

IDENTIFICATION

Species: *Eutrema salsugineum*

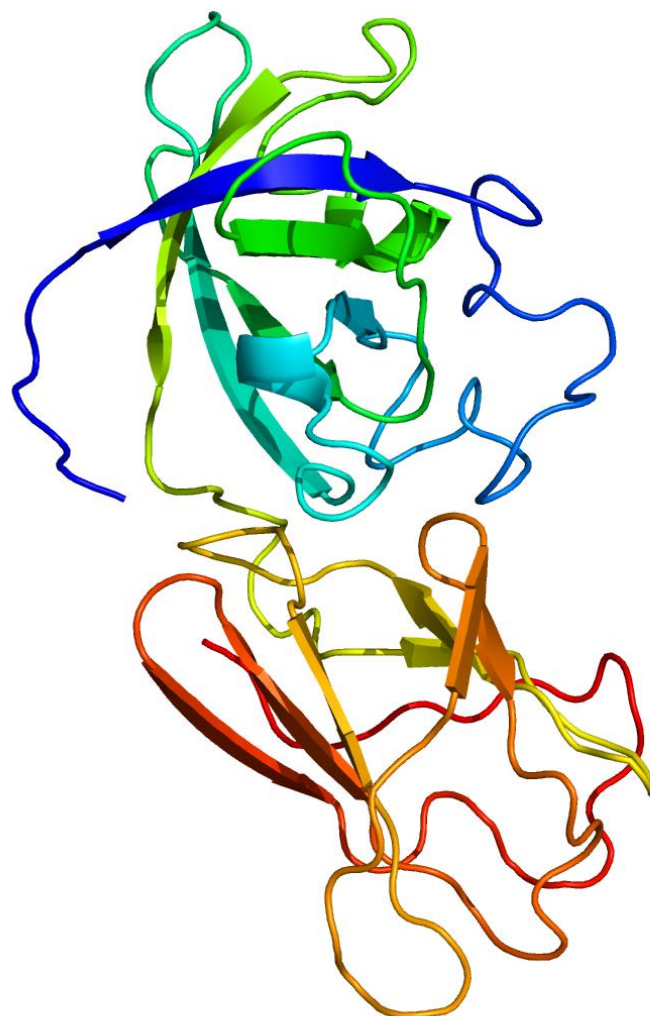
Locus: Thhalv10005494m

Gene Model: Thhalv10005494m

Description: EsEXPA-11

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

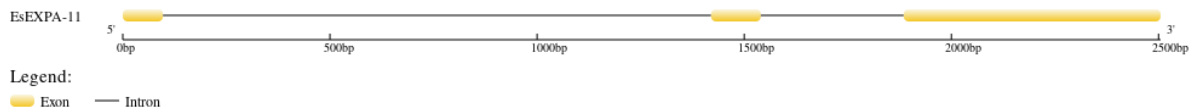
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Esalsugineum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02985>

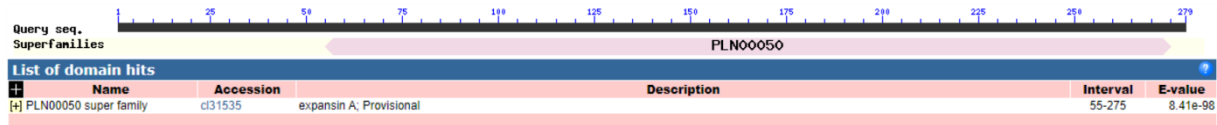
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>EsEXPA-11

MVRPKTKRSCIFIRHGFSLPLTPIRDPEPTAILVSVADLGLAHVGLSNTNSVWYDAH
ATFYGDLGGGETMQGACGYGDLFKQYGLETAALSTALFNNGQTCGACFELECVNS
QWCKPKAGSIKITATNFCPPNYAEPVQYHWCNPPNKHFDLSMKMFTSIAEYRGGIVP
VRFRRVACQKSGGVRFEIKGNPYFIMVLVYNVGGAGDVISVAIKGDKSNWVAMQRN
WGQIWNTGVNLVQRLSFMVRTSDGRSMTFYNVAPESWGFQTFEGRSNF*

