

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

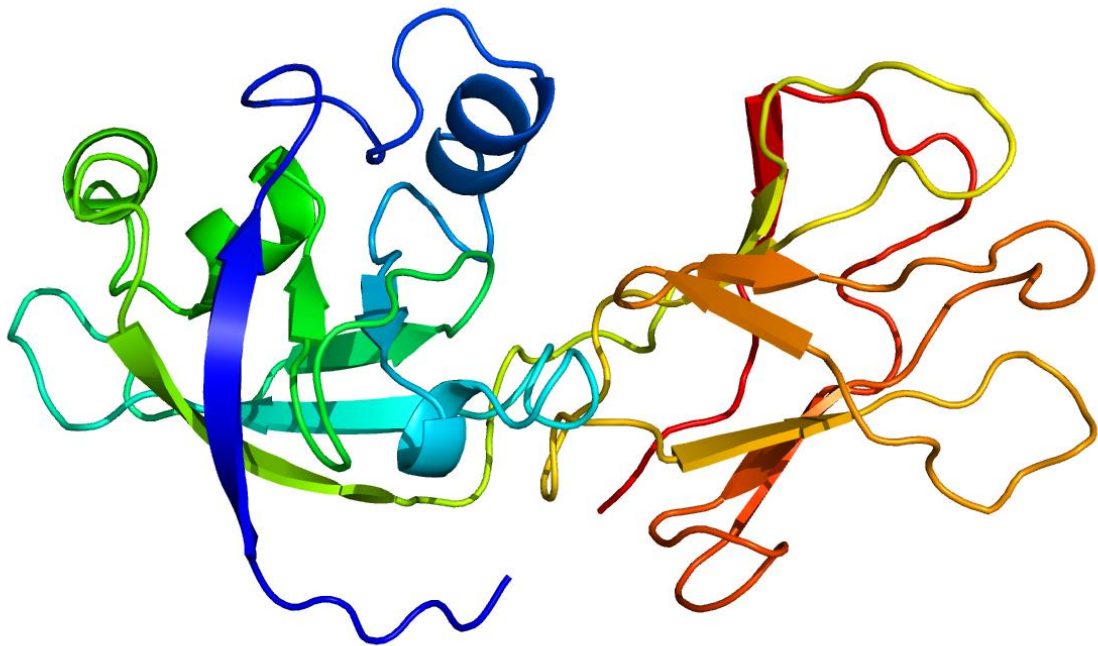
Locus: XP_011070248

Gene Model: XP_011070248.1

Description: SinEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

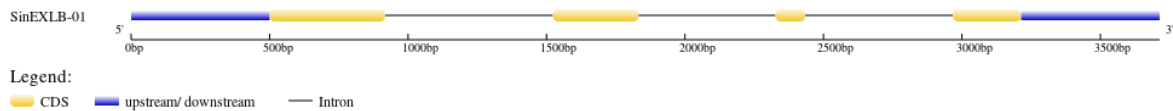
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

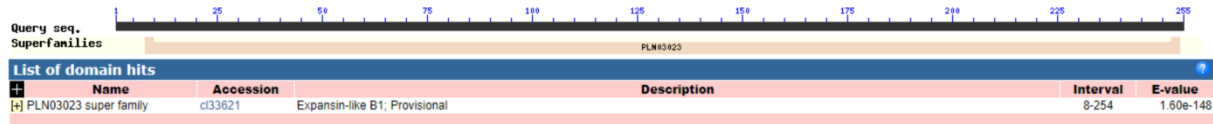
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXLB-01

MGSTVKNHYNLIFSQLIVVLLAASLSYGQESYVCSRATYYGSPDCYGNPTGACGFGE
YGRTVNNGEVSGVSRLYRNGTGCACGYQVRCCKIPSHCSDEGTKVVVTDYGEDNTD
FILNLRAYANLARPMAADLFAYGVVDVEYRRIPCGYSNNLMFKVHEHSKFPNYLAI
VPIYQAGIYDITAVELWQEDCKEWRGMRRAYGAVWDMANPPVGALSMRFQVSGGA
YGEGKWVQIASAIPSEWKAGVAYDTSFQLN

CDS (coding sequence)

