

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

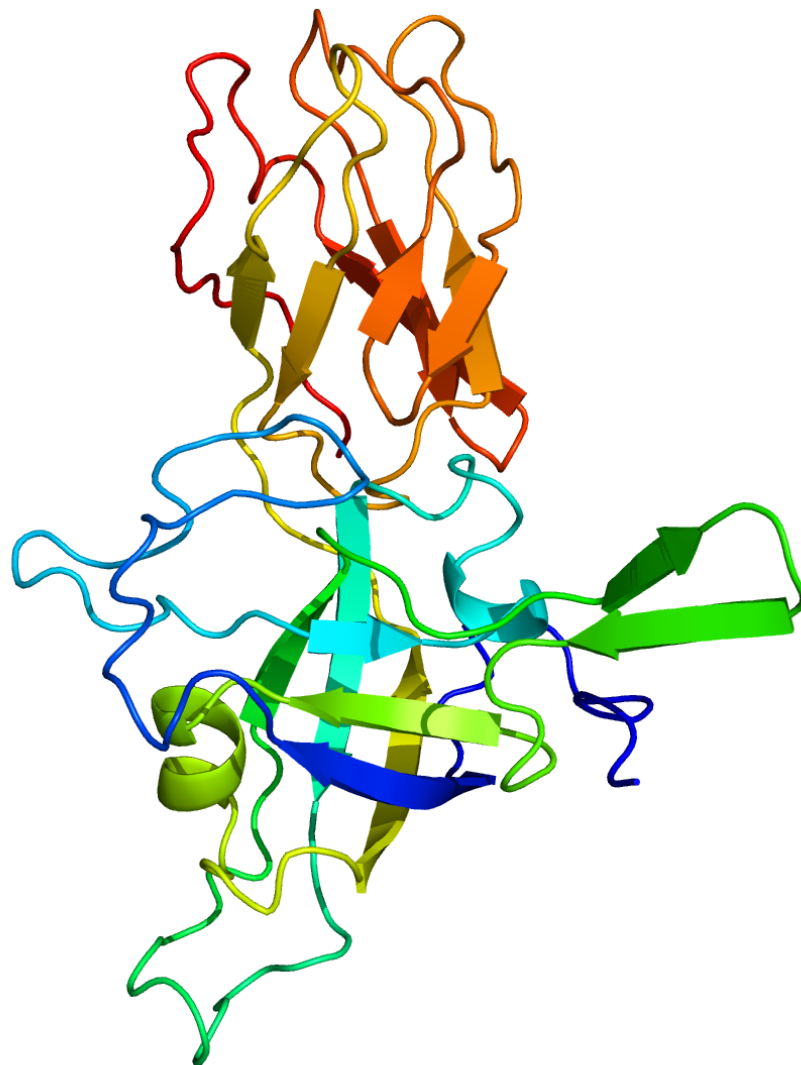
Locus: Medtr3g064510

Gene Model: Medtr3g064510.1

Description: MtrEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

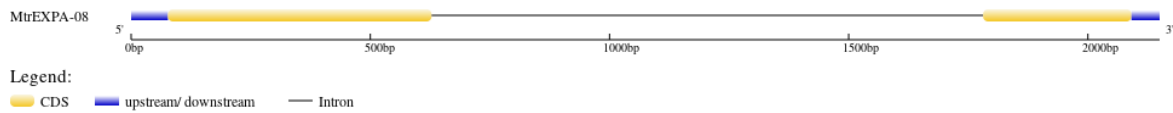
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

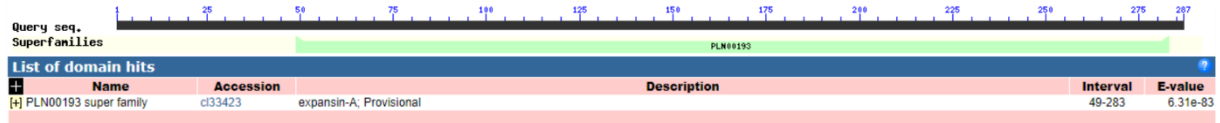
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-08

MSQPFVLISYIITMQLTILFSPSTSHYSSPSPATPFNESPPTSPSSSTYSEWLSAHATYYYS
VSDDTRDGVVDGACGYGDTHRDGYGITGAAALSETLFVRGQICGGCFELRCLEEDVPF
DKRWCVSGSSVVVTATSFCAPNYGFDAESDGGYCNPPKQHFVLPVEAFEKIAIWKGG
NMPVHYRRIKCIREGGMRFITGSGIFNSVLISNVAGIGDIVGVKVKGSRTGWIPMGR
NWGQIWHVNALLQNQPLSFEVTSSDGVTTITSYNVAPKNWTFGQTFEGKQFKS*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-08

ATGTCTCAACCTTTTGTGTTAATCTCTATTTACATTATTACCATGCAACTAACTATT
CTATTTTCACCATCCACTTCTCATTACTCTTCTCCATCACCACCAGCCACACCATTTC
AATGAATCTCCCCCTACATCTCCCTCTTCCACTTACTCCGAATGGCTGTCCGCCA
CGCCACTTACTACTCCGTCTCTGATGACACCAGAGACGGAGTAGACGGGGCGTGC
GGCTACGGTGACTCACAGAGACGGTTATGGCATCACCAGGTGCTGCTGCTCTCA
GTGAGACTCTTTTGTGCGTGGTCAGATCTGTGGCGGGTGCTTTGAGCTACGATGT
CTGGAAGAGGATGTTCCGTTTGATAAGCGGTGGTGTGTTTCGGGTAGTTCTGTTGT
TGTTACTGCTACGAGTTTTTGTGCTCCTAATTATGGGTTTGATGCTGAGAGTGACG
GTGGATATTGTAATCCTCCTAAGCAGCATTTTGTGCTTCCGGTTGAAGCTTTTGGAG
AAGATTGCTATTTGGAAAGGAGGTAACATGCCCGTGCATTATCGCAGGATAAAGT
GCATAAGAGAAGGGGAATGAGGTTTACAATTACAGGCTCTGGCATCTTCAATTC
AGTACTGATCAGTAACGTAGCTGGCATAGGAGACATTGTTGGTGTAAAGTTAAG
GGTTCAAGAACTGGTTGGATTCTATGGGTCGGAATTGGGGCCAAATCTGGCATG
TAAATGCGTTACTACAAAACCAACCTTTTCATTTGAGGTCAGTAGTAGTGATGG
TGTGACTATAACATCTTACAATGTAGCTCCTAAGAATTGGACCTTTGGACAAACC
TTTGAAGGCAAGCAATTCAAGTCTTAG