CDS (coding sequence)

>EsEXPA-11

ATGGTCAGACCAAAGACGAAGCGAAGCTGCATTTTTATAAGACATGGATTCTCGA
TTTTGCCCTGACACCGATCAGAGACCCACACGAACCTACAGCGATTCTTGTGTC
GGTCGCAGACCTTGGGTTAGCTCATGTTGGTCTTAGTAACACCAACTCTGTGTGGT
ACGACGCACATGCGACGTTCTACGGCGACCTTAGCGGCGGAGAAACCATGCAAG
GAGCATGTGGCTACGGAGATTTATTCAAACAAGGTTATGGCTTAGAGACGGCAGC
GCTAAGCACGGCGCTCTTTAAACAACGGCCAGACTTGTGGTGCTTGTTTTGAGCTT
GAATGTGTGAACTCACAATGGTGCAAACCAAAGGCCGGTTC AATCAA AATCACA
GCCACTAATTTCTGCCACCTAATTACGCCGAACCGGTT CAGTACCATTGGTGCA
ACCCTCCTAACAAACTTCGATCTATCGATGAAAATGTTCACTTCGATCGCTGA
GTACAGAGGAGGGATAGTTCCGGTTAGGTTCCGGCGAGTGGCTTGTCAGAAGAG
TGGTGGTGTGAGGTTT GAGATCAAGGAAATCCTTATTTTATAATGGTTTTGGTGT
ATAACGTTGGAGGGGCAGGAGATGTAATTAGCGTGGCGATTAAAGGGGATAAGA
GTAATTGGGTCGCTATGCAGAGGAATTGGGGGCAAATTTGGAATACCGGTGTGA
ATTTGGTGGGACAAAGGCTCTCGTTTATGGTTCGAACCAGCGATGGTAGGAGCAT
GACGTTCTATAATGTGGCGCCCGAGTCTTGGGGATTCCGGTCAAAC TTTTGAAGGA
AGATCAAATTTCTAG

Nucleotide

>EsEXPA-11

ATGGTCAGACCAAAGACGAAGCGAAGCTGCATTTTTATAAGACATGGATTCTCGA
TTTTGCCCTGACACCGATCAGAGACCCACACGAACCTACAGGTCCGGTTACGGT
GGAGCCACTCTTCATTTTACACCTGTCATTCTCTTTCCAAGAGAACAGCAAACA
GAGTGAAAACGGTGTAACAAGACGACAATACCCTTGTGTTTTAGTGATTAACGCG
CTTGGTACATTGTCATACACACAAGTAGACGAACGAAAATGAAATTATTTATAAT
TTTACAGGTGTTGTGTTTATAATTATATCTCCCAAATTCAAGGAAAAACAACAA