>SinEXLB-01

GATTTTACACACACCTTTCTCTCTGTATAATATTCTTGCTGATTTGTGTCTGATCAG
ACAAGCTACCCTTAATTCATCACTACTGTTTATGTCAAGATATGGGTTCAACTGT
TAAAAACCATTACAACCTTATTTTCTCACAACCTCATTGTTGTTCTACTTGCAGCCT
CATTGAGTTATGGCCAGGAGAGTTATGTCTGCTCTAGAGCAACCTATTATGGAAG
CCCCGACTGCTATGGAAACCCTACTGGAGCATGTGGGTTTGGAGAATATGGGAGG
ACAGTGAACAACGGTGAGGTGAGCGGAGTCTCGAGGCTTTACAGGAATGGA
GGCTGTGGAGCCTGCTACCAGGTAAGGTGCAAATCCCATCACACTGCAGCGATG
AGGGAACAAAGGTTGTGGTGACGGACTATGGGGAGGGAGACAACACAGACTTCA
TTCTGAACCTGCGCGCCTACGCCAATCTGGCTCGCCCAACATGGCTGCCGATCT
CTTTGCATACGGTGTAGTCGACGTCGAGTATCGACGCATTCCGTGTGGCTATTCCA
ACAACCTCATGTTCAAAGTTCATGAACACAGCAAGTTCCTAATTA
TACTTGGCCAT
TGACCTATTTACCAAGCTGGAATCTACGACATCACTGCTGTTGAACTGTGGCAG
GAGGATTGCAAGGAGTGGAGGGGAATGCGCAGGGCGTATGGTGCAGGTGTGGGAC
ATGGCAAACCCTCCAGTGGGTGCTCTAAGCATGAGGTTCCAAGTGTCCGGTGGCG
CTTATGGTGAAGGGAATGGGTGCAGATTGCAAGTGCCATTCCCAGTGAGTGGA
AGGCCGGAGTTGCTTACGACACTTCATTTCAACTTA
ACTAATTTATA
CGTATGTGT
GTGTGTAATGTTAGTACCACGTACTCATATTTGTATGTTTATAATCAGTTGGGCTT
GCTGGCTAGCAGTGTACGTTTGTTCCTTTTTAGTTTACTTTTTT
AGAATGTCGTTT
GTACACTTTTTTGTAGCAACAATCAGGTACTTGTGGTTTATGTATAAATAATAAAT
AAAAGCTTGCTATATATGTTGGTTTTAAA

Nucleotide

>SinEXLB-01

TCCCATCCTTGACTAGGCATTTATGCTTCATACTCGAGATGCGTTTACTCTACTAA
TGATTTTAGAAAATCCCTTCAACTTGTTTATCCCAAATTTTATTAAGCTTCTGTAC
ACGAGTACCTTCTACACCCTAAGATAGGACACAAATAAAGTTGTGTTGTATATTG
TTGAAGAAGCTAAGTATCTACAACTATCTACAGTGGTAGTATAATGGGGGAAGT
CCATAAAACCCATGGTTCGAAATACACAGTGGCAAAGGCAGTTAAACTAAGGTA
TGAATTTATGTAAGCTTTATTTTTCCAAAAGTATGTTGGGTCTGATTAAGAGTATG
TAGATGGACTACGAGACTTTGATCATTAAAAGCGCAAATGTTCATTAAATTGGCA
TAAAGACCAAAAAGTGTTAACATTA AAAAGATACAGAACTAAAATTGCTAGATCC
TTTAAACTTACAAGATAAAAAATACAATTA AACCAATACATATATATATATGTAG
ATGCTTTAAAACCAACATATATAGCAAGCTTTTATTTATTATTTATACATAAACCA
CAAGTACCTGATTGTTGCTACAAAAAAGTGTACAAACGACATTCTAAAAAAGTAA
ACTAAAAAGGAAACAAACGTACACTGCTAGCCAGCAAGCCCACTGATTATAAAA
CATACAAATATGAGTACGTGGTACTAACATTACACACACACATACGTATAAATTA
GTTAAGTTGAAATGAAGTGTGCGTAAGCAACTCCGGCCTTCCACTCACTGGGAATG
GCACTTGCAATCTGCACCCATTTCCCTTACCATAAGCGCCACCGGACACTTGGA
ACCTCATGCTTAGAGCACCCACTGGAGGGTTTGCCATGTCCCACACCGCACCATTA
CGCCCTGCGCATTCCCCTCCACTCCTTGAATCCTCCTATATATATACACACATGC
ATATATATCAACAATATCTAAACGTTTAAATAATTAATTATTTTAAATTATATTATT
AACATTTCTTCCCATGAAAATAGCTTCTCCTGGTTCCTTTTCAAATAAAAAGTTTA
GATAAGGGTTGGAAAGAAGTTGAGAAAATACACTATATATAATAAAAAAATAAT
ATCAAATGATATTTTTTTAAAAGATTTTCATGAAATATATTTATATATACATATAT
TAAAAAATAATAATTTTTATCTTGTATAATATAATTATTAATAACAGATTTTGCA
TAAAGTTTGTGCGATGGACAAATAGAGACACGTTTCATAGTGTCAATTCTGTTGGTT
GTTATTCATTGTCATTACGTATATGGAAAATTTCTTACCCGAATCAAATTTGGTCG
AACCAAATCAATCACAGAACATGTATGTGTAAACCAATCACACGGCAAGTGTATT
GCACTTGTCATATGATTTGTTGAGTTTCGGCCGTATTGAGTCCAGACTAGAATTTT
CCAATACATCACGGACTATATTGTGCGTGTGTATAGA ACTAATAGACAAAAGGTG
CGTAAATAAATGTAGGTAGGCGTATATGTACCTGCCACAGTTCAACAGCAGTGAT
GTCGTAGATTCCAGCTTGGTAAATAGGTACAATGGCCAAGTAATTAGGGAACTTG
CTGTGTTTCATGAACTTTGAACATGAGGTTGTTGGAATAGCCACACGGAATGCGTC
GATACTCGACGTCGACTACACCGTATGCAAAGAGATCGGCAGCCATGTTGGGGC
GAGCCAGATTGGCGTAGGCGCGCAGGTTCAGAATGAAGTCTGTGTTGTCTCCCTC
CCCATAGTCCGTCACCACAACCTTTGTTCCCTCATCGCTGCAGTGTGATGGGATTT
TGCACCTTACCTAACAAACATCCATTCATGAGTGGTGCATGCACATTTGGAAAGAG
AATTCAGA ACTGTACTGGATTGTATATGATCATGGTTGTCCTTTTCATGCATTTTT
TAATGTAATTAATTAGTGTAAATTTACGTCTTATACATCTAAAAGTTCAA ACTG
TTAAATAATTATTTAATATTA AAAACTTTAATACGCTTTCTGACCAGCAAATCGTGA
AATTTAACTTTCTATTAACGAACGATGAGAAGATTCGAACTTAATACTTCTTGTTT
AGTCCGACTCTTATACCGTGTTAAAATGACCACATGCACGTCAAGTAACACCCTC
CCCCGTTGACTTTTGCACATAAAAACCTTTCTTTTCATATATGGATAATAATAAG
ATTTAAATCTGGTTCGATTTTATACTATGTTCAATGATCAGATTATCTAAAAGTTT
AAATTATTAAGAAAAATTAATTTGATGTTAATATAATTATAATTAAGTGAATTGGAG
TTACCTGGTAGCAGGCTCCACAGCCAGTTCCATTCCTGTAAAGCCTCGAGACTCC
GCTCACCTCACCGTTGTTCACTGTCTCCCATATTCTCCAAACCCACATGCTCCAG
CTGCAATAATTATTCATCAGTTACCATAACTTATTATATTATTATTTATTTTAAAT
CACGATTCGTTATATTATTATTAATATATTTAAAAAATTTATATTAATAACTTT
TTTTTGTAATAAAAAAATTAATAACCCACTGACACTCTATCCACTTATAAACACA

