

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

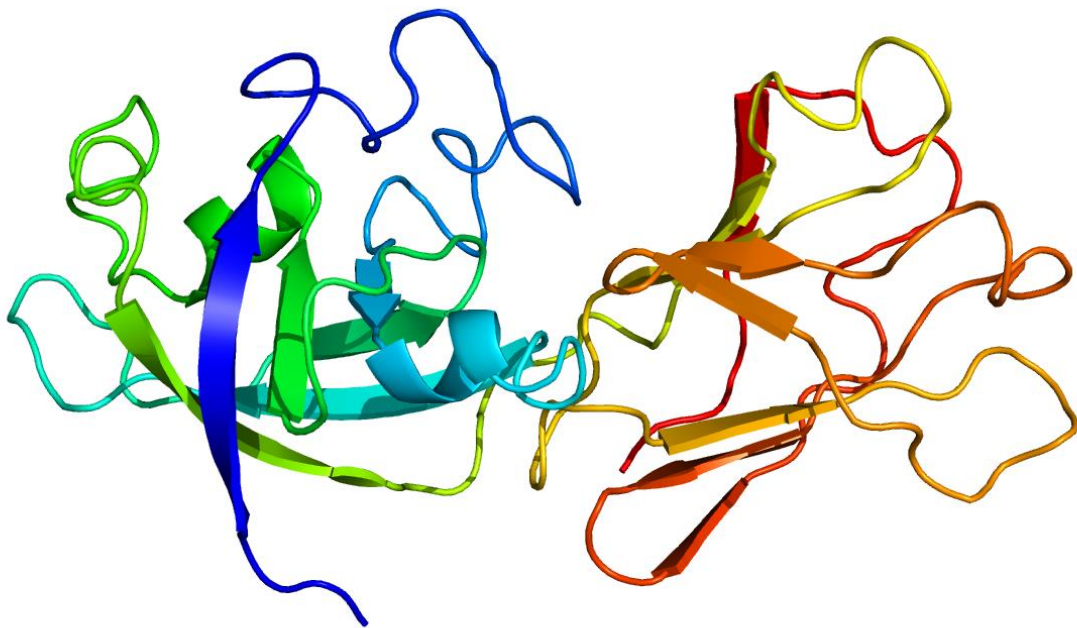
Locus: XP_015083683

Gene Model: XP_015083683.1

Description: SpnEXLB-02

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

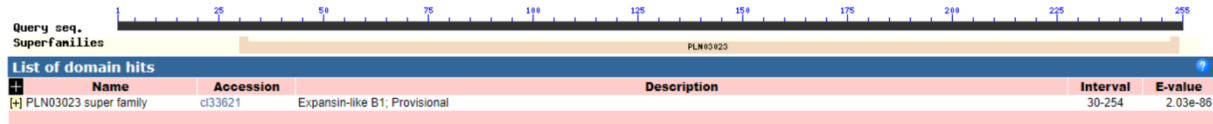
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXLB-02

MAPLQVVSVFVASFIFMQTLGNSQTCPCDFTRSRAAHYPNSEEKGTETGSCGFGTFG
ATINGGDVSAASELYRNLGCGACYQVRCTDSNYCSDKGVTVVVDQGAGDRDIFI
LSQRAFARMAQTTDAAASILPLGVVDIEYRRVSCTFDPDKNITIKIESSDNPHYLAFVI
WYQQGKKDITAVQLCETQNFVCKLLDRTRGAVWTTTSPPRGPLQIRMILLSVDEDE
TWVVPVNNIPENWKAGDTYDSGIQADA

CDS (coding sequence)

