

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

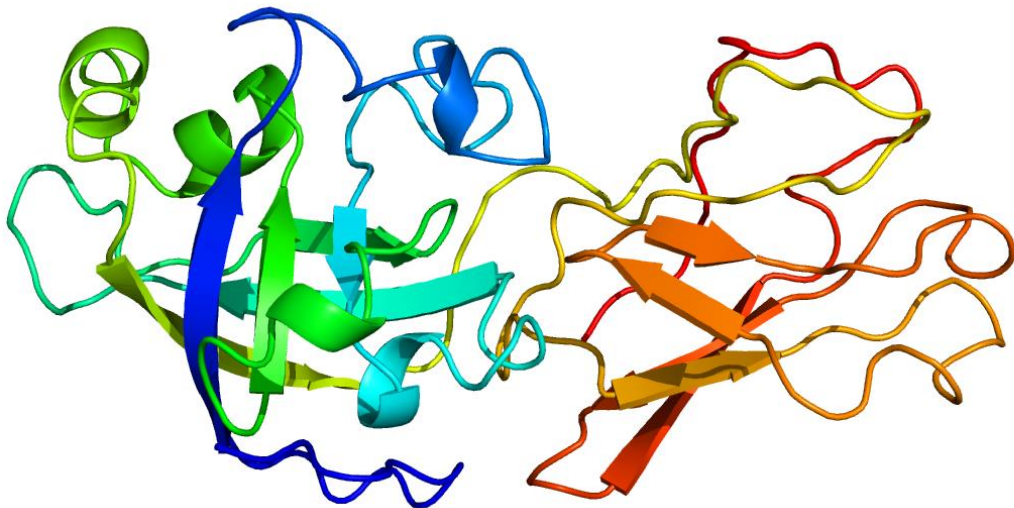
Locus: XP_011076959

Gene Model: XP_011076959.1

Description: SinEXPB-06

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

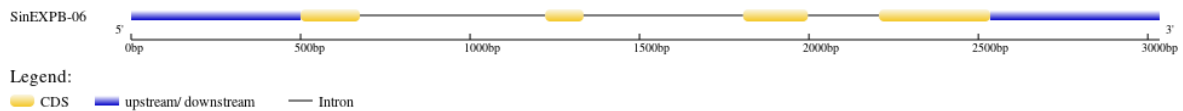
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

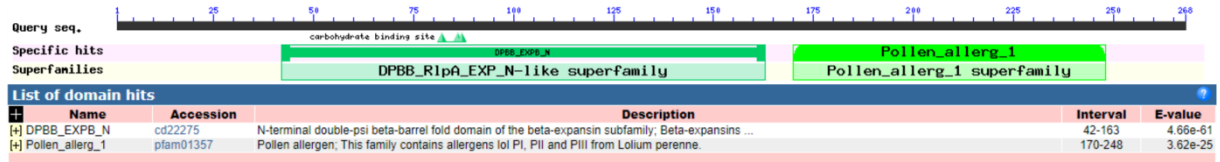
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPB-06

MFDFLNYYRRFSIPTIVAIFVILNDYCFMSSSESVNATLDSTFSSAVATWYGSPTGAGSG
GACGFADDVANYPYQGYVAAGNNLNFKSGKGCCTCYRVKCYQNRACSGYPITIT
DECPGACNNDAIHFDLSGKAFGSLAKPGKADTLRNTGRINIYQYQVRVCYRVRGIRFKI
DTGSNPYYLAFAVEYVGGDGDIGLVELLPSNARGRWLGMQQSWGATWKADIPVGT
KGPYSVRITTLQSKKTVVARRVIPADWAPGKYGSRVNFK

CDS (coding sequence)

