

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

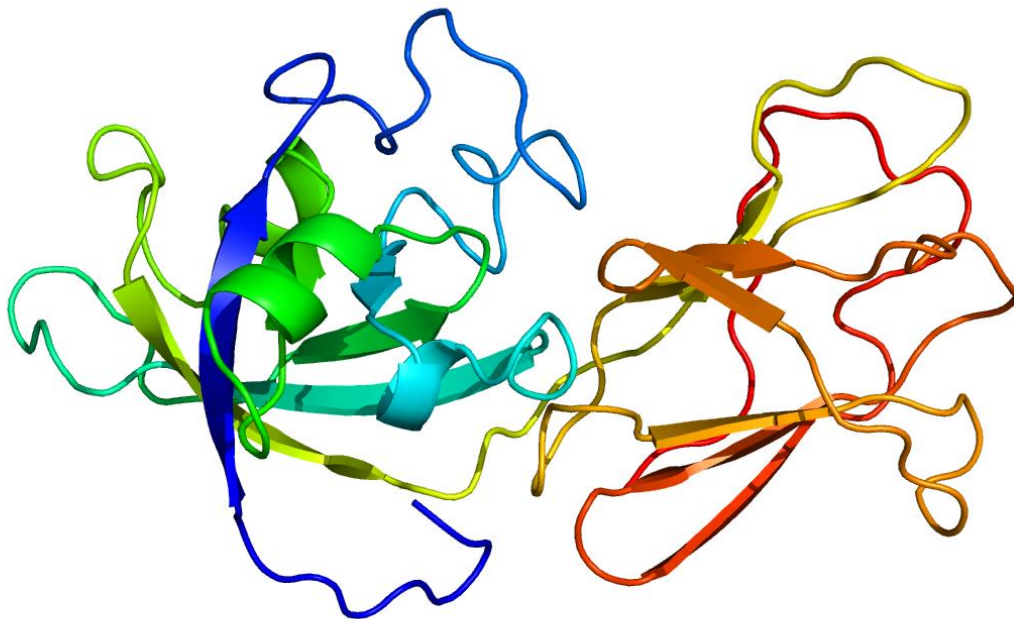
**Locus:** XP\_015946123

**Gene Model** XP\_015946123.1

**Description:** AdEXPA-27

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

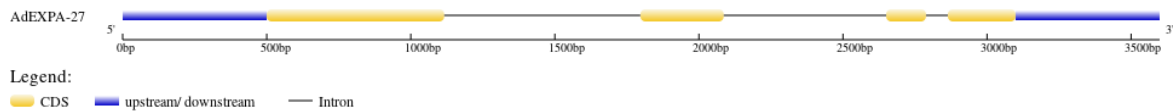
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

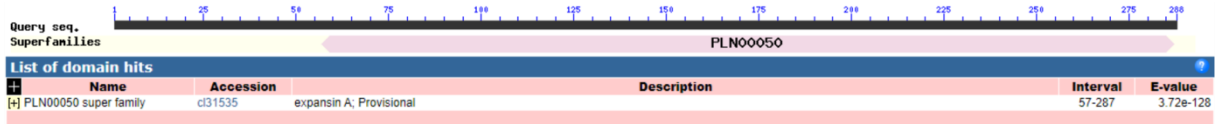
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-27

MHGPKMCQVLMMLTDLISIYSVYNSPLNFLKPNFFFHQSNLTPCF LRKLMALLGFLLLV  
FISMLSYSVSA YGYGGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQGCGTNTAALST  
ALFNNGLSCGACYEIRCANDPQWCSPASIVVTATNFCPPGGWCDPPNHHFDLSQPVF  
QQIAQYKAGVVPVIYRRVRCKRRGGIRFTINGHPYFNLVLVTNVGGAGDVHGVAIKG  
SRTRWQAMSRNWGQNWQSNSYLNQSLSFVVTTSNHGSVVSYNVAPPSWSFGQTY  
TGRQFP

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-27

GATAAAATAAAGCAGAGATTCTAGTAAAATTTGAGTCCCAAGAACACTATAGTA  
ACCCTTGTGAGTTTCTCACATAGTCATTTTGAATATGTTGCAATTTGCATGCATGG  
TCCCAAATGTGTCAGGTCTTGATGTTGACTGACCTCTCTATTTATTCAGTCTACA  
ACTCGCCCCTCAATTTCTCAAACCAACTTCTTCTTTCATCAATCTAACTTAACT  
CCCTGCTTCTTAAGGAAATTGATGGCTCTTCTTGGGTTCCCTTCTTCTGGTGTATTATC  
TCCATGCTCTCATATGTTAGTGCCTATGGATATGGTGGTTGGATCAATGCACATGC  
CACATTCTATGGTGGTAGTGATGCTTCTGGAACAATGGGTGGAGCTTGTGGATAT  
GGAACTTGTACAGCCAAGGGTGTGGGACAAACACAGCAGCACTAAGCACAGCA  
TTGTTCAACAATGGATTAAGCTGTGGAGCATGTTATGAAATAAGGTGTGCAAATG  
ACCCACAGTGGTGTCTCCTGCCTCAATTGTAGTAACCGCCACTAACTTCTGCCCC  
CCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCAAATCACCATTTTGATCTCTCTCAGCCTGTTTT  
TCAGCAAATTGCTCAGTATAAAGCTGGCGTTGTTCTGTCATTTACAGAAGGGTG  
AGGTGCAAGAGAAGAGGGGAATAAGGTTCCACCATAAATGGCCACCATACTTC  
AATTTAGTCCTAGTAACAAATGTTGGAGGTGCTGGTGTGATGTGCATGGTGTAGCCA  
TCAAAGGTTCAAGAACTAGATGGCAAGCAATGTCAAGAACTGGGGGCAAAATT  
GGCAAAGCAACTCTTACTTGAATGGACAAAGCCTTTCATTTGTAGTTACCACAAG  
TAATGGCCACAGTGTGGTATCTTACAATGTTGCCCTCCAAGTTGGTCCCTTGGAC  
AGACCTACACTGGAAGACAATTCCCTTAAATTTACTAACCTAACCTTTTGGTTGTT  
GGACCATCCTCCTTCATAAAGTGTTAGTAGCAATATATGACGAGATTGATATATC  
ATCTATAAAGTACTAAGCTATAGTTGAAATAGAATAGTCTTAGATGGGTCAATAT  
TTATTAATTGGGCCAAAGTGAAGAAGGTTAATAATTAAGTACCCTTCTTCTTAGT  
ATATTTTGTGTTGATTTTCAAGGTTTTATAATTTTGTAGATGGAACCTTATGGTAATT

AGCAGAAGAAATCTATCAAAAGAAGTAGATAAAATCTAAATAGGCAAATAAAA  
GAGAAA

**Nucleotide**

>AdEXPA-27

TTGTTTACCCAAACGGTATCCTCCAACACGACAGGTTAAGGACTAATCCGTCGCG  
GATCTGAACTCTATTTAAGGGATCACTTTAATGTGTTGAGCTTTTCTTTGTTCAA  
AAAAAAAAATATTGACCCATCTATGTGTTTGTTTTTTATATTAATAAACGGTA  
AAATTTTGAGATACAAAATAACTAAAACCTCAATTTATTTATTCATCCTTATCT  
TCCTTATAATAGGTATTAATAACTATTCTTATTATTTTCTTTCTGTTTTTTAATTC  
TAAATTTCAAATATATGTAACAATGAAATATATACTTACATTTTGCATTAATAA  
ATAGTAATAAAATCTAATCAAAGTACGAAAAACATACTAACAATAATAATTTTC  
ATATCCTTGATATTTCCCAATAATAATTGTAGGAATCCAATTTGCAAAGGATCTT  
CATCAATTGGCATCCTCACATTTGCAATATGGCATATAAAACCTCACACCTAGTTT  
CTCTTTTATTTTGCCTATTTAGATTTTATCTACTTCTTTTGATAGATTTCTTCTGCTA  
ATTACCATAAGTTCCATCTACAAAATTATAAAACCTTGAAAATACAAACAAAATA  
TACTAAGAAGAAGGGTACTTAATTATTAACCTTCTTCACTTTGGCCCAATTAATAA  
ATATTGACCCATCTAAGACTATTCTATTTCAACTATAGCTTAGTACTTTATAGATG  
ATATATCAATCTCGTCATATATTGCTACTAACACTTTATGAAGGAGGATGGTCCA  
ACAACCAAAGGTTAGGTTAGTAAATTTAAGGGAATTGTCTTCCAGTGTAGGTCT  
GTCCAAAGGACCAACTTGGAGGGGCAACATTGTAAGATACCACACTGTGGCCATT  
ACTTGTGGTAACTACAAATGAAAGGCTTTGTCCATTCAAGTAAGAGTTGCTTTGC  
CAATTTTGCCCCAGTTTCTTGACATTGCTTGCCATCTAGTTCTTGAACCTTTGATG  
GCTACACCATGCACATCACCAGCACCTCCAACATTTGTTACTAGGACTAAATTGA  
AGTATGGGTGGCCATTTATGGTGAACCTTATTCCCCTCTTCTTGCACCTCACC  
CTACAAACAAAATCCATCAAAAAGGAAGAAAAAAAATTTTGTTGGGTCTATAA  
AATTAATATTTCAGAAGACTTAAAAAGTTAATATTGAGTACGGATTATATTTTGC  
ACATCATATGACCAAAGTTTATAATCATTTAAAAGGAAAGACTAAAAATATTTT  
AGAAGTCATAAAAAATTTATTTACAACCATATTTAATAGGGTAAAGTTCTAAAGT  
ATGTTTTTTTCTTAATATATGCAACTTTTTTTTTTCAAAAATATCCCATAATGTTTAA  
TTTCATTTAATTTTATTTTAAATGTTATCAATTCATTCAATTGTCTTTAATATTTTA  
GATGGAATTAATCTCCAGTGATAATTTTGATATAAATAAAAAATATTATACAAA  
TTAATAAAATTAACAACAGAAATATTTTGTAGAAAAAAAATAACCAAACGC  
TAGAAATAAAAAACATACTTTACCCTATGTAATATTATTTACAAGAGTGTTTG  
GTGTGCATTATATATATTATCATCTTATTTTCATAAAAAAGTTTAAATGTATAAAGA  
GTAATTATAATACACCTATAGTGGACTTGAATCATAACACATAATTCACATACTC  
AAATCTAAATTCATAATTAGTTAACATCATAATCCCATACAGCAAGTTAATTA  
GTGAATATTAGAATAACCTTCTGTAAATGACAGGAACAACGCCAGCTTTATACTG  
AGCAATTTGCTGAAAAACAGGCTGAGAGAGATCAAAATGGTGATTTGGAGGGTC  
ACACCAACCACCAGGGGGGCAGAAGTTAGTGGCGGTTACTACAATTGAGGCAGG  
AGAACACCACTGTGGGTCATTTGCACACCTTATTTTCATAACATGCTCCACAGCTTA  
ATCCATTGTTGAACAATGCTGTGCTTAGTGCTGCTGTGTTTGTCCACACCCTTGG  
CTGTACAAGTTTCCATATCCACAAGCTCCACCTTCATTTTCACATCATGTCATA  
AATTAGAGCCTCTTAATTGGTATTCTGTATTCTTTTGGTTACCTACTAATTTTAGTG  
TACATGCATTATGATTGTTTCTTTTATATTAATGTATTTGAATATATTTAACATCTA  
ATTACATAATGTCACGTTAGTAAAAAACCACTTTCACGTTAATAGCGTAAATG

ATCATCCAAAAGAACAGATGTGATTGCACGACTGTGTAAAACGTTTTACACTGTT  
CGTGCATCAAAATTAACTCATGTTTAGAGTATTTTAAGTTTGTAACCTTGAATCT  
TATTAATAAATACATAGTGCATTGGTTGCTTAATTAAGTTTACTATAATTAATATA  
AAAGGAGTATAAGTGAAAAAAATTTAAATTAACATAATCAAACAATTTATGTTAA  
CAAACTAATTTTGGATAAAAAAAAGTGACCAATGTTATTTAACAGAGAGGTTAT  
ATATGTAGCATAAATATGACTATGAGATTAAAAAGAAATAGAAGGAATATTATG  
CAACTAATTGCAGAACTGAAACACAAAGTTATGCATACCCATTGTTCCAGAAGC  
ATCACTACCACCATAGAATGTGGCATGTGCATTGATCCAACCACCATATCCATAG  
GCACTAACATATGAGAGCATGGAGATAAACACCAGAAGAAGGAACCCAAGAAG  
AGCCATCAATTTCCCTGCACAAATTAATAATTAGAATATTCACAAAATGAGCAATT  
AAAAGAAAGAATAATAAGGGAAGGTAGTTAATTACTTAAGAAGCAGGGAGTTAA  
GTTAGATTGATGAAAGAAGAAGTTGGGTTTGAGGAAATTGAGGGGCGAGTTGTA  
GACTGAATAAATAGAGAGGTCAGTCAACATCAAGACCTGACACATTTTGGGACC  
ATGCATGCAAATTGCAACATATTCAAAATGACTATGTGAGAACTCACAAGGGTT  
ACTATAGTGTCTTGGGACTCAAATTTTACTAGAATCTCTGCTTTATTTTATCTTAT  
GTAAACAGTGGCAGATCAATAAAATTTTGATAGTGGGGCAAATATATATAACAT  
ATAATAATTTAGGTTTAGTTAATATGTATTCTAAAAGCATATGATAAACTTATTA  
TTAGTAAAATTTAAATTTTTTCATGTAATAAATACATTAATAAAATTTAAATTTTTTG  
AATTTCAATAAAAATATTCTCAATTTATAATCTTAATATGTATTTTAAGACACAA  
GATAGATAAATTTTAATAATTTTATAATAAACTATTATATGTACATAAAATTA  
CTATCAAATTATTCATTAACCATTGTATTTGTGTATAAATATATTTATTGTTTAATT  
TATTTTCAATGTGTATTTTATATTTTAATATGTATTTTATACGAGTAGTTACTTTTT  
ATGTACATATAGCATAATTATTGTTATAATTATATTTTTGTTATTGTAAAATATGAT  
TAACTTTCAAATATATAATTTACAAATTAACACTAAAATAATAAT