

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

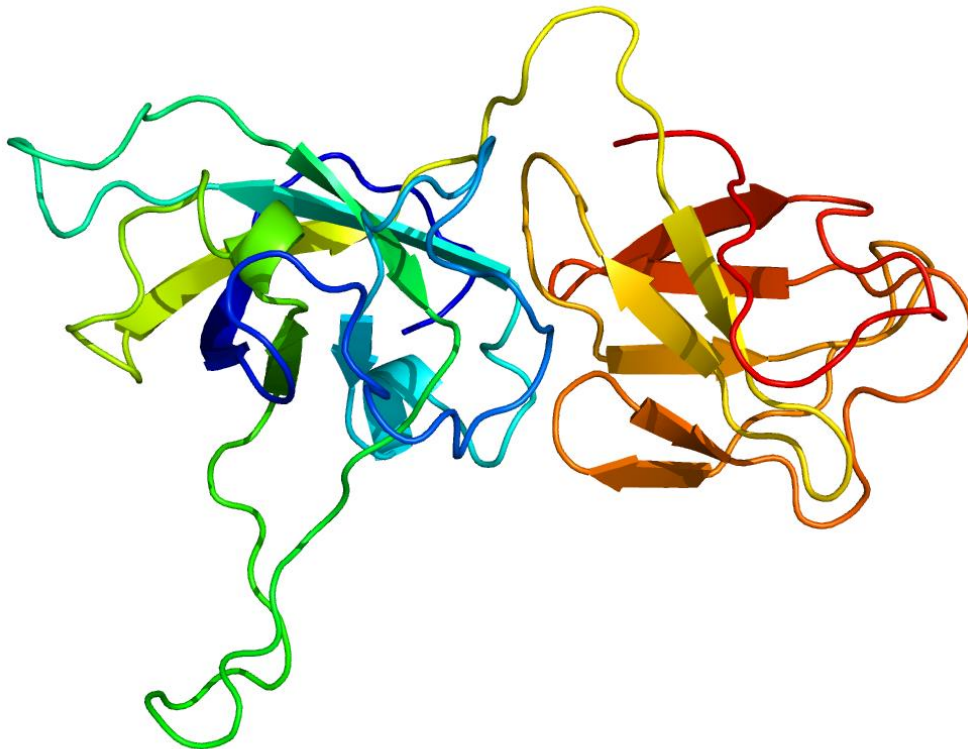
Locus: AUR62021662

Gene Model: AUR62021662

Description: CqEXPA-19

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

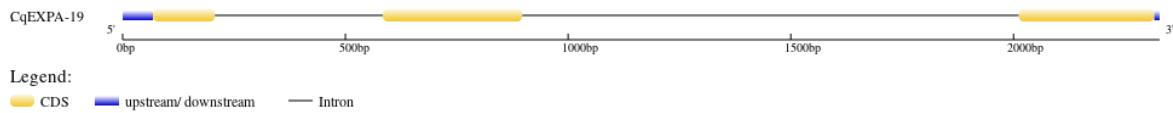
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

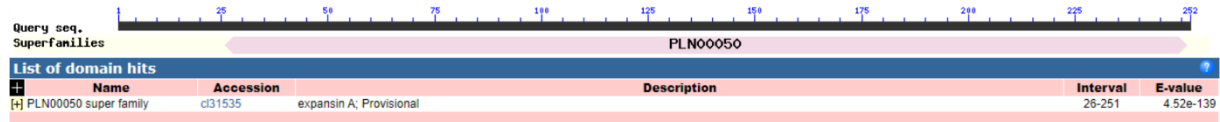
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-19

MSHVVYLVLTISSLLFYSSFAHPHAGQGWTEAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLY
SQGYGTNTAALSTALFNGLSCGACYEMRCVNDARWCLPGSIIVTATNFCPPNNALP
NNAGGWCNPPLRHFDLAQPVFQQMAHYKAGIVPVSFRRVPCRKKGGIRFTINGHSYF
NLVLITNVGGAGDVHAASIKGSRTNWQSMSRNWQNWQSNLLNGQSLFKVTAS
DGRTVTALNVAPPNWSFGQTYTGGQF*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-19

ATGTCTCACGTTGTCTACCTTGTCTAACCATTTCTCTCTTTTTTACTCTTCCT
TTGCTCATCCCCATGCCGGGCAAGGTTGGACAGAAGCTCACGCCACCTTCTACGG
TGGTGGCGACGCCTCTGGCACTATGGGAGGGGCATGTGGGTATGGAACTTGTAC
AGCCAAGGCTATGGTACAAACACGGCGGCATTGAGCACGGCGCTGTTC AACGGA
GGGTTGAGCTGCGGGGCGTGCTACGAGATGCGGTGCGTGAACGACGCGAGGTGG
TGTCTTCCGGGGTCAATTATTGTGACGGCCACCAATTTCTGCCACCAAACAATG
CGCTGCCAAACAACGCAGGAGGTTGGTGCAACCCTCCCTTGAGGCACTTTGACCT
TGCTCAGCCTGTTTTCCAGCAAATGGCTCACTACAAGGCTGGAATTGTCCCGTTT
CCTTTAGAAGAGTACCATGCCGAAAGAAGGGTGAATCAGATTCACAATCAACG
GTCATTCTTACTTCAACTTGGTTTTAATCACCAACGTTGGAGGTGCAGGAGATGTT
CATGCAGCCTCAATCAAAGGGTCTAGAACTAATTGGCAATCTATGTCAAGAACT
GGGGGCAA AATTGGCAAAGCAACTCTCTCCTCAATGGTCAAAGCCTCTCCTTTAA
GGTCACCGCCAGTGACGGCCGA ACTGTCACCGCCCTCAACGTGGCACCTCCTAAT
TGGTCGTTTGGCCAAACTTACACCGGTGGCCAATTTTAA

