CAGGTTGTCAACAAGAAAAGAAATGGATCTGATTGGTTTGGTCTTGGTCATCAAC  
CTCGCAATGTTCTCCTCCTCCGTGTACGGCTATGGCGGAGGAGGGTGGATTAACG  
CACATGCTACCTTCTATGGTGGGAGTGATGCTTCAGGAACAATGGGTATGTATGA  
TGCAGAACCAGCATAAACAACCTTTACTCATAATTCATTAATAACGAGTTAAAAAT  
GTGTTTAAAGAAGCTTTCGCAGTCAAATACGTTAGTTTTCGACAATGTATATATAT  
TCTATTATAATTAAGTACAGGAAAAATAATAATTCTATTCCTATTTTCATAATACC  
ATTCCTTTTTTTTTTAATTCATAAAAGATACCATTCAAAAAAATCATGTGAAAATA  
AACATTATAAAAAAGGAAAAGTATAGGTAACCAACAAGATTTTTGAACAATGTG  
TAAACAATGTGAATTAATAGGGTTAAAAGAGTAAATTTAATTAATAGCATTAAAT  
TAGGGTATAGTTTATTTTTATTTGATTGGTGGTTGTTTCATGTTGTTCAAAATTTTCA  
TTGTTCCCTAGCACTCCCCTGTAAAAAATGAGAGTGACATTATCATTTTTTCTAAG  
TACAGAATGAGTAGATAGAATGTAGTTATTTTATTACTAGTTTTGCATTAAATTGT  
GTGGGAGTAGATAGTTGAAGCTTCTTCTCTCGAGCAAAACCATTTGAGAAATGA  
ATAGTTTCTTCAAATTAATTAATTCAGGTGGGGCGTGTGGGTATGGGAACCTGTAT  
AGTCAAGTTATGGAACAAACACAGCAGCTTTGAGCACTGCCTGTCAACAATG  
GTTTGTGCTGTGGTTCATGCTATGAGATAAGGTGTGTGAATGACCGTAGGTGGTG  
CCTACCTGGCTCCGTAATGGTAACTGCCACCAATTTCTGCCCTCCAAACAATGCCT  
TACCAATAATGCAGGAGGGTGGTGCAACCCTCCCTTGCACCACTTTGATCTTGC  
TCAGCCTGTTTTCTTGCGCATTGCGCAATACAGAGCTGGAATTGTCCCTGTTTCTT  
ATAGAAGGTAACCTTTAATTTTCTCTTTTGTGTTTTCTTCGCGTGTTAGTTTGAATATG  
AGGTTATGTTTAAATTGTGGGATAAAAAGTTTTCGTAAATAATTCTATTTATAATTTT  
AGATATATTCATGGTAACTTTTATTCTATTTTTATCTCTTACTATACATACTTTTAA  
TATGGCTCTACTATATGTTAAAATTTAAAACCTTTTAAAGAAAAAAAATCACAT  
TTTTTCTGTAATTTTTTTTTAAAACAAATAACATGTTAATAAAAATAAAGAAAAAG  
AAAAGAAAAGCCAATGACAAATATCTTCCCATATGCAATTTTCACCGTCAATGTA  
TTCTATGTTAGCATTAGTAAAAAAGGACCGATTACTTCTCACTTATAACTAGTG  
AAAGTGTTTTTTTTTATAATAATATGTTTTTGTGTTTTGTTTCCTATTTTCTTTTGTGTT

GAATGCTAAAAGAGGGGAAATTATTAATTTTTTTTTTATCGAAGATATGAAAATTCG  
AACCACAACCTCTTAATTGAATATGGGGAGACTATGCCATTTGAACTATTGTTT  
ATTGGCGAGGGAAATTACTAATTGCTTGTCTATTTTGGAAAAGATAAATCTATAG  
CCAAATTTACTCTACGGTCAAATATGACGCGAGCGAATTTTCTTCTGTGTTTAAAA  
ATTGATTTTCTTTGATGTATTAATATGTTCGTCTTTATAGTTTTTTTAAGTTGGAGTG  
GGTAAAAACTACTAACATGTGTGTCATAATTTTTTTTCTACCTTTTTTTGGTTCGAAC  
AGAGTACCCTGCAGGAGAAGGGGAGGAATAAGGTTTACAATCAATGGCCACTCA  
TACTTCAACCTAGTCTTGGTGACAAACGTTGGCGGCCGCGCCGGCGACGTTTCATGGCG  
TGGCCATTAAGGGTTCAAGAAGTGGGTGGATGCCAATGTCAAAAAACTGGGGAC  
AGAATTGGCAGAGCAACAACCTCAACGGCCAAAGTCTCTCCTTCAAAGTCAC  
CACCAGTGATGGCCGTAGTGTGGTCTCTTACAATGTTGCCCCAGCTGGATGGTCA  
TTTGGCCAAAGCTACACTGGAGCCCAATTCATTAAAGATCTCTTCGATTCGATTTCG  
CAATTTCTGTCACTTTGAAATTTTTTGGTACGCTAAAAAAATTTATATCTATGTACC  
AAAAAAAATCGAAGTGGTAGTTATTAAGTTGATGGTGGTATGTTATAATTTCTTA  
AATTTAAATGTCCGTAGTAGTATATGACTTAATAGTATACTAGGATATTAGATAG  
TATGTTACTTGGTTATAGGGACAATTAATTAAGGGATAATTAAGCTATTTGCATTA  
TTGGAGGGGGTTAGAAAATGGGAAGGGCTTATTTTAACTTAGCTCTTCATCATTTT  
CATTTGACTTGC GTTAAAGTAGGGAATTCCTAATTAAGTGTTAGGAGCTTCCTTGA  
TGATTGGGGGTATTTTATATTTTATAGTGCTGCTAAAAGGAAAGCTAGCAGAATT  
AAAGTGGTTCATTGGTAAATTGGAAGAGGTGGACTATCTTAATTTCCACCCGCCA  
TTGGTATTGGATCATAGTGCTCTTTGCCCTTCCATTGGTGGGGTGTTTAGTTACT  
TCTCAGAAGCATTGTTTTCTTACTAATCCATTGTAATCAGCCCTTATTAGCTGAGT  
ATGCTTTTTTTTTGGCTGTATTAGAGACTCAAAGTGTAATGTTTCTATTTCTGCAT  
GTAATGGAAAGTTGAAGTAATTTACTAGTAACACCTCTTGTTTTGTTTTGTCTTAT  
TTTAATTTTTGTTATTTTATTTAGAAAAGTAATAGAAAGTATATTTAACAAATATC  
TTGTTGACAAAGAAATTTTCGTTAAGTTATTTATTCAAGCATTATAATAAGAGTAA  
ACGGTTAAATTGATCCTTAAAAGGTCATACAATTTTCAAATCAGTTTTCAAAGA  
TTTTTTTAATCAA