

## IDENTIFICATION

**Species:** *Populus deltoides*

**Locus:** Podel.17G152300

**Gene Model:** Podel.17G152300.1.p

**Description:** PdEXPA-27

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

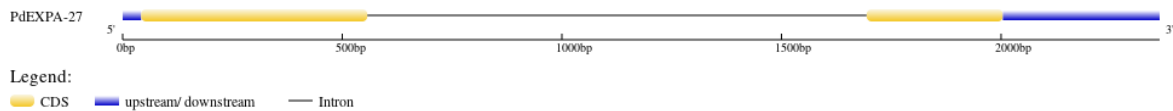
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/PdeltoidesWV94\\_v2\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/PdeltoidesWV94_v2_1)

KEGG:-

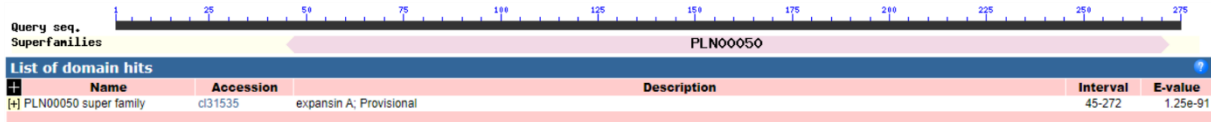
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>PdEXPA-27

MPPPLLQGPIHTLLKPLLLLLLLTLPPTTTSHTSSTTTPPPLSTYLSQWQPARATYYAAS  
DPRDTVGGACGYGDLVKAGYGMATVALSESMFERGQICGACFEIKCVDLLRWCIPIG  
TSIIVSVTNFCAPNYGFPSDAGGKCNTPNKHVFLPIESFEKIAIWKAANMPVQYRRIKC  
RKEGGIRFTISGSGIFLSVLISNVAGAGDVTSVRIKGSKTGWLDMGRNWGQNWHVNA  
NLQNQALSFEVTSSDKMTVLSYTVAPKDWRFQTFEGKQFET\*

### CDS (coding sequence)

>PdEXPA-27

ATGCCACCGCCATTACTTCAAGGCCCTATTCACACTCTCCTGAAACCTCTCCTCCT  
CCTCCTCCTCCTCACTCTCCCCCCCACCACCACCTCCCACACCTCTTCCACCACCA  
CCCCTCCACCTCTGTCCACTTACCTATCCCAATGGCAACCCGCACGCGCTACTTAC  
TACGCAGCATCCGATCCCCGGGACACAGTAGGAGGCGCGTGTGGATATGGGGAC  
TTGGTTAAAGCGGGATATGGAATGGCAACTGTAGCATTGAGTGAATCAATGTTCCG  
AACGTGGACAGATCTGTGGCGCGTGTTTTGAAATCAAATGTGTTGATGATTTGAG  
GTGGTGTATTCCTGGGACTTCTATTATTGTTTCTGTTACTAATTTTTGTGCTCCAAA  
TTATGGGTTCCCTTCTGATGCTGGTGGAAAATGTAATACTCCAAATAAGCACTTIG  
TGCTGCCCATGAATCTTTTGAAAAGATTGCCATTTGGAAGGCTGCTAATATGCCT  
GTTCAGTACAGAAGGATTAAGTGCAGAAAGGAAGGAGGGATTTCGGTTTACAATC  
TCTGGGTCCGGTATCTTCCTTTCTGTGCTGATCAGCAATGTTGCAGGTGCTGGAGA  
CGTAACTTCAGTGAGGATTAAGGTTCAAAAACGGGTTGGCTTGATATGGGTAGG  
AACTGGGGCCAAAACCTGGCATGTTAATGCTAATTTACAGAATCAAGCTCTCTCAT  
TTGAGGTCACCAGTAGTGATAAGATGACTGTTCTTTCTTACACCGTTGCTCCCAA  
GATTGGAGATTTGGACAAACCTTTGAAGGCAAGCAATTTGAGACTTGA

### Nucleotide

>PdEXPA-27

AAATCCTTCTCTTTCATATTCTCCCATAAAAAAGACAACAAGATGCCACCGCCAT  
TACTTCAAGGCCCTATTCACACTCTCCTGAAACCTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCA  
CTCTCCCCCCCACCACCACCTCCCACACCTCTTCCACCACCACCCCTCCACCTCTG  
TCCACTTACCTATCCCAATGGCAACCCGCACGCGCTACTTACTACGCAGCATCCG  
ATCCCCGGGACACAGTAGGAGGCGCGTGTGGATATGGGGACTTGGTTAAAGCGG