>SinEXPB-06

ATGTTTCGATTTTCTCAACTATCGTCGTTTCTCAATTCCAACACTATTGTCGCGATTTT
GTCATTTTAAACGACTACTGCTTCTGCATGAGTTCAGAATCAGTGAATGCGACTCT
TGACAGTACTTTCTCCTCGGCTGTAGCTACGTGGTATGGGAGTCCTACGGGTGCT
GGAAGTGGGGGGGCTTGTGGTTTTGCAGATGATGTAGCAAATTACCCCTACCAAG
GATACGTTGCTGCAGGAAATAACAATTTATTCAAATCGGGAAAGGGTTGTGGTAC
TTGTTATCGGGTAAAATGCTATCAAATCGAGCATGCTCAGGATATCCAATTCGT
ATAACAATCACAGATGAGTGTCTTGGTGCCTGTAACAATGATGCAATCACTTCG
ACTTAAGTGGAAAAGCTTTTGGATCCTTAGCAAAGCCCGGAAAGCTGACACATT
ACGAAACACTGGAAGAATCAATATTCAATATCAAAGGGTACGATGCTACTATCGT
GTTGGTATACGATTTAAGATCGATACGGGCTCGAACCCTTACTACTTGGCTTTTGC
TGTTGAATACGTTGGTGGAGATGGTGACATTGGTCTGGTTGAGTTATTACCTTCGA
ACGCAAGGGGTAGATGGCTGGGCATGCAGCAGTCCTGGGGGGCAACATGGAAAG
CAGATATACCTGTCGGAACAAAAGGCCCTTATTCTGTGAGGATAACGACACTTCA
GTCCAAGAAAACAGTTGTAGCACGCAGAGTGATTCCAGCTGATTGGGCACCGGG
AAAATACTATGGATCTAGGGTTAACTTTAAATAA

Nucleotide

>SinEXPB-06

TCCCATAGTTCTTGCTTTGTCAACTATTCCATTTTGAGATGATTCCGTACAATATT
GTTTAGAAAATATCATCCAATTAAGGACAATTTACACATAGGGTTTAAATGCA
ATTTACTCCGTACAATATTACAAATGAGCAAATTAATAATAAAAAGAAATAGCAA

