

## IDENTIFICATION

**Species:** *Anacardium occidentale*