Nucleotide

>CqEXPA-19

AGCTCAACTCACTTCCCAA ACTTCTTTACTCCTTTAGTGCATAAAGTCTTACTA
AAGGAACCAAACATGTCTCACGTTGTCTACCTTGTCTAACCATTTCTCTCTTCT
TTTTACTCTTCTTTGCTCATCCCCATGCCGGGCAAGGTTGGACAGAAGCTCACG
CCACCTTCTACGGTGGTGGCGACGCCTCTGGCACTATGGGTATGCCATCTTTTTT
CTTTTTTTTTTTATCTAATTTATTCAAATTTTGAAGTATCTATCCGCTCACTTACT
GTAGTATATCATCCACCTCCTTAGCTGATACTTAGCTCAATTTAGTAAGTGAG

CGGATAGATACTTTATTACGAGGAGGTGGGATGATACACTAATTA AAAACACCTTG
TTATAAGAAGATATAGTCCAATTTAACGAGACAAGCCATAAGACGGTCCAATAAT
TCATATAAAGTACTCCGTACATGAAATTGATTATTGCACACATTATTCTAAAATTT
GTGTAACAAAAAAGTTATTTCCCTAGTTACTAATGTACATGCATGTTAACTAATTGT
TGTATATTTGATACAAAATTTTCAGGAGGGGCATGTGGGTATGGAACTTGTACA
GCCAAGGCTATGGTACAAACACGGCGGCATTGAGCACGGCGCTGTTCAACGGAG
GGTTGAGCTGCGGGGCGTGCTACGAGATGCGGTGCGTGAACGACGCGAGGTGGT
GTCTTCCGGGGTCAATTATTGTGACGGCCACCAATTTCTGCCACCAAACAATGC
GCTGCCAAACAACGCAGGAGGTTGGTGCAACCCTCCCTTGAGGCACCTTTGACCTT
GCTCAGCCTGTTTTCCAGCAAATGGCTCACTACAAGGCTGGAATTGTCCCCGTTTT
CTTTAGAAGGTTAGCTAATTATACGGCTCACTGATTGCACATAAGGAGCTAAAAA
TAAATTAACGGAATATTAAGTTAAAATAAATATTAATTGTACTATATTGCCATGT
GATTTTATTATGCATATATCATAACCCACTAATTCCTTTTTGTTAGTTAATTCTAAC
TGTCGTTAGCTCTTTTCTTTAACTGTTTTGGGGGTTGCTTTTTCTTAATTAAGTTGGG
GGGGGGGGTATGGGGTTTAATTAATTTACTGATTTTAATTTTAGAAAAAGTAAA
TGACTTTGGTAGTAAAAGAGTACACTAGTGCCCATCTTTTAGCTAGTTCCATGTTA
TGTGTTTTGAGTTTATATTTGTGAAAGAGAACATAACAATAGTTGTTTGATAAACTT
GGCTAGTTACATCATTGCATGTATAAAAAGGTCACATAAATGTATGCACCTGT
TGTA AAAAATAAAAAAAAATGTATGCACCAA ACTATTATTCTTAAAAAATATTG
ATATTTAAGGATAATTAACCTTGATTGCAGGCATATAGA ACTTGGGTTAATCACA
TTGATTTTTGTCTTCTATGGTAACACAAAAGACTCTCTAGACTATCGCATGTACTT
CCTCAGTTTCACAATAATCATAAAAATACACATTTGGCATAAAAATATATATATTA
ATAAAGTTAAAGAGAGAACGCAAGACACC ACTTTTTGGCATAAAAATATTGTCCCT
ACCTTATATTACACAAGGGTATTTTAAGTATATTTTTAGGTGTTATAATTTGCCAA
AAATAGTACTCCGTACCTGTATGTAACAATTAAGTATTACTCCGTATGACATTTTC
ATTTATGCAGTGTGTAACA ACTAACAATAATATGAAACAGATGAAATACTTATT
ACAAGACATTAGTCTAACAAGTTAGGCTATGATTA ACTTATTAATATACCAA ACT
TTATTCCATACGAGTATACGACATCAAAGTCATAAACCTATTTTTCCACCTTGAA
AGGTACCAAACCCTAAAATCAAGAACAATTA CT CATATCTTTTATGTGACATGTC
CAAATACTGTGCCATTAATTTAAAAGAAAATCATAATATTAATAATAATCCTAT
GTATGTAAATGCAGAGTACCATGCCGAAAGAAGGGTGGAAATCAGATTCACAATC
AACGGTCATTCTTACTTCAACTTGGTTTTAATCACC AACGTTGGAGGTGCAGGAG
ATGTT CATGCAGCCTCAATCAAAGGGTCTAGAACTAATTGGCAATCTATGTCAAG
AACTGGGGGCAA AATTGGCAAAGCAACTCTCTCCTCAATGGTCAAAGCCTCTCC
TTTAAGGTCACCGCCAGTGACGGCCGAACTGTCACCGCCCTCAACGTGGCACCTC
CTAATTGGTCGTTTGGCCAACTTACACCGGTGGCCAATTTTAATACATAAATATC