

## IDENTIFICATION

**Species:** *Lactuca sativa*

**Locus:** Lsat\_1\_v5\_gn\_0\_860

**Gene Model:** Lsat\_1\_v5\_gn\_0\_860.1

**Description:** LsEXPA-01

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Lsativa\\_V8](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Lsativa_V8)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05352>

## EXTERNAL RESOURCES

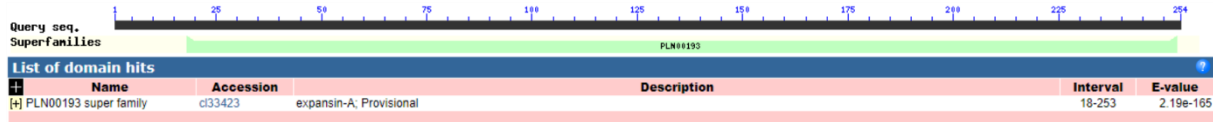
<https://lgr.genomecenter.ucdavis.edu/>

<https://www.lettucegdb.com/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>LsEXPA-01

MAKFGFLLLLLYVLLPHVHAFTASGWTSAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYST  
GYGTRTAALSTALFNDGAACGQCYKLICDYKADPRWCIKGTSVTITATNFCPPNFAQ  
PSDDGGWCNPPREHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPIIYQRPCKKHGGVRFVNGRDY  
FELVLISNIGAAGSIQSVKVKGSKTGWMAMSRNWGANWQSN SYLNGQSMSFMVTT  
TDGVTKTFSDIVPANWGFGQTFSSPVQF\*

### CDS (coding sequence)

>LsEXPA-01

ATGGCGAAATTTGGGTTTCTATTGCTAATCCTTCTATATGTTCTCCTACCTCATGTC  
CATGCTTTTACTGCTTCAGGCTGGACCAGTGCTCATGCCACCTTCTATGGTGGCAG  
TGATGCTTCTGGAACAATGGGGGGTGCTTGTGGATATGGTAACTTGTACTCTACG  
GGATATGGTACAAGAAGTACTGCTGCACTAAGTACTGCTCTCTTCAACGACGGCGCCG  
CCTGCGCCAATGCTACAACTCATATGCGATTACAAGGCGGACCCACGGTGGTG  
CATCAAAGGAACGTCGGTAACAATCACCGCCACAACTTCTGCCACCAAATTTT  
GCTCAGCCGAGTGACGACGGAGGATGGTGCAACCCGCCGCGAGAGCATTTCGAC  
ATGGCGCAACCTGCGTGGGAGAAAATCGGAATCTACAGAGGCGGAATCGTCCCA  
ATTATCTACCAAAGAGTTCCGTGTAAGAAACACGGCGGAGTTAGGTTACCGTTA  
ATGGCAGAGACTACTTCGAGCTTGTCTGATAAGCAACATCGGCGCCGCTGGATC  
GATTCAGTCGGTGAAAGTGAAGGGATCGAAAACGGGATGGATGGCGATGTCGAG  
AAATTGGGGAGCTAATTGGCAATCGAATTCCTACTTGAATGGTCAATCGATGTCG  
TTCATGGTGACGACCACCGACGGTGTGACGAAAACGTTTTCCGATATTGTTCCGG  
CGAATTGGGGATTCGGTCAGACGTTCTCGAGCCCGGTCCAGTTCTAA

### Nucleotide

>LsEXPA-01

GTTGGATTTGTTACTATTTAAGTACCTCATATTCTCCTCATCTTTCCGTATCATCAT  
CATCTTCTTCAGCTCTTTTGCAGAACAAAATGGCGAAATTTGGGTTTCTATTGCT  
AATCCTTCTATATGTTCTCCTACCTCATGTCCATGCTTTTACTGCTTCAGGCTGGAC  
CAGTGCTCATGCCACCTTCTATGGTGGCAGTGATGCTTCTGGAACAATGGGTATG  
CATTATCCCAAATCGACTAATTGCAATGTCTTAATTTCTATTTGTTTTCTGAGTAT  
ATTCATATGTAATGCACATTTATGTATACAGTAGGTTCTTTAAAATGTGTACACAT

GCATATATGTATTTTTAGTTAAATTTATCGATTTAGTAATATTTCAACATGTATTA  
GTATTAACCTTGTAATTGTGTAAGTTATTTGTGAGATATATTTTGATAAATGTGTT  
TATTTTTATTTAATTATATTATTATAAAGGTTGTTTTGTGTTAATTACTGCAGGGG  
GTGCTTGTGGATATGGTAACTTGTACTCTACGGGATATGGTACAAGAACTGCTGC  
ACTAAGTACTGCTCTCTTCAACGACGGCGCCGCTGCGGCCAATGCTACAACTC  
ATATGCGATTACAAGGCGGACCCACGGTGGTGCATCAAAGGAACGTCGGTAACA  
ATCACCGCCACAACTTCTGCCACCAAATTTTGCTCAGCCGAGTGACGACGGAG  
GATGGTGCAACCCGCGCGAGAGCATTTCGACATGGCGCAACCTGCGTGGGAGA  
AAATCGGAATCTACAGAGGCGGAATCGTCCCAATTATCTACCAAAGGTCCCAATC  
TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCATGGATCAAAAATCAAGACTTTGTA  
GTTTCTATATTGATTTTGATTTATGGGTTTTTTTTTTTTTTTTCAGAGTCCGTGTAAG  
AAACACGGCGGAGTTAGGTTACCGTTAATGGCAGAGACTACTTCGAGCTTGTTTC  
TGATAAGCAACATCGGCGCCGCTGGATCGATTCAGTCGGTGAAAGTGAAGGGAT  
CGAAAACGGGATGGATGGCGATGTCGAGAAATTGGGGAGCTAATTGGCAATCGA  
ATTCCTACTTGAATGGTCAATCGATGTCGTTTCATGGTGACGACCACCGACGGTGT  
GACGAAAACGTTTTCCGATATTGTTCCGGCGAATTGGGGATTTCGGTCAGACGTTTC  
TCGAGCCCGGTCCAGTTCTAAATTGAACCGGGTTTAGGGTTTAATGAAGGGCAGC  
GGCGTGCTTACTGTTTTGTGAAAGCAAGCAGCCCGCGGTTCGGATTTCTCTATTG  
TTTTATTAAATATTTGATGCGAGTTTTATAATTAATGAGTGTGAAAAAATATTTTT  
TATTGCTTTTACATCATAATGGATAAGAACCAGATAAAATTATTTTTTATTATATG  
TTTT