

## IDENTIFICATION

**Species:** *Solanum tuberosum*

**Locus:** PGSC0003DMP400032465

**Gene Model:** PGSC0003DMP400032465

**Description:** StEXLA-01

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

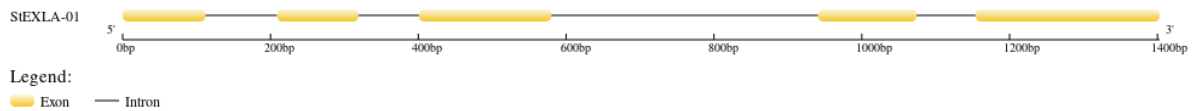
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum\\_v4\\_03](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

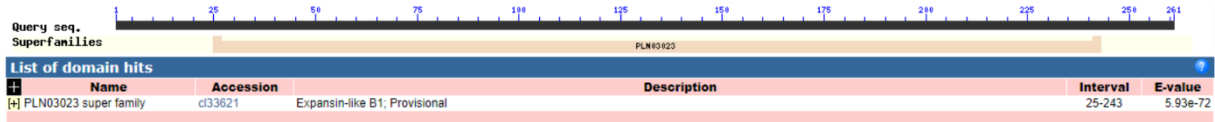
## EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>StEXLA-01

MSLFFLVFLLFVSSVIACDRCVHQSKVAYFSSASALLSGACGYGNLAIGFNGGRLAAA  
VPKLYNNGAGCGACYQIRCKDPKICSKHGTTVMVTDLNTNNQTDVVISSRAFMAMA  
IEGKAKDVLKLGIAADVEYKRVPCDYKGNLA VRVDESSQKPYYLAIISIFYQGGQTEIV  
SVDVAQVGSSNWNFLTRNHGAIWDTSRVPSGALQFRFVVTAGYDGKWIWAKSVLPS  
DWKMGVIYDTGVQITDIAQEGCSPCDDGSWKT\*

### CDS (coding sequence)

>StEXLA-01

ATGTCTCTCTTCTTCCTTGTCTTCCTTCTTTTTGTCTCTTCTGTTATAGCCTGCGATC  
GCTGTGTTACCAATCCAAAGTTGCTTATTTTTCCAGTGCTTCTGCTCTTCTCTCGG  
GTGCGTGTGGTTATGGAAATTTAGCAATAGGCTTCAATGGAGGTCGACTTGCCGC  
TGCTGTTCTAAACTTTACAATAATGGTGCTGGATGTGGTGCTTGTATCAGATAA  
GATGTAAGGACCCAAAAATTTGTTCAAACATGGAACAACGTAAATGGTTACTGA  
TCTAAATACGAATAACCAGACTGATTTTGTGATCAGTAGCAGAGCTTTTATGGCT  
ATGGCCATTGAGGGAAAAGCTAAAGACGTTCTCAAATTGGGAATCGCCGATGTTG  
AATACAAAAGAGTTCCTTGTGATTACAAAGGCAAGAATTTGGCTGTTTCGAGTAGA  
TGAATCAAGCCAGAAGCCATATTACCTAGCAATTAGCATCTTCTACCAGGGTGGT  
CAAACGTAAATTGTCAGTGTTGATGTTGCTCAGGTTGGATCGTCGAACTGGAAC  
TCTTGACCCGAAACCACGGAGCAATTTGGGACACAAGCAGAGTGCCAAGTGGGG  
CATTGCAATTTAGGTTTGTGGTGACAGCAGGGTACGATGGCAAGTGGATTTGGGC  
TAAATCAGTGCTGCCATCAGATTGGAAAATGGGGGTGATTTATGATACTGGAGTT  
CAAATCACTGACATTGCTCAAGAGGGTTGTTCCCCATGTGATGATGGAAGTTGGA  
AAACTTAA

### Nucleotide

>StEXLA-01

ATGTCTCTCTTCTTCCTTGTCTTCCTTCTTTTTGTCTCTTCTGTTATAGCCTGCGATC  
GCTGTGTTACCAATCCAAAGTTGCTTATTTTTCCAGTGCTTCTGCTCTTCTCTGTA  
AGGCACCTCTTTAATTACTTATCTAATTTTAACTAACATGCTTTTGTTTTTCTTA  
ATCTAATTTTCAATTTCCAATATTTTTGTATTTGTAGCGGGTGCGTGTGGTTATGG  
AAATTTAGCAATAGGCTTCAATGGAGGTCGACTTGCCGCTGCTGTTCTAAACTTT

ACAATAATGGTGCTGGATGTGGTGCTTGTTATCAGGTTAATTGAGTTCTCGTTCTC  
CATTAAATAACAATTAATTTTGAATAATTAATTTCTCATAAATAATTTGTGTGATT  
TACAGATAAGATGTAAGGACCCAAAAATTTGTTCAAACATGGAACAACGTGTA  
TGGTACTGATCTAAATACGAATAACCAGACTGATTTTGTGATCAGTAGCAGAGC  
TTTTATGGCTATGGCCATTGAGGGAAAAGCTAAAGACGTTCTCAAATTGGGAATC  
GCCGATGTTGAATACAAAAGGTAAATGTTAACAAAATAATTTTGTCCACGTTACA  
AAAATGGATAGGTATGAGTTTATAAAATTATTGAGGGAGCCTACTATACGAATTT  
TATGTTCCCTTGCTTCTTGTCAGCACACACTGTGTTAATGTTAATCTTTGGTGGTTT  
CGTTGCAACTACCAAAAAAATTAAAAAAATAGTTGTAGAATTTGACATAAAGG  
GGCATCTTACATGCCCCACTTGACCAGACAATTGAACATAAATGATATGTGCATA  
CGTGTTATTTAGTAAATTAATCAAATGGATAAGCGCTTGAATGAAAGGTTATGC  
TGCAAATTACTGTAGTACTAACATTGTTTTATTTGTGTGTATGGGAACAGAGTTCC  
TTGTGATTACAAAGGCAAGAATTTGGCTGTTTCGAGTAGATGAATCAAGCCAGAAG  
CCATATTACCTAGCAATTAGCATCTTCTACCAGGGTGGTCAAACCTGAAATTGTCA  
GTGTTGATGTTGCTCAGGTAAAAAATAAAAAAATACTACTTTCACTTTTCCATCTT  
GATTTATAGTGATGAATTAATAAATGTGTTAACATGTTTTAGGTTGGATCGTCGA  
ACTGGAACCTTCTTGACCCGAAACCACGGAGCAATTTGGGACACAAGCAGAGTGC  
CAAGTGGGGCATTGCAATTTAGGTTTGTGGTGACAGCAGGGTACGATGGCAAGTG  
GATTTGGGCTAAATCAGTGCTGCCATCAGATTGGAAAATGGGGGTGATTTATGAT  
ACTGGAGTTCAAATCACTGACATTGCTCAAGAGGGTTGTTCCCATGTGATGATG  
GAAGTTGGAAAACCTAA