GATATGGAATGGCAACTGTAGCATTGAGTGAATCAATGTTTCGAACGTGGACAGAT  
CTGTGGCGCGTGTTTTGAAATCAAATGTGTTGATGATTTGAGGTGGTGTATTCCTG  
GGACTTCTATTATTGTTTCTGTTACTAATTTTTGTGCTCCAAATTATGGGTCCCTT  
CTGATGCTGGTGGAAAATGTAATACTCCAAATAAGCACTTTGTGCTGCCATTGA  
ATCTTTTGAAAAGATTGCCATTTGGAAGGCTGCTAATATGCCTGTTTCAGTACAGA  
AGGTAAAATCCTGAAAAACCTTTTGGATTTTGTGTTTGTGTAAGTTGAGGTTAAGG  
TTTCATCCTAGCATAGTTAGGCATGCAGTTTGGAACACATTTAGTGCTTTAAAAGT  
TTGAGTTACGCGAGAGAGGATTTTTTGTGTTTTTTGAAGAAATTTTGATGATTTGCT  
TGCCTAATCCTTCAAGATTAGAAATTTGAGTGTCTAGTTTGTAGTTTCAATGA  
CTTTGTCTGCTTTTACTTCTTTCTTTCTTGCTAACATGCGTTTAGCCATTGAAAGGA  
AGAGTGCCAATGGGCTAGATTTAGCAATCCATGTTAATTGGTTTGTCTTTGTTGG  
TCTATTTCTTCTTTCAAAATTTGTTTCTTTCAGCCTCGGTTCCCTTGAGGATGAACT  
AGACTGACCATTATGAGTTTATTGTATTTAGTTCATTTTTTATAGCTTCCATTGAA  
AGATTAACATTAGAAGTTGTTAATTGTAATTTTAGAAACAAGAAGGTTTCTTGT  
CATAGCAAAAGAAGAACTTGGTGTAACTTAGTACTAAGCAAGTAGACTAGGGA  
TGGACAATCTAAATTTATTGCTTTGTGTGCCCTGATCAGTGCTAATGTGCACCCAG  
TCTCCTGCGAACTTAGTCATGGCATCACTAGTGGGGATTTAATCAAGAGCACCTG  
TTTTGGCTTTGAAAATTCAAAGGGGTTTTTACCCAACACTTTTGGTTAATTACTTG  
ATGGAAGATAAATAAATGCATAATGGGAGACAACCTAATGGCCTTGATCAATCCT  
GCATCAAAATAAGTAAAATTTTCACTAACCATAGTATATGTTTTCTTTTGATATG  
ATACTGACAATTCCTTTGCCAAAACCCCTTTGTAAGTGTCTGAAAGCTTACAGTTA  
ACTGGCATTAACTTAGAAAATATTTCTGTTCTTTTAATTGCTAGAGCAAAAGTAA  
GCTAAGAACACAGCATTATATATACTTGAATTATTCCAGAAATAAGTAGCCTTT  
CGTTTTTTTCTTTTACTGATGGTACCGGATATATATCATTAACTGAAATCTAAA  
TAAAGGTTCTTGAAGTTTGCTATTGTTGTTTTCAAATAATTTTTTTCCCTTATCC  
TTAACTTGGTTGCGTTTGAACAGGATTAAGTGCAGAAAGGAAGGAGGGATTCCGT  
TTACAATCTCTGGGTCCGGTATCTTCCCTTCTGTGCTGATCAGCAATGTTGCAGGT  
GCTGGAGACGTAACTTCAGTGAGGATTAAGGTTCAAAAACGGGTTGGCTTGATA  
TGGGTAGGAACTGGGGCCAAAACCTGGCATGTTAATGCTAATTTACAGAATCAAGC  
TCTCTCATTTGAGGTCACCAGTAGTGATAAGATGACTGTTCTTTCTTACACCGTTG  
CTCCCAAAGATTGGAGATTTGGACAAACCTTTGAAGGCAAGCAATTTGAGACTTG  
ATGTACCGGCAAGAAAATAAAATGATAAATAGATGAGACAATTCTTTTCTTTTTC  
TATTTCTATGTTGTGCTCTCCTGGTTGGGGGTGAAGGTGTATGGAGTGAGGGGT  
ATGTCAATTTTGGTGGAAAGATGCATGAATCAGTGGGTTGTCTATGGTCCAAAGGA  
CATAGTTTGGAGATGATACTACATTGTTGTATGGTGGGTACACTAGACCCGAGAAA  
CTGTGCACTCGTGTATGATCGAAGACGAAGAAGGATGACCCAACCTGGGTTTAAG  
TCTATGTTCTTGGACTTAGTTTCAGAAGATACTATGTTGTTGTAACCTGCAACTTA  
AAACAATGTTAAATGATAAAAGTCTGC