

IDENTIFICATION

Species: *Solanum tuberosum*

Locus: PGSC0003DMP400033904

Gene Model: PGSC0003DMP400033904

Description: StEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

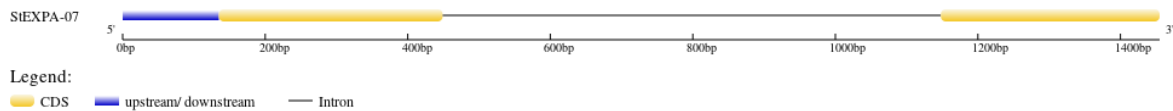
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

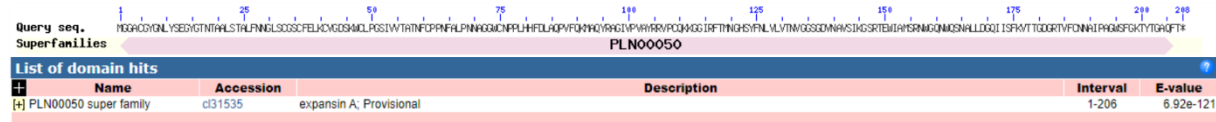
EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>StEXPA-07

MGGACGYGNLYSEGYGTNTAALSTALFNNGLSGSCFELKCVGDSKWCLPGSIVVT
ATNFCPPNFALPNNAGGWCNPPLHHFDLAQPVFQKMAQYRAGIVPVA YRRVPCQKK
GGIRFTMNGHSYFNLVLVTNVGSGDVNA VSIKGSRTEWIAMSRNWGQNWQSNAL
LDGQIISFKVTTGDGRTVFCNNAIPAGWSFGKTYTGAQFT*

CDS (coding sequence)

>StEXPA-07

ATGGGTGGAGCATGTGGTTATGGGAATTTGTACAGTGAAGGATATGGTACAAAC
ACAGCAGCATTGAGTACAGCACTGTTCAACAATGGGTTGAGTTGTGGATCTTGCT
TTGAGCTTAAGTGCCTGGGTGATTCGAAGTGGTGCCTTCCAGGCTCTATAGTGGT
AACTGCTACTAATTTTTGCCACCAAATTTGCCCTCCGAATAATGCTGGTGGGT
GGTGAATCCTCCCCTGCACCACTTTGACCTCGCTCAGCCTGTTTTTCAAAAATG
GCTCAGTACAGAGCTGGGATTGTTCTGTTGCTTACAGAAGAGTACCTTGCCAGA
AAAAGGCGGAATCAGATTCACAATGAACGGTCACTCATACTTCAATTTGGTTCT
GGTGACGAACGTCGGGGTTCAGGAGATGTAAATGCAGTTTCGATTAAGGTTCC
AGAACAGAGTGGATAGCAATGTCACGCAATTGGGGTCAAAATTGGCAGAGCAAT
GCATTACTTGATGGTCAAATTATATCATTTAAAGTAACTACAGGTGATGGCCGCA
CTGTTTTCTGCAACAATGCTATCCCTGCTGGATGGTCTTTTGGGAAAACCTTACACC
GGCGCACAGTTCACTTAA

Nucleotide

>StEXPA-07

ATGGGTATGCTAATTACTTTTCGAGCTAGTTTATGAATTTCAAATTAATAA
AGTTATTGAGTTATGTCGAACCTGTGCTCGGCGCCCATGTGCCTTTTCCATTTCT
ACCTAAAGAATTGTTAAAATTCAGGTGGAGCATGTGGTTATGGGAATTTGTACAG
TGAAGGATATGGTACAAACACAGCAGCATTGAGTACAGCACTGTTCAACAATGG
GTTGAGTTGTGGATCTTGCTTTGAGCTTAAAGTGCCTGGGTGATTCGAAGTGGTGC
CTTCCAGGCTCTATAGTGGTAACTGCTACTAATTTTTGCCACCAAATTTGCCCT
TCCGAATAATGCTGGTGGGTGGTGAATCCTCCCCTGCACCACTTTGACCTCGCTC
AGCCTGTTTTTCAAAAATGGCTCAGTACAGAGCTGGGATTGTTCTGTTGCTTAC
AGAAGGTAAGAGCCTAACTTGAATCTAGAATACCTTATTCTTTTATTTTGTGAAA

ATCTCAATTTATGGTCTCTGTCTTTCCACCAAGCTAGCGTTTGGCTATAGAATTTG
AATCTATTTGGCATAAAAATTTGATCACAACACTATTTTCAATTTTCAAAAAGTGG
CTCAATAAAAAGTTCAGTCACGAACTTCAAATATTTTATTTTCCAAGTAAAATTT
ATGTTTAAACACAATTTTCATGTTTTAAAAGCACAAGTAAAATATTTCAATTTCAA
AATTTATGGCGAATCTGGAGCTAAACTATTGCGGTTAGTTAAGCCAGTTAACAAG
GTCAAAGTCAGAAAAATGTCAAAGTGATTTTTTAAAAGTTCTAATTATATAGAT
AGAGTTAATATACTAAATATTCCCAAACAACAAAAACAAGATAACCCATCTTGTGT
AGGAACGGACCAAGCTGGTAAGCTGAGAATTTACATGAATCTAATAATTTTAAAT
AATCAAAAAGTCTTTCTGTTATACCGCTCAATTTTCAATACTGTCATGCCTTGTGAA
TTGTTCCCTTAGTTAGTTTGGCACAAGCATCCTGCCGGTTACATCTCGTGACAAAGA
TTGGGCCCCTCCCCCTACTAGTAATATTTATATCGGTGTTCCGGTTATATATGTGCA
CTTCCCAAGTTTCAAATTTTGTGGCCATTAATGCAGAGTACCTTGCCAGAAAAAA
GGCGGAATCAGATTCACAATGAACGGTCACTCATACTTCAATTTGGTTCTGGTGA
CGAACGTCGGGGGTTTCCAGGAGATGTAAATGCAGTTTCGATTAAAGGTTCCAGAAC
AGAGTGGATAGCAATGTCACGCAATTGGGGTCAAATTGGCAGAGCAATGCATT
ACTTGATGGTCAAATTATATCATTTAAAGTAACTACAGGTGATGGCCGCACTGTT
TTCTGCAACAATGCTATCCCTGCTGGATGGTCTTTTGGGAAAAGTACACCGGCG
CACAGTTCACTTAA