

## IDENTIFICATION

**Species:** *Aquilegia coerulea*

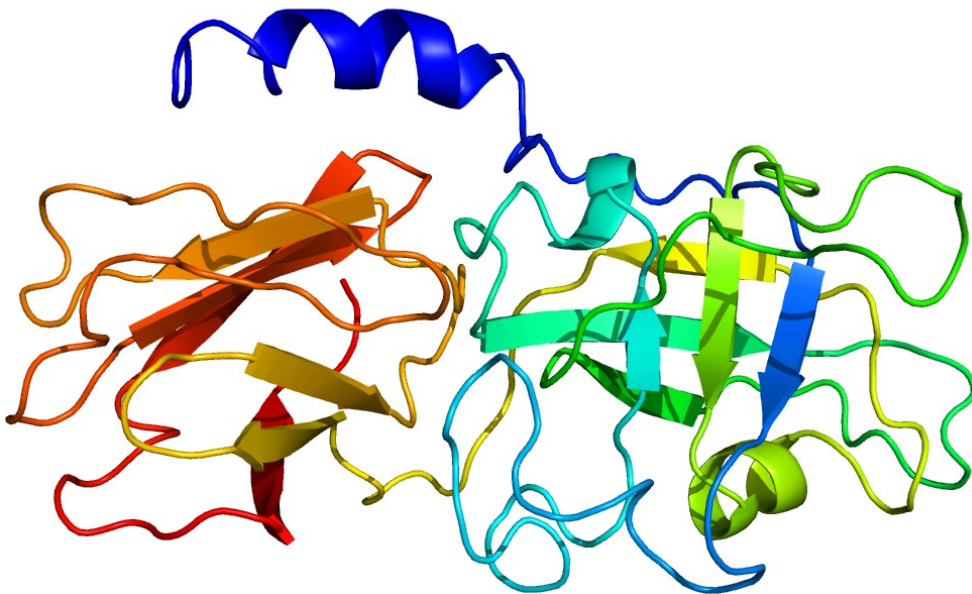
**Locus:** Aqcoe3G343800

**Gene Model:** Aqcoe3G343800.1.p

**Description:** AcEXPA-12

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**

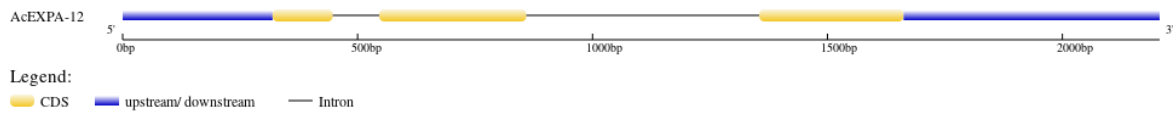


## GENOME DATABASES

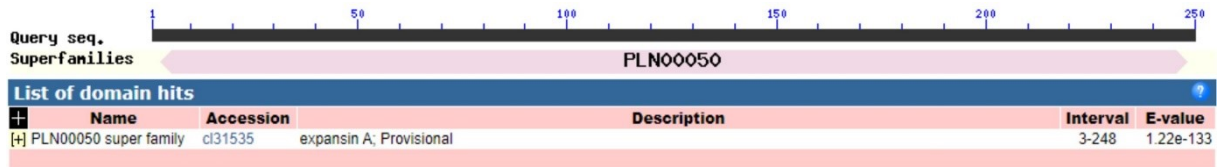
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea\\_v3\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Acoerulea_v3_1)

## EXTERNAL RESOURCES

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AcEXPA-12

MKMALVGFLMVGFLSMVSYVNGYGGWVNAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLY  
SQGYGTNTAALSTAMFNGLACGSCYEIRCVSRRWCLPGSIVVTATNFCPPNNALP  
NNGGWCNPPQHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVAYRRVACHKRGGIRFTINGHSYF  
NLVLITNVGGAGDVHAVFVKGSRTGWQAMSRNWGQNWQSN SYLNGQALSFKVITS  
DRRFVVSYNVAPSGWSFGQTYSGGQFR\*

### CDS (coding sequence)

>AcEXPA-12

ATGAAAATGGCTCTTGTTGGTTTTCTAATGGTGGGTTTTCTTTCAATGGTTTCATA  
TGTTAATGGTTATGGAGGTTGGGTTAATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGGGGT  
GATGCTTCTGGAACAATGGGTGGTGGCTTGTGGTTATGGAAATCTATATAGCCAAG  
GATATGGAACAAATACTGCAGCTTTGAGCACAGCCATGTTTAAACAATGGATTAGC  
ATGTGGGTCTTGCTATGAAATCAGGTGTGTTAGTGACAGAAGATGGTGCTTGCCA  
GGTTCCATTGTGGTCACAGCTACTAATTTCTGCCACCAAACAATGCTCTCCCAA  
TAATAATGGGGGTTGGTGTAACCTCCTCAGCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTG  
TTTTCCAACACATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTACCTGTTGCTTACAGAAG  
GGTGGCTTGCCATAAGAGGGGTGGAATCAGATTCACAATCAATGGTCATTCTAC  
TTCAATTTGGTCCTCATAACCAATGTTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGT  
TGTCAAAGGTTCAAGAACTGGTTGGCAAGCTATGTCCAGAACTGGGGTCAAAA  
CTGGCAAAGCAACTCTTACCTCAATGGTCAGGCTCTTTCCTTCAAGGTCATCACA  
AGTGACAGACGTTTTGTGGTCTCTTACAATGTTGCTCCTTCTGGTTGGTCCTTTGG  
GCAGACTTACAGTGGAGGTCAATTCGTTGA

### Nucleotide

>AcEXPA-12

TAAATCCACTATTCAAGTAAACCTTTATAGTGGTTTTTGTAAACAACAGTTGAAAA  
GTGTCAGTTAGTTGGAAAACCCACACTTGACAACCTTCAACCCCAAATCCC  
TCTATTTATTCTCCTCACCTCCCACTATTTCTCACCACCAACCAATCTTTCTTC  
ACTTCCCTTCAACCCCTTCTGCACTCTTGTTACCTCCATTCAAGCTTCATCATCATG

TAATCATCTTTCCAACCCTCTTTCAGCTTATTGATCGAGTACTTTTTATGTATAGA  
AAATGCTAATGGGGTATTACGTGCTCTTGTTTTGCAGGAAAATGGCTCTTGTTGG  
TTTTCTAATGGTGGGTTTTCTTCAATGGTTTCATATGTTAATGGTTATGGAGGTT  
GGGTTAATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGGGGTGATGCTTCTGGAACAATGGG  
TATGTCTCAAAAGTCAAAACTAAAAATTAACATTTTTTTTTAGTACCAAACCTGC  
ATTTTAGTAAAATTACTTATGTGACAAATTTTTTGTATGTAGGTGGTGCTTGTGG  
TTATGGAAATCTATATAGCCAAGGATATGGAACAAATACTGCAGCTTTGAGCACA  
GCCATGTTTAAACAATGGATTAGCATGTGGGTCTTGCTATGAAATCAGGTGTGTTA  
GTGACAGAAGATGGTGCTTGCCAGGTCCATTGTGGTCACAGCTACTAATTTCTG  
CCCACCAAACAATGCTCTCCCAAATAATAATGGGGGTTGGTGTAAACCCTCCTCAG  
CACCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTTTTCCAACACATTGCTCAATACAAAGCTGG  
AATTGTACCTGTTGCTTACAGAAGGTATATTGTTTCTCTGAGAATTCTTTGTTTGT  
GCATTTTTACTTTTGAATTTCAAATCAATTTCCAAGTGTGAACTACAGAAGTACTAGT  
GTTCTTTTGGACTTTTTGGCCATTTCCCATGAAAAGTCTGTTTTGCCCTCAGTAAA  
TTCTAGGGTTGATGCTGTGATAGGAATAATTTACCAAGACTGCCCTCCATTTTTTA  
AGACCTACCCTTTTTCTGCAGTCTCTTATTGCCTGGCTGAACTTTTCTTATTAT  
TTTTGTGTGATATTTCTGAAATTTATTTTGAAGTGGGCCACAAAATATTTTTTTAT  
TTTCATTTAGTATCATCTTTCATCAAATAGTTTTGACTTAAGAGAGAGAGAGAGAT  
GTGGGAGAATCTTATCTGCTTTCATTCTGTTTCTCTTGTTTTCAGTTAGGATATGG  
GATCAAATTATTTTGAATCTTTAACTTTATGTACCACTGCTGAGCCTAATCTATAA  
CCATCTTTTTATAGGGTGGCTTGCCATAAGAGGGGTGGAATCAGATTCACAATCA  
ATGGTCATTCTACTTCAATTTGGTCCTCATAACCAATGTTGGTGGTGCTGGTGAT  
GTTCATGCTGTGTTTGTCAAAGGTTCAAGAAGTGGTTGGCAAGCTATGTCCAGAA  
ACTGGGGTCAAACTGGCAAAGCAACTCTTACCTCAATGGTCAGGCTCTTTCCTT  
CAAGGTCATCACAAGTGACAGACGTTTTGTGGTCTCTTACAATGTTGCTCCTTCTG  
GTTGGTCTTTGGGCAGACTTACAGTGGAGGTCAATTTTCGTTGAAAAATTTACCA  
TACCCATCAAGCTAAATATAGCAGAAATCCTCTATATTTAGCTCTAGCTTTGACTA  
GTTGATGGATATATATAACAAGTACAAGATCAAGTAGTTTGATAGATAATGGGAGT  
TTAATTAGGGTGGTAGTTATAGTAAATATTGTGTCCATGTTGGGTTACAACATGA  
GAAGGACTTATTTTAAAATAGTCCTTCATTCAATGCCCTTTAATTTGAATATGTTG  
TTGTTTATTGCTATTGGTTTAGTCTTCATCTTGAAGACTTAAATATTAAGTGTGTG  
GGGAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGTACTGTGTTTGTCTGTTTAAAG  
ACAGAAGTTGCAGTGGTGGACTTTTACCACCCGCCTAGTAGTACTACTAGTTTTTA  
TGTTTTGTTTTTTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTCTTTTTGCTCAATCTGT  
TCTTTAGATTCTGATTGAGCTTTGATAGAGTGTAATTGTACAACCTCAATTTCACT  
AGTAATGAAATGGAATTATGTTCTTGGTGT