

## IDENTIFICATION

**Species:** *Physcomitrium patens*

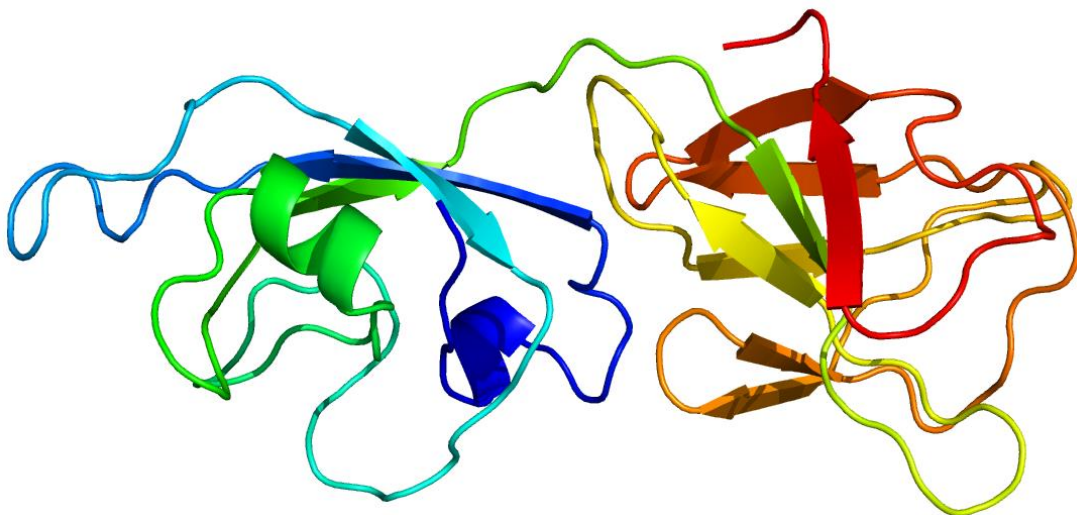
**Locus:** Pp3c24\_9250V3

**Gene Model:** Pp3c24\_9250V3.1.p

**Description:** PpEXPA-39

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

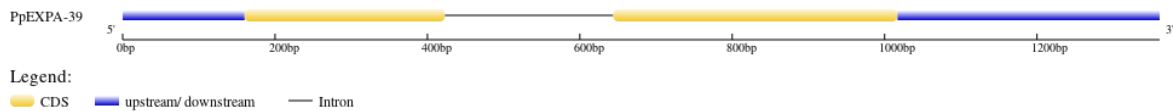
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppatens\\_v3\\_3](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ppatens_v3_3)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T01041>

## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. MTAALSSPLFQGGACGACQLRCASVRSRRNWCWSYTRSIVVTASNLCPRGSEGGWCDPPRSHFDLPMLAFTSLVRRGGVVPVWFRKVRCAKGGVRFVGGNPWFLMVLHNVGGAGNVVAVRIKCPYTGWVPMYRNWGALWTVRTKMSGPLSFVVTSDRRSLVLRNVVRNGWRFGQTWAMKARCGGSGAGTRGSWEVMMKRRWTLV\*

Superfamilies PLN0193

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN00193 super family	c133423	expansin-A, Provisional	1-183	1.71e-53

## SEQUENCES

### Peptide

>PpEXPA-39

MTAALSSPLFQGGACGACQLRCASVRSRRNWCWSYTRSIVVTASNLCPRGSEGGWCDPPRSHFDLPMLAFTSLVRRGGVVPVWFRKVRCAKGGVRFVGGNPWFLMVLHNVGGAGNVVAVRIKCPYTGWVPMYRNWGALWTVRTKMSGPLSFVVTSDRRSLVLRNVVRNGWRFGQTWAMKARCGGSGAGTRGSWEVMMKRRWTLV\*

