

IDENTIFICATION

Species: *Anacardium occidentale*

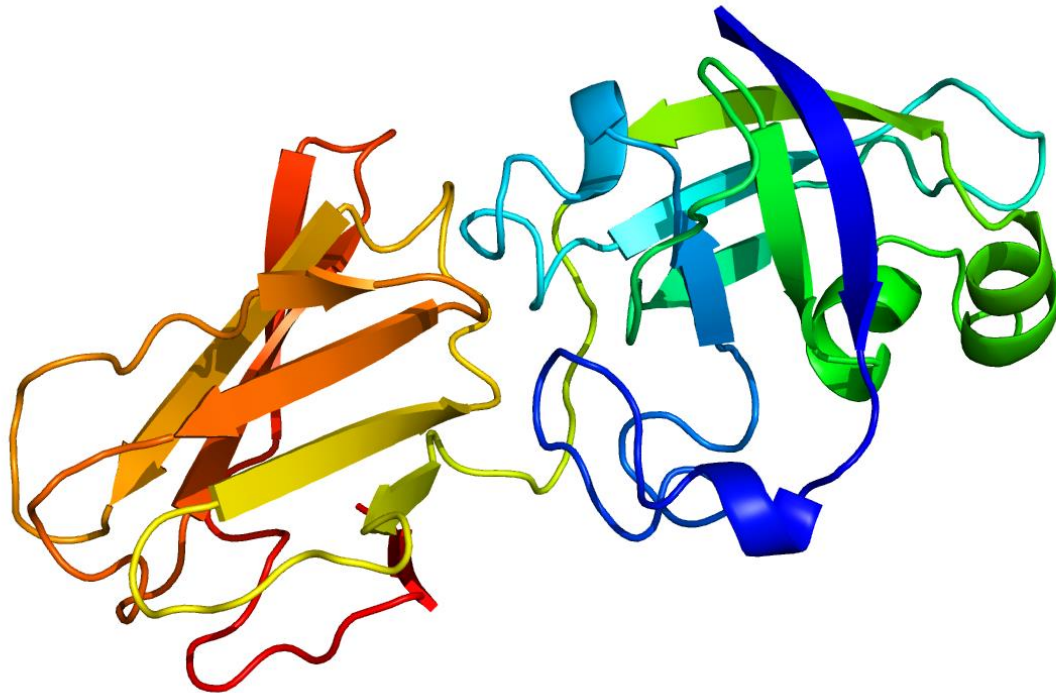
Locus: Anaoc.0003s1264

Gene Model: Anaoc.0003s1264.1.p

Description: AocEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

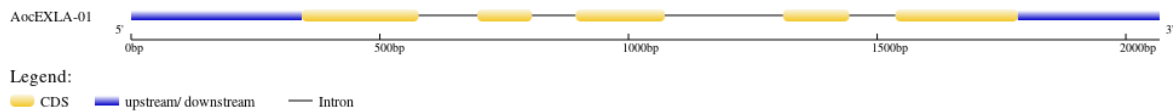
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale_v0_9

KEGG:-

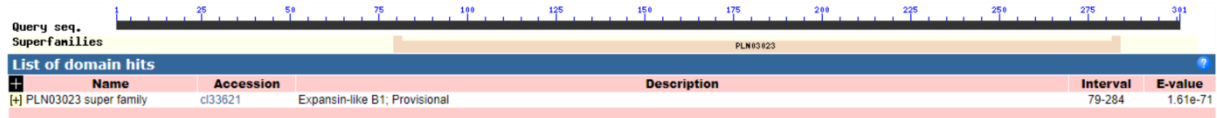
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AocEXLA-01

MLTCSPELLKLFYTVLYIYIFALSFLSLLIWYQHLFLTKMSLFLCFLFYFLSSATACD
RCVHQSKVAYFSKASTVLSGACGYGSMVEMSGGHLAAAAPSLYKDGAGCGACFE
MRCKDKALCSTKGTKIATDLNKNKNTDFVLSSRAFMAMANQGGKQDILKLGLVDV
EYKRVPCEYKNKNLA VRVEESSKKPNYLAIKVLYQGGQTEIVGMDVAQVGSSNWGF
MSRSSGAIWDTNRVPNGALQLRFVVTSGYDGKWIWAQNVLPADWKAGVVYDSGIQ
ITDIAQEGCSKCDNGTWK*

CDS (coding sequence)

>AocEXLA-01

ATGCTGACCTGTAGTCCACACTTACTCAAATTATTCTACACTGTTCTCTATATATA
TATATATATATTTGCTCTATCTTTGTTCTCATTACTCATTGGTATCAACATCTCTT
TCTCACAAAGATGTCTCTCTTTCTTTGCTTTCTCTTCTATTTTTTGTCTTCTGCAACT
GCTTGTGATCGCTGTGTGCACCAATCCAAGGTTGCTTATTTCTCAAAGCCTCTAC
AGTTTTATCTGGAGCTTGTGGGTACGGTTCATGGCAGTAGAAATGAGTGGTGGGA
CACCTTGCAGCTGCTGCTCCTTCTCTTTACAAAGATGGAGCTGGTTGTGGTGGCTTG
TTTTGAGATGAGATGCAAGGACAAAGCTCTATGTAGCACCAAAGGAACCAAAAT
AATCGCGACTGATCTTAATAAAGATAACAAAACGGACTTTGTTCTAAGCAGTAGA
GCTTTCATGGCCATGGCTAACCAGGGCAAGGGCCAGGACATTCTGAAACTTGGAC
TTGTTGACGTGGAATACAAAAGGGTTCATGTGAATACAAAACAAGAATTTGGC
TGTTCCGGTGGGAAGAATCAAGCAAGAAGCCAAATTACTTGGCGATTAAGTGCT
GTATCAGGGTGGTCAGACAGAGATAGTAGGAATGGATGTGGCTCAGGTAGGTTT
TTCCAACCTGGGGATTTATGAGCAGAAGTTCAGGGGCGATTTGGGATACAAATAGG
GTGCCAAATGGGGCATTGCAGTTGAGGTTTGTGGTAACATCTGGGTATGATGGCA
AATGGATTTGGGCACAAAATGTTCTTCTGCTGATTGGAAAGCAGGAGTTGTTTA
TGATTCCGGAATTCAGATTACCGATATCGCACAAGAGGGCTGCTCTAAGTGTGAC
AATGGAACCTGGAAATGA

