

## IDENTIFICATION

**Species:** *Aquilegia coerulea*

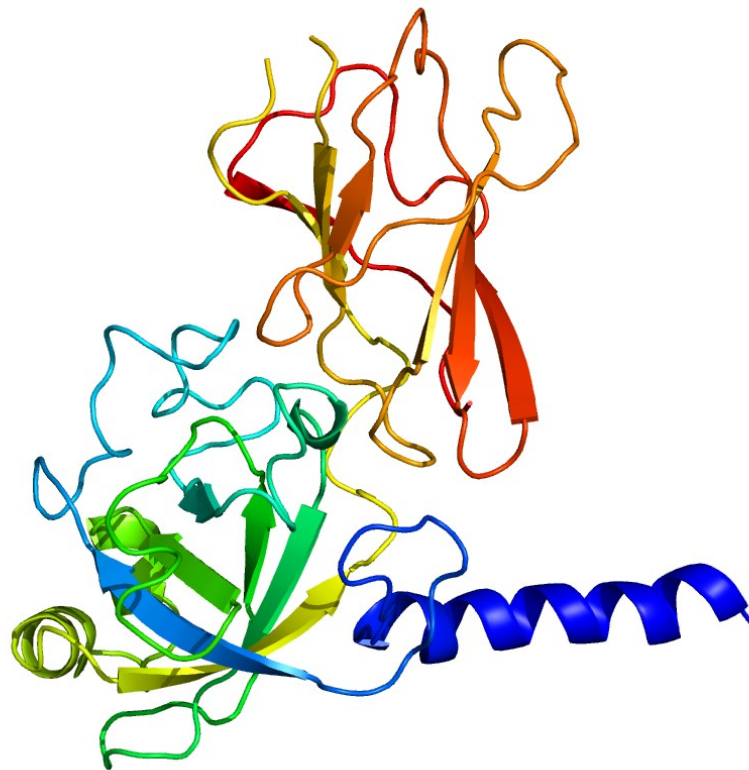
**Locus:** Aqcoe3G275700

**Gene Model:** Aqcoe3G275700.1.p

**Description:** AcEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea\\_v3\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea_v3_1)

## EXTERNAL RESOURCES



TGCTGGAGCAACTTGGTATGGCAGTCCAGAGGGAGCAGGGAGTGATGGTAAGAA  
AGGATTA AAAAATAGTGGGAGAGTCTTGTGATAATACTCCTTTTCCATGCTACGTT  
GTTAATGAGCGTTCTCGTAATAATATCTCTAGCTATACCTCACAAGATGGTCATC  
ATCTATACATATGAACTTATAAACACAGTATAAGTTTGCTAATATATGGGCCATC  
TGTGTGGTAAAAGAAATGTTTCTCTTGCTGACAAATTATCAGTTAAATTGAAATC  
AAACTGAAAGTTGAATCGGAACAAAAATCCAAGAACCTTTTGTACTGCGTCTGCG  
TCACAGGAATATATTTACTATATTCTATATATTTACAAGAACCTAAATTTTGTGTTG  
TTAACTTTATATATTTAGATTAATTAATGGTGATCTCATCTTCTAAATCATGGAC  
CTGAGGTGCTATTCTCTCCCCATGTACTTCAAATACTCGGACTTAATATGCGTAC  
ATAAGCTCCTAAATAAATTTGATGGGCGTATTATATGGGAAAAAAAATTAATACA  
AGTGCTACATATTA AAAATCTTCAGATGTTTATTCAAGTATATTGATTACTTTATAC  
TAACTCATTTACATTTGTGTCAGGTGGAGCGTGTGGATATGGAGACGCCGTCTCA  
CAATCTCCATTTTCTTCTTTGATTACAGCAGCAGGTCCATCTCTCTACAGGTCAGG  
CAAAGAGTGTGGAGCTTGTATCAGGTAAGTTAACAAAACTACATATATGCAAT  
TCGATATGACCTGGGATATTACGCTAGTCTACATAATATATATTATGCTGATAATT  
AAGCAGTCATTTTGTCTTATTGCAGGTGAAATGCACAGAAAATCCGGCTTGCTC  
AGGGAAACCGGTAAGGGTGGTGATCACAGACTCTTGCCCTGGAGGTCCATGTGC  
ATCTGACTCAGCCATTTTGTCTTAGTGGAAGTCTTTTGGGGCCATGGCTAAAC  
CTGGTCAAGAAGAGCATTACGCAGTGCTGGAGTTTGAACATTCATTATGCACG  
GTATTATAATGGGCTTAAATGATGAATTTTGTCTTACATTTTTCATTGTTTAAAT  
TGAAATCCTCCCATATTATCACTTTTTTCTATCATTGTTCTGATTTTCTCAGTCAG  
TTTTCACACAAGTCATGCTGATCAATTTCTCTATTATGTGTTTAGTGTTGCCTGTG  
ATTATTCGGGAAAGACTTTGACCTTCCATGTTGACCCTGGCTCCAACCCAAATTAC  
ATAGCAGTAGTAATTGAATTTGAAGAAGGAGATGGCGATTTGGCTAGTGTTGCTC  
TAAGCGAGGCGTCAAAGACTCAACTGAATGGCAAGCCATGCAACAGTCATGGG  
GTGCAGTATGGAAGCTTGATCCTGGCTACAAATTGCAAGCTCCGTTGTCAATCCA  
GTTGAAATCACAATATTCCGGCAAGACTCTAGTGGCGAAAAATGTTATTCCAGAA  
GGGTGGAGGCCTGGTGGA ACTTATAGATCTGTGGTCAACTTCCTATGAATTTAAT  
CTACAGAGATATAGTTATATATAGAAATAAATAAGCTAGCATGAATATTGCTTGA  
ATAAAATTGTGATGTATAAGTGGCTCTGCTCTGTGATTTGAGCCTATCGGCCATC  
CAGAAGTACTGAGTCTCGCCATACTTCACGAGGTCCCTTATGTAAGGTGCTACTA  
AGTTGAGATTCAAATTTCTGCTTAGCGGTACCAAGGACTGTTGATTTAGCTTTGCA  
GCAGATTAACGTCGACTTAAAGGTAATCATGCATGTTCTTATAAAAAATTGGACT  
GAGGTGGTAATGTATTAAGTCTGGTACTTGGTGCAATAGTCACCCGCCAATGTT  
ATATGTATACTGGATTTAAGGCCAGCAGTCTATTGGATGGCCTTTCTTCATAAAG  
ATTTGTGCTTAGTTTGTAAACAAGGAGTGAAGGACTTGATTATCGATGTGCTTTACT  
GTATGACTTGAATAAATTTGTAATTTGTTTACCTTT