ACATGCATTATTTAAAAACAAAAAAACCCACAGCATGCATTATTATTTAACATA
ACTAATTAATTAATATTACTTTATATAATTGTATACGCTTGTAGTCTGTATGTATA
TTATGCTTAAATTTCTAGAAATTTTAGTTTCGAACCAAGTCCCATTAAACTCAGCCT
GATCATGTGACGAGTGAAAGATTATACTTATTGTATGATTGGTTTATAATCTAAC
AAAATGATGATCGATTATAGCAAGTGTACGTAGTAACACATATAATATAATCGAC
CAAATTTTATCAAACCTCACTCGAGTAAGAATACATTTTCAGGAAAGTTAATTAGA
AGGATAGAGAAGAAGGAAGTAGAAGGCACATACTAGGGTTTCCATAGCAGTCGG
GGCTTCCATAATAGGTTGCTCTAGAGCAGACATAACTCTCCTGGCCATAACTCAA
TGAGGCTGCAAGTAGAACAACAATGAGTTGTGAGAAAATAAGGTTGTAATGGTT
TTAACAGTTGAACCCATATCTTGACATAAACAGTAGTGATGAATTAAGGGTAGC
TTGTTCTGATCAGACACAAATCAGCAAGAATATTATACAGAGAGAAAGGTGTGTG
TAAATCCCTGCCAAGAATCTGATATTTATAGCTCAGATTTGGGACCAGCTGGCG
GCACTCAGGAACTTTTGTCAGTGGTTTTTTTCGAATTTTTTACAAGTGGTGGGATTC
AGGAGAAGTGTGGGCCGGAGATATTATTAGAGACATCGATTTTGACTCCTTAAAT
TTTCTTTGGGATGACAGTTAGTGCATATGCTAATCATGGTTATGTAATAAAAAAC
AAATTGAGTTCTTGCAAGAACTGTCGTTGGGCTGCTGCTTTTTGAGGTTATTGGTT
TTAGGCCTACCTTCTGCACTACTACACACGGATTCTTAGCTGTTTCTGCGTCACGG
AAGCGCGCATGTCGATCATTATCTCTAATATGGAGTTATGGTACTGTGGGACGCT
TTAATACAGAATATTAATGCTCTCTTTTACACTTATTTTGATAGCTATTCAGTACG
TAAATATGGGAAAAAATTGCAATTTTCGATCCATAATTATAGAGGAGTCAATTTT
AGTCGTGT