### CDS (coding sequence)

>PpEXPA-39

ATGACCGCTGCATTGAGCTCACCTTGTTCCAGGGTGGTAGTGCGTGCGGTGCGTGCTACCAACTCCGGTGTGCTTCAGTGCGGTCCAGGCGGAATTGGTGCTGGAGCTCACTCGCTCGATCGTCGTGACAGCGTCCAATCTGTGCCCCGCGCGGGTCCGAGGGAGGGTGGTGCACCTCCCAGGTCCACTTCGACCTGCCGATGCTGGCGTTCACATCGCTCGTACGGCGAGGAGTGGTACCAGTGTGGTTCAGGAAGGTTTCGTTGTGCGAAACGCGGCGGAGTGCGGTTTACGGTGGGGGGCAACCCGTGGTTCTTGATGGTGTCATCCACAATGTGGGCGGCGCGGGGAACGTGGTGGCAGTGAGGATCAAGTGCCATACACCGGGTGGGTGCCAATGTACCGCAACTGGGGTGCCTTGTGGACCGTGC GACTAAGATGAGCGGGCCGCTGTCTGTTCTGTTGACGACCAGCGACAGGCGGAGTCTGGTACTGAGGAACGTGGTGCACAACGGGTGGAGGTTTGGGCAGACATGGCGATGAAGGCGAGGTGTGGAGGGAGCGGAGCCGGGACGAGGGGGAGCTGGGAGGTGATGATGAAGAGGAGGTGGACGCTGCTTGTTTGA

### Nucleotide

>PpEXPA-39

TTGTTGTGCTCTTCTTGGCACTGGGGCTGTATGCAGTGCTTGCAGCACCGCGAGGATGGAGGGATGCCACATCACCTACTACGGCTCGACTAACGGCGCAGGGACGCA GGGGGGGGTGCCTGCGCGTACCAGAACACGTACGCGCTCGGCTACGGGTCCATGACCGCTGCATTGAGCTCACCTTGTTCCAGGGTGGTAGTGCGTGCGGTGCGTGCTACCAACTCCGGTGTGCTTCAGTGCGGTCCAGGCGGAATTGGTGCTGGAGCTACACTCGCTCGATCGTCGTGACAGCGTCCAATCTGTGCCCCGCGCGGGTCCGAGGGAGGGTGGTGCACCTCCCAGGTCCACTTCGACCTGCCGATGCTGGCGTTCACATCGCTCGTACGGCGAGGAGGAGTGGTACCAGTGTGGTTCAGGAAGTAAGTGGCCCTCGCGACCGCACCATGATTTGGAGGTTGGCTAGTGATGATGATGGTGAGAGAGCTGTGCG

GAAGGTAGCACCAAAGCACATGAACTAGTGGTCTTCCAGACATGCAGCAGTGGT  
TTCAGACATGTTGTAGTTGAAGGCAGTGGGAGGTGGTGTCTGAGCGAATGAGAA  
GCTTGGTGGAGCTGACGATGTGGTGCACGTGCGATGGTGGCAGGGTTCGTTGTGC  
GAAACGCGGCGGAGTGCGGTTTACGGTGGGGGGCAACCCGTGGTTCTTGATGGT  
GTCATCCACAATGTGGGCGGCGCGGGGAACGTGGTGGCAGTGAGGATCAAGTG  
CCCATAACCGGGTGGGTGCCAATGTACCGCAACTGGGGTGCGTTGTGGACCGTG  
CGGACTAAGATGAGCGGGCCGCTGTCGTTTCGTGGTGACGACCAGCGACAGGCGG  
AGTCTGGTACTGAGGAACGTGGTGCGCAACGGGTGGAGGTTTGGGCAGACATGG  
GCGATGAAGGCGAGGTGTGGAGGGAGCGGAGCCGGGACGAGGGGGAGCTGGGA  
GGTGATGATGAAGAGGAGGTGGACGCTGCTTGTGTTGAGATGTGGCGCCTGCGCA  
AGGAAGCGAGGCCGTTTCATCCATGAGAAGCTAGTTCGGGTGCAGGTAGAAAGGT  
TTGTGTGGGGTGGAAAGCCGGGTGTGTGGACCAGAGATTTTTGTGAAAGCCGGTGA  
CATCACGGAGCTTCCGACAGATTGACGAGAGGTGCGACGATTAGGTGTGATGCTT  
ATATGCCAGCAGCCATTGATGCTGGGACGATTGTAATCTACATTGACTCCGCTTT  
GGTGCTACTATGTTGTACGATGCATGGGTTTCGGGTGAATGGAGGTGGGTACTIONTGG  
AGCCATGTGTGCCGATCTGGTTGTTGTTTGTGGTGATTGTGCATGGGCCGTGT