Nucleotide

>MtrEXPA-08

CATATGATTGAGAATCAAATCTAGTACTATTCATTCTTCAATCTCAACCTTCAAAA
CTAACAAAAAACAACACAAATGTCTCAACCTTTTGTGTTAATCTCTATTTACAT
TATTACCATGCAACTAACTATTCTATTTTCACCATCCACTTCTCATTACTCTTCTCC
ATCACCACCAGCCACACCATTCAATGAATCTCCCCCTACATCTCCCTCTTCCACTT

ACTCCGAATGGCTGTCCGCCACGCCACTTACTACTCCGTCTCTGATGACACCAG
AGACGGAGTAGACGGGGCGTGCGGCTACGGTGACTCACAGAGACGGTTATGG
CATCACCGGTGCTGCTGCTCTCAGTGAGACTCTCTTTGTGCGTGGTCAGATCTGTG
GCGGGTGCTTTGAGCTACGATGTCTGGAAGAGGATGTTCCGTTTGATAAGCGGTG
GTGTGTTTTCGGGTAGTTCTGTTGTTGTTACTGCTACGAGTTTTTGTGCTCCTAATTA
TGGGTTTGATGCTGAGAGTGACGGTGGATATTGTAATCCTCCTAAGCAGCATTTT
GTGCTTCCGGTTGAAGCTTTTGAGAAGATTGCTATTTGGAAAGGAGGTAACATGC
CCGTGCATTATCGCAGGTA CTCTATTCTTTCTTCTCCTCTTGTGTTAGTTTTTCTTC
CTAAATCATGAACATTATCAATGAATCTATATGTGTGACA ACTTGGGATGAGAAT
AGAATGTGCCGA ACTATATTTTGTGCTTAATCCTTCTCTATTTAAAAATATCTGAA
CCTACATAGATATGTCGTAGGTCATGTAGGCCGACCTGACTTATAAACCACATGG
GGTTTATGTTAACACCGTAATTGCCACGTATTA AACTTCCGTTAACTTATGTTATG
CTTTATGACTAAAGGACTAAAACATGAATCTTTTTTAAAAAGATAAAGGACCAAAA
CACATTTTTGATTAATGATAAAGGACCAAATATATCTATCAGTAGAATGATTA
AAGTAAATATCCAATTTATTAGAAAAGGATAAAGATGTTGTTTCATATCGGTTTGA
ATACTTCCCTGAGGAGAAGTGCATTATCAAAAAGTGTCAACATGTATCGTGTA
AATGATATTCAGAAAATGAACTTTTATGAGTTGAGAAGAATTCTAGAAATGACA
AGAGTTATATCTATAATGGTAAATGTAGTTAAATTTGCTTATTTTGAGACTACAAA
TGAGATGATAAATATTTGTGTTAATTGCAACTTTGACTCCTAACTATCACAATCTT
ACGATTTTGACCCCCTATAAAAAACAATAACAAATTAGTCCACTAAGTTTATCC
TCTTTTGCAC TTTTGACCCCCCGGACCAATTTTGACTGAGTCAATGCATACGTAGC
ACCCATATCACTTCTTATTTATTACGTTTAATTACAATTTTGGCCCATTAAGTATC
ACAATCTTGCAATTTTGGCCCCCTAAAAATAGAAAGTCACACGTGGCACCTCAC
TTTAAGTGATGTGGGTGCCACATATGCATTGACTTGGTTAAAATTGGTCTGGGAC
CAAAGTGCAAAGGGGGTAACTTAAGGACTTGTTATTGTTTTTTTATGGGGCC
AAAATTGCAAGATTGTAATACTTAGGAGGCCAAA ACTGCAATTAAGTTTAAATAC
TTGTTTGCTGAAAGGGAAAATGAATGAAAAAATCGGATTGGACATGGAACTC
GTGGTCATTTTCATTCTTGATGGTTTTTGTGTTGTATGTAATGTTTATTTGTGCTTGG
AGCAGGATAAAGTGCATAAGAGAAGGGGGAATGAGGTTTACAATTACAGGCTCT
GGCATCTTCAATTCAGTACTGATCAGTAACGTAGCTGGCATAGGAGACATTGTTG
GTGTTAAAGTTAAGGGTTCAAGAACTGGTTGGATTCCCTATGGGTCGGAATTGGGG
CCAAATCTGGCATGTAATGCGT TACTACAAAACCAACCTCTTTCATTTGAGGTC
ACTAGTAGTGATGGTGTGACTATAACATCTTACAATGTAGCTCCTAAGAATTGGA
CCTTTGGACAAACCTTTGAAGGCAAGCAATTCAAGTCTTAGAAAAAACATAACA
AAACCTAACTTGTTTCAAAGACCATTCTTCTTCCACAAGTTTTG