>SpnEXLB-02

ATTTGAAGTTGAACAGAATGTCAAAAGTCATAGTTAAGTTTTACCCATGTGGAGG
TTTATTTGCTTCTTTCAGTTCATAAAATACTCGAACGCCATTTTCAGTTCCTGCA
ACACCAACTTGTCTCTTTTGCTTAATTACCCTTTCTTGTGATCTTCAATCCAAATG
GCTCCTCTTCAAGTTGTCTCTGTCTTTGTAGCATCTTTTATCTTCATGCAAACCTCTG
GGAACTCTCAAACATGCCCGGATTGTTTCACTCGTTCTCGTGCAGCCCACTATCC
AAATTCAGAAGAAAAGGAACAGAACTGGGAGTTGTGGATTTGGTACTTTTGG
AGCAACAATCAATGGTGGAGATGTCTCAGCAGCATCAGAACTCTATCGAAATGGT
CTAGGATGTGGTGCATGCTACCAGGTGAGATGCACCGACAGTAACTACTGTTCTG
ATAAAGGAGTAACTGTAGTTGTAACAGACCAAGGTGCAGGTGATCGCACAGACT
TTATTCTAAGTCAGCGAGCCTTTGCTCGCATGGCTCAGACAACAGATGCTGCTGC
TTCTATATTGCCACTTGGTGTGGTGGATATTGAATACAGAAGGGTCTCATGCACCT
TCCCGGACAAAATATTACAATCAAGATTGAAGAGAGCAGCGACAATCCTCATT
ACTTGGCTTTTGTGATATGGTATCAACAAGGCAAAAAGGATATTACAGCTGTGCA
ACTATGTGAGACACAAAATTTTGTATGTAAGCTGCTGGACAGGACACGTGGAGCA
GTGTGGACTACTACTTCACCTCCAAGGGGACCTCTGCAAATCAGAATGCTATTGA
GTGTTGATGATGAAGATGAGACATGGGTTGTTCTGTCAATAATATACCTGAAAA
CTGGAAAGCTGGTGACACATACGACTCAGGAATACAAGCGGATGCATAAACACA
AAGGACTCTGTTGCTATTTGATTGAATTTTACTAAACAAGTTTATTGGCTCTTTGA
TAGTGTTACTCTGCGCTAGCTTTTACTGCTAGTTAATATAATAAAAACTATCCTG
ACTCGATTATGTATTTCAACATATAAAGTTTATCTTCTAAAGCAGTTTCTTCATAT
AGATTCATGACTGTAATGTAAGAATACAAAACCTTTTCTACATCGATAA

Nucleotide

>SpnEXLB-02

AGAGGTTAATTTTCGGTGGCTGTATTCAGCATGTGCTTTTAATAGATGTGCAGAAA
TTTGCAGTTTAATCTAATGCAAGCAATATTTTAAGTTTGAATGATCAGATTTGTGA
TCTAATTGAAGAACTTTGGTTTACACATGAAATAATACTGTAGCAGTTAAACA
TAAACATATTTTTATTATCAGAGTAATAATCCCTCTGTACCATTTATGTGAGATTC
TTTCCTAGTCTGTTCCAAAAAGAAAAATCCTGACATCTTTCTATACTTAGGAAAA
GGCCAACTTAACTTCCAATTTTATGCTTAATAACATAGTTTTCTAGCCACAAAAT
TTTCATGGCACATTTAAGACCACAAGTTCCAAAAGTCTTTTTTTTTTTTAGTACTTC
AAGGAACGTCTGTGTACCTATTGAATTTGGATAGGCAGATGCTGTTCAGGAAGAT
TATGGCCTCAAAGGTGTGAGTATCTGCGGTGAGGCAAACCCATGCACAACCTTGAA
TTATCGATGTAGAAAAGTTTTGTATTCTTACATTACAGTCATGAATCTATATGAAG
AAACTGCTTTAGAAGATAAACTTTATATGTTGAAATACATAATCGAGTCAGGATA
GTTTTTATTATATTAAGTACTAGCAGTAAAAGCTAGCGCAGAGTAACACTATCAAAG
AGCCAATAAACTTGTTTAGTAAAATTCAATCAAATAGCAACAGAGTCCTTTGTGT
TTATGCATCCGCTTGTATTCTGAGTCGTATGTGTCACCAGCTTTCCAGTTTTCAG
GTATATTATTGACAGGAACAACCCATGTCTCATCTTCATCATCAACACTCAATAG
CATTCTGATTTGCAGAGGTCCCCTTGGAGGTGAAGTAGTAGTCCACACTGCTCCA
CGTGTCTGTCCAGCAGCTTACATACAAAATTTTGTGTCTGCATATTGAAAGAAG
GTAGTATTCAAACATTGAAACATAGGACAATTTGGACGAAGTAGTCTTAACTTC
TCCAATGTTATTCCTTTATCGACTTCATGTAGAAAATTTTCTCTGTGTGGATTCTG
AAAGATGAAACAGATGTTAGGTTCTTGCAGAGGTAGCAATTATACCTCACATAGTT
GCACAGCTGTAATATCCTTTTTGCCTTGTGATACCATATCACAAAAGCCAAGTA
ATGAGGATTGTGCTGCTCTCTTCAATCTTGATTGTAATATTTTTGTCCGGGAAGG
TGCATGAGACCCTGTTCAAGTGGAGAAATTGGCAAATTGCTTATTGGTAACTTATG
TTGTAATCGATTAATTGATATCCAATGATCCATCTTTGCTTATATACTTTGAATATT
TACAGGCCTAGCTATAAACTAACTTCAACTGGGAGATACATCTTACCTTCTGTATT
CAATATCCACCACACCAAGTGGCAATATAGAAGCAGCAGCATCTGTTGTCTGAGC
CATGCGAGCAAAGGCTCGCTGACTTAGAATAAAGTCTGTGCGATCACCTGCACCT
TGGTCTGTTACAACACTACAGTTACTCCTTTATCAGAACAGTAGTTACTGTGCGGTGCA
TCTCACCTAGCAAAACGAGGTAAAGTCCGGAATGACATCTTACACGTGAAAATCT
TGGCTAGTTATTATCTATTTATCAACTACATAATTTTTCTTCTTTTTTATTATTAC
CTGGTAGCATGCACCACATCCTAGACCATTTTCGATAGAGTTCTGATGCTGCTGAG
ACATCTCCACCATTGATTGTTGCTCCAAAAGTACCAAATCCACAACCTCCAGCTG
CATGCAACCAAACAGAAGAGGTTATTCTACGAGAAAATTTAACTTTCCACATT
TTACGTGCACGTTAATATGTTATTTGTCAACTATGCATGGCAAGAATCTCACTTTC
TGTTCCTTTTTCTTCTGAATTTGGATAGTGGGCTGCACGAGAACGAGTGAAACAA
TCCGGGCATGTTGAGAGTTCCCCAGAGTTTGCATGAAGATAAAAAGATGCTACAA
AGACAGAGACAACCTGAAGAGGAGCCATTTGGATTGAAGATCACAAGAAAGGGT
AATTAAGCAAAGAGAACAAGTTGGTGTGTCAGGGAACTGAAATGGCGTTCGAG
TATTTATAGTGAACCTGAAAGAAGCAAATAAACCTCCACATGGGTAAAACCTAACT
ATGACTTTTGACATTCTGTTCAACTTCAAATTTGAATGCAGGGAATTCTGCCTTTA
CTTTCCCAAGCAACCATTTTGGACCTTGCATCACTTGTTTTTAGATAATATAGGGA
GTCACCTTCTCACTTTATTAATAAATAATTTTGTCTTCTTTAATCTCTCAGTTCAA
TGTGTTCCCTTGCCAACCTTCAACTGCTTAGTTTAGTATTTGTGTTACTATTCCCTAA
TCCTTCCGTCCTAATTTATGTGATCCTTTTTGACTGGGCGCGGAGTTTAAGAATGG
AAGGAAGACTTTTGAACCTGTGGTCTAAAACAAGTCGTACGTATTGCGGGTTAC
CTCTCCTGTATGGTTTGCAGAGCTATTACGTAGGAGTGGAGATTTTACCATGTGCGC
ACCCAAGGTTAGAGCTACGGGTTTCCCTTGTGCATCAGAAAAAACAAGTT
TAACATATTTGTGTGTTTATAAATCATCTTATTAAGGGTAAAATGATAAGGTTAA
AGTTAAATATTTACTAAATATAGGAAGT