TTCATCTCCGTGTGTTTCATTTTGGAAAAACACATTGGACAAATGCTGCATATTA
AAAATACAGAAAAGTAAATTTAAATTGCTCATTTGCAATACCACACGGGGAGTTG
CTGGCATTTCCTTTTACATACCAAACATGTATATTTATTGTTTACTAGTGTAT
AATTAATTAGGTATATTTGATATATATAGCTCAATTCAGGCACATATATATATGTG
TGTGTGTGTGTGTGTATAAATAGGTCCAGCCATGAACTACAACCTCGTACCACAT
TAACAGCATACTCTTACAACAGACCACAGCATCATAGTTGTAAAAATCAAGCACC
ATGTTTCGATTTTCTCAACTATCGTCGTTTCTCAATTCCAACCTATTGTCGCGATTTT
GTCATTTTAAACGACTACTGCTTCTGCATGAGTTCAGAATCAGTGAATGCGACTCT
TGACAGTACTTTCTCCTCGGCTGTAGCTACGTGGTATGGGAGTCCTACGGGTGCT
GGAAGTGGTAATGCTAGCAGCTATATATATTATATACGTTTAAATATAATTTTCAT
TCTATAACTATAAGTATTTGAGAATTTGTATATTCGTTAATTTTCAATTTGAGGA
TATATTTTGTAGGAATTTAAAAATTGACCTTAAAAATCACACGACGCATTTGTA
AACAAAACCAAAAACCAGCCAGTTCACTGTTTTTTTTTTTTATTTTATATTTCAAAT
CAGTCTGTTGGGATCAGGTTTTGAAACGTAGTTTTTCAAATTTAAGCCGGCATAT
GACTTGCTGATGCAATTTCCGGACAATTTTAAATTTTGGACAAAATATGTCCTCG
AATTGAGATACTAATAAAGATAAAGGACCAAATTTGCAAATCAAATTTCTTTAAGG
ACCAACTTACCAAATACTTATAATTACAGGACCAAATCACATTTAAGTCTGTCA
TTTATGCATGTCGCAAAAGAAAAAATATGCATAATATTTGTAAATATAAATATAG
AGATATAACATAAAAATGAATTGTTGCTAAAAGTGAATATTTATGTGGTTGCAGG
GGGGGCTTGTGGTTTTGCAGATGATGTAGCAAATTACCCCTACCAAGGATACGTT
GCTGCAGGAAATAACAATTTATTCAAATCGGGAAAGGGTTGTGGTACTTGTTATC
GGGTACGGATGAATTTTCCCTCTTATTACGAATATCTTGTAAGATAATTTTGAAC
TACTATGTGGCCTTAGTCTTGCATTATGGTTCTACTTCGTTCAACTTAATAACTCT
ATCACACGACACGTACACATGATGTAGTGTAAGAGATAGATCGATCGTCCGATGC
ATCGTGTCAATTAGTCTGTTTATTTCTTCAAATTCAAAAATTTCTTGCAGTATGTGTCT
TTTGTACTATAGTAGGAATTTGGTTCTTGAAATTGAATCGGGACGAATGCTGTAT
ACTGATGTGGTATCATTTTTATCATTGGTATTATCTTTTACTAGATATCAATAGC
CATTGTTTACCCAATTTATTGCAAATGACTCAAAAAATTGTATTTTCTTGAATTT
TTTTTTCTGGTGAATTAATGAATATGATGCAATAGAACTCATTATTAATACTT
TTTTTTTTTTTTTAAATGTTGCAAGGTAAAATGCTATCAAATCGAGCATGCTCA
GGATATCCAATTCGTATAACAATCACAGATGAGTGTCTTGGTGCCTGTAACAATG
ATGCAATTCACTTCGACTTAAGTGGAAAAGCTTTTGGATCCTTAGCAAAGCCCGG
GAAAGCTGACACATTACGAAACACTGGAAGAATCAATATTCAATATCAAAGGTA
ACTATTTTCTAAAATTAATAACTTCATCGATCCTTAATTAATGTTCAAACCTTCC
AAAAAAAAAAAAAAAAATAATATATTAACATTTTCCACGAGAAATCGCCAACCTTA
ATTATACTATAACAACACTTGTGTTTTTTCTTTTTTAATTTATTTTCAAGATTATGTG
ATAAGTTTCATAACATCTCATTTCGATTTCTGGATTACAGGGTACGATGCTACTAT
CGTGTGGTATACGATTTAAGATCGATACGGGCTCGAACCCCTTACTACTTGGCTTT
TGCTGTTGAATACGTTGGTGGAGATGGTGACATTGGTCTGGTTGAGTTATTACCTT
CGAACGCAAGGGGTAGATGGCTGGGCATGCAGCAGTCCTGGGGGGCAACATGGA
AAGCAGATATACCTGTCGGAACAAAAGGCCCTTATTCTGTGAGGATAACGACACT
TCAGTCCAAGAAAACAGTTGTAGCACGCAGAGTGATTCCAGCTGATTGGGCACCG
GGAAAATACTATGGATCTAGGGTTAACTTTAAATAATATTAGGATTCATTAGGTA
TTATTGACGTCGTGGTGTAGATTTTTTTCTATAAGGTAGGAAATAATTTCTCTTTT
CATGTAATATTGTTCAACAGTTTGTGAGAGAAATCTAGTGGTTGGTAAGCACTTCAA
CTTGTCATTTTCTTGATTTGTCTCAAGGTAAATTGGAAAAAAAATGAATAAAAT
AAAATTTGAATTGCCAGAGAAATTTCTGGGGAAAAACAACAACAAAAGCTAAT

TAACTATGCAAAACATCCAAATGTGCAATTAATTATAAAAAGTCAAAGGTTTCATT
TGTCCATACATGATTTCCATTTGATGGCCTTTATAGATTATAAATAATGTTGAAGT
AGAAATAAATTTATTCTGTAAATATGACATTTTTCTTATTGGTATATTAATTGTC
CTATAATTTTTTTTCGGGGATAACAGTACTTTCCATCTACTTCAATTCAGTTTTACA
ATTGAGGATAATAATTTAAAAAATATATATATATAT