ATTGATTATTA AAAAATTAATATGTCACGATACTTGAAAGTTGAAATCTCAAATG
TTTGTGTAAGTACTTGAGAAAAGAGGCACACAAAACATGAGTTCATCTTCTAAC
AAAACCTCAAAGCAAGTATGTAAGATTGCTTCGAATTAGAGAATCTTTCTTTAA
TTATCATTTTTATTGAGTGTTTTTCACGATAATTGAAAATAATTGAGCAAGATCCA
AACTACAGTAAACTGTCACCACTGATGATGCGGTGAGCTGTCATGAGACTCATGA
CTTTAGCTTGATAACAACAAAAAAACACTCTAAAATAAAAAAAAATAAAAA
AAAACACTCTAAGCTATATTGTTTCTAACTTAAGAGTCTGGAATTTTGGTCAAAC
ATTCTCATCAGAATTTTCTTTTAGTCAATGACACTTTTTATATATCTTTGACAAAC
AATCAATGAGTTGATAGAAATTCATTATTCAAAGAAGTGC GTTTATAAAGGGAT
TAATATTGCATGTTTTAATCTTTGGCACGAAGGGATGTTCCGGGCTGGGCCTCGGTT
CATAACTTTTTTACTCAACAAAAAAAAGTTCTTTCAGAATTACATTTTGAGTA
CTAAAAGTTGATGGATTAGTGGGATAATCTTTCCTTTCCTTGTCACTCCTTTCTAT
CGGCTTCCAAAATCTTACTCGGTTTCATGAAACATATTTACATATATACTGACC
AAAAATGAATCAGAAATATCAAATTCACATATATCAAATCTAGAGTTGGCATT
TTTTATTAAGATACGTATCAATCTCTTGTACTCAGTAAGGAAGTAAGTAAATGCA
GTAGATATTGAGAGTCGATTACAAATCGGCTTAATTTGATACTTGATTAATGCC
CGACACTAAAATTCTGCAATCAATCTCAAGGCTAATTATAAGGCCAAAATATCTTC
CGCTGATTCCCATAATTCCTTAAACAATATATCACACCAACGTTTCATATTCTTC
TATAAATTATCATTCTTCTTTTCAAGTAGAATTATTAATTTAGTCGGAGAAAGACA
AAATATGAATCGATCAATGACTTTTGTGGCGTTACTAGCGATTCTTGTGTCGGTGC
CAGACCTTGGGTTAGCTCATGTTGGTCTTAGTAACACCAACTCTGTGTGGTACGA
CGCACATGCGACGTTCTACGGCGACCTTAGCGGCGGAGAAACCATGCGTTAGTAT
TTGTTATTTGATAATGTCTTTTCAATTAATCGCAGGCCAAACCATATTCTTTCT
TTTTCTAATTAACATGTTTTAGATTCATTCATTGATCCCATAAAGATTTGTGATAA
GTAACAAAACACAGTCAGTACACATATTTTAGTTAAATTACGTTTTGTAGTTTA
GTAACCATTCAATCCACAACATTCGTTTTTTTTTATTCAATGTTTAGCTCCCAGTGT
TAGGAGTTGTTTATGTGATTTTATTTATGTAAAAGTTTATTTTTGTAAACCATCGG
TTCGGTTGTCCATGTGTATATTCTAATGTTATTTAAAAAATATTTGGTATAACAG
AAGGAGCATGTGGCTACGGAGATTTATTCAAACAAGGTTATGGCTTAGAGACGG
CAGCGCTAAGCACGGCGCTCTTTAACAACGGCCAGACTTGTGGTGCTTGTTTTGA
GCTTGAATGTGTGAACTCACAATGGTGCAAACCAAGGCCGGTTCAATCAAATC
ACAGCCACTAATTTCTGCCACCTAATTACGCCGAACCGGTTACAGTACCATTGGT
GCAACCCTCCTAACAAACACTTCGATCTATCGATGAAAATGTTCACTTCGATCGC
TGAGTACAGAGGAGGGATAGTTCCGGTTAGGTTCCGGCGAGTGGCTTGTGAGAA
GAGTGGTGGTGTGAGGTTTGAGATCAAGGGAAATCCTTATTTTATAATGGTTTTG
GTGTATAACGTTGGAGGGGCAGGAGATGTAATTAGCGTGGCGATTAAAGGGGAT
AAGAGTAATTGGGTCGCTATGCAGAGGAATTGGGGGCAAATTTGGAATACCGGT
GTGAATTTGGTGGGACAAAGGCTCTCGTTTATGGTTCGAACCAGCGATGGTAGGA
GCATGACGTTCTATAATGTGGCGCCCGAGTCTTGGGGATTCCGGTCAAACCTTTGA
AGGAAGATCAAATTTCTAG