Nucleotide

>AocEXLA-01

TCGATTGGTTGACTCAACTAAATATCTTTAATCAGGTTGAAGCTAAAGAGCCAAT
TAGTTAATTTTGACACACTGATTTACAGATTCCCGGAAAAGGGGAAGCATGGTAA

AAGCAAATGTATAAAAACGAAAGAAAGTCTCGTGTTCTCACTGGAATACAAAAG
CTGTATAGGGAGAGGCCAAAGAGTCGGTGACTGGACCCATCTCAGTCCTTTGCTCC
CTCCGCCTTTCATAATATACATTTCTCTTTCCTCTGTGTGTAAGCCTGTTTCATATT
TTACATAATAATTAACAATTTGAAAAGATTGATATCTATTAATAAAAAAATTTACT
ACCTGTTTGAATATGCTGACCTGTAGTCCACACTTACTCAAATTATTCTACACTGT
TCTCTATATATATATATATATATATTTGCTCTATCTTTGTTCTCATTACTCATTGGTA
TCAACATCTCTTTCTCACAAGATGTCTCTCTTTCTTTGCTTTCTCTTCTATTTTTTG
TCTTCTGCAACTGCTTGTGATCGCTGTGTGCACCAATCCAAGGTTGCTTATTTCTC
CAAAGCCTCTACAGTTTTATGTGAGTTTCTCCTTTATGATCACTTATTTATTTAATT
TGATTTGTAAGTGAATTTGACCCAGCTGCTATTTGATGAGACTTTTGGTGGGTAAT
TTTTATTTATATTGATTTGATGCAGCTGGAGCTTGTGGGTACGGTTCATGGCAGT
AGAAATGAGTGGTGGACACCTTGCAGCTGCTGCTCCTTCTCTTTACAAAGATGGA
GCTGGTTGTGGTGCTTGTTTTGAGGTAATATATACGATTACATTTTGTTCGTTGT
TTATTAATTTTTATAAAAATTGGTTCTAACTTAATGAAAGAAACATTTTTTGACAG
ATGAGATGCAAGGACAAAGCTCTATGTAGCACCAAGGAACCAAAAATAATCGCG
ACTGATCTTAATAAAGATAACAAAACGGACTTTGTTCTAAGCAGTAGAGCTTTCA
TGGCCATGGCTAACCAGGGCAAGGGCCAGGACATTCTGAAACTTGGACTTGTTGA
CGTGAATACAAAAGGTAAACAAATATGAACCCCTACTTGGACATTATTACGCTA
TTATTTATTTTATTTCTTTTCTAATAGTTCTGTCACTCTCACAATCAATCATCCCAC
AGCATGAAATAAATTGTAAACAGTAATCTCGTGGACCTTATTTAAACATTGCATAA
ATATTCAACTCACTCCAGCTCCTGCCACAATCACATTGATTGCCGGCAACGGTCC
AAAACATAATCGATACTTTATAATCATTACAGGGTTCATGTGAATACAAAACAA
GAATTTGGCTGTTTCGGGTGGAAGAATCAAGCAAGAAGCCAAATTACTTGGCGATT
AAAGTGCTGTATCAGGGTGGTCAGACAGAGATAGTAGGAATGGATGTGGCTCAG
GTTGGTGAAGAAAATTGAGCTTACCGTCCATCCAATTTAGATCAAGTAAATTAG
AATTCCGATGAACGTGATTATGTGCTTTGTTTGTGCAGGTAGGTCTTCCAAGTGG
GGATTTATGAGCAGAAGTTCAGGGGCGATTTGGGATACAAATAGGGTGCCAAAT
GGGGCATTGCAGTTGAGGTTTGTGGTAACATCTGGGTATGATGGCAAATGGATTT
GGGCACAAAATGTTCTTCTGCTGATTGGAAAGCAGGAGTTGTTTATGATTCCGG
AATTCAGATTACCGATATCGCACAAAGAGGGCTGCTCTAAGTGTGACAATGGAAGT
TGGAATGAGAGGAAGTTCAATAGTTGTTGGCGGCTGCTGCTGATTTTGATTTGA
TTCCTTCGACATAAACATAATCAAATATTTTAAAGGATTAGAAAAATGAGAGTAG
AGAGGAACAGTATATATTATATAATATATACACATTCCAATTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTGGGTTTTGACTTTGTGACATTATATTTATTGATGACAGATGTTTGTAAAT
AGTTTATGCACCTCCTTCTGTAATAACATGAAGAATACTAATAAAAATTTTCAATT
GGGTATTAATTAC