

## IDENTIFICATION

**Species:** *Citrus sinensis*

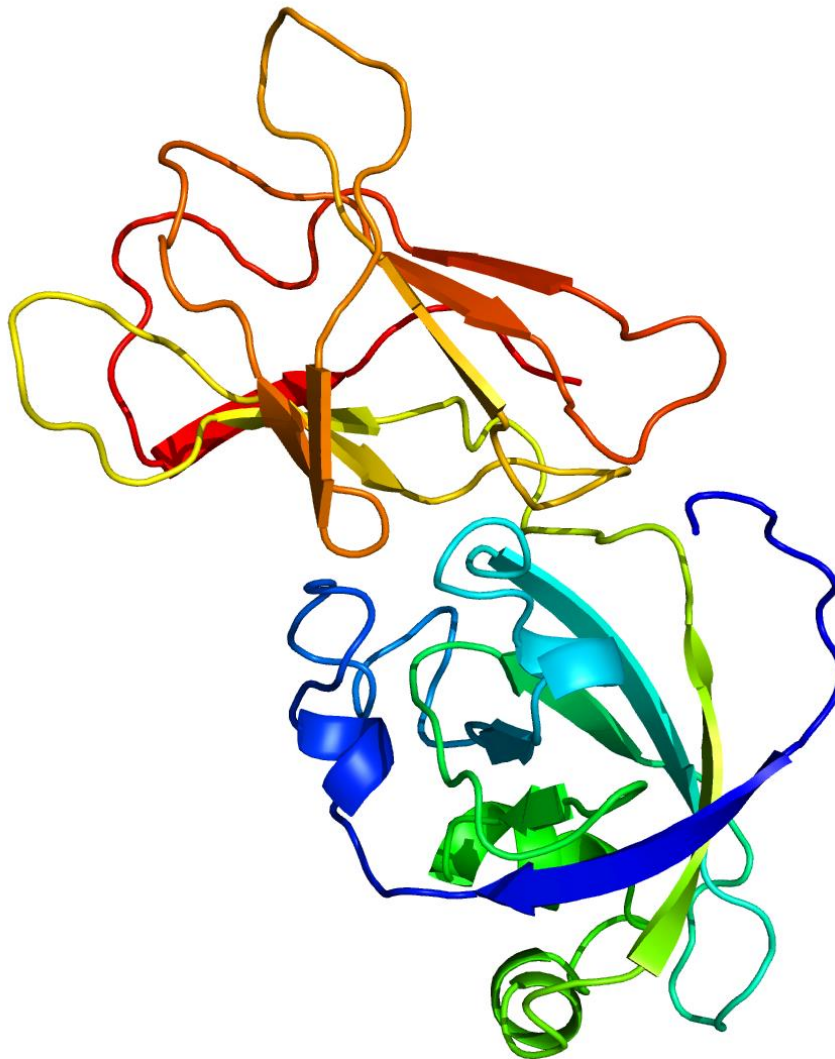
**Locus:** orange1.1g024895m

**Gene Model:** orange1.1g024895m

**Description:** CisEXLA-02

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Csinensis\\_v1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Csinensis_v1_1)

Kegg: <https://www.genome.jp/entry/T02983>

## EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/sinensis>



TCTTCTCTTCTGCTACTGCTTGTGATCGCTGTGTGCACCAAACCAAGGTTGCTTAT  
TTCTCCCAAGCCTCTGCACTTTCATGTAAGCACTAACTATGATCACTCTTTCGTAC  
TTTATTAATAATCAAATTTGGCATTGACCCAGATGGTATTTTTGTAAGAATTTAAAT  
GGGTAATATCTTTTTTTGGTAAATTGATGCAGCCGGGGCATGTGGATATGGTTCAT  
TAGCATTAAAGCTTCAATGGTGGACACCTTGTGCTGGTGTTCCTTCCCTTTACAAA  
GATGGAGCTGGTTGTGGTGCATGCTTTCAGTATGTATTATTAGCTTTC AATTTCA  
TTTTTCATTCTTTTGTATTGATTGTGTTATCAAAATTGGTTTTTCGAACTTAATTT  
GGGTACCAACATTTGTTTTGATCAGATGAGATGCAAGAACCCA ACTCTGTGTAGC  
GGCAGAGGAACAGAGTGATTCTGACTGATCTCAATCACAGCAACCAAACAGAT  
TTTGTATCAGCAGCAGAGCTTTCATGGCCTTATCCAACCAGGGCAAGGGCCAAG  
ACATTTTAAACTTGGAGTTGTCGATGTAGAATACAAAAGGCAAGCAAATATTCT  
CAACTTCTCTATATTAATTGTTAATGCAGCATAGCTTATTTATTATTATTATTA  
TTTTAATCACAGTTTTTGTCCACACACGCCACATATAAAAAGAAAAAATGTAATAGC  
AACATAATTATATATATATTGCCCCACATGATTTGCCTCTATCCCTACCCCGGGAC  
AAAATATCAGGCACACATTAATTGCTTATAACGGTCCCAATTTGTATCTTATCGTA  
GACTAATCATACTAATAAAATGCATTTGCTCTTCTGGGTTGATGTTTCAGGGTTCCA  
TGTGAATATAAAAACCAGAACTTGGCTGTGCGTGTGGAAGAATCAAGTCAAAAA  
CCAAATTATTTAGCAGTTAAAGTGTTGTATCAGGGTGGTCAAACAGAAATGGTAG  
CAATGGATGTAGCTCAGGTTGGTTTTTTTTTAAAAAAAATGAACACACATGAT  
AAGTGCACATCATTTAGTTTACACGGCCCCAAAAGCCTGGCGCAAATGTAGTTCA  
AAAACCGATGATGATTATGATTGCTGTTGCAAATTTTGCAGGTTGGTTCTTCAAAC  
TGGGGTTACATGAGCAGAAATTATGGGGCAGTTTGGGATACAAGTAGAGTGCCA  
AATGGGGCATTGCAGTTCAGATTTGTGGTAACATCAGGCTATGATGGCAAGTGGA  
TTTGGGCAAAAAATGTTCTTCCAGCTGATTGGAAACCTGGAATGATTTACA ACTC  
TGGAGTTCAGATCACTGATATTGCCAAAGAGGGATGCTCCGAATCTGAATGTGGT  
GATGGAAGCTGGAAATGAAAGAGATAAGAGTTTGTATTGCCACCACTACTTATTTA  
TGTGAATACACATAAATTTTGTATTGATTTCTTTCACATACAATCAGTATAATCAA  
ATAACTTAGAGGATTAGAAAGTGAAGACGTATAGATTGGAAAGGTCTATACTAG  
ATTTTTTTTTCTTTTTTCTCCCCCTCACTTTTTTAATGTAACATTGTTCTTTTGT  
GCTAAAGTAATAAAATGCCCTATTGTTCAGAATTTCTGTGTCTCTCTTCTCACTC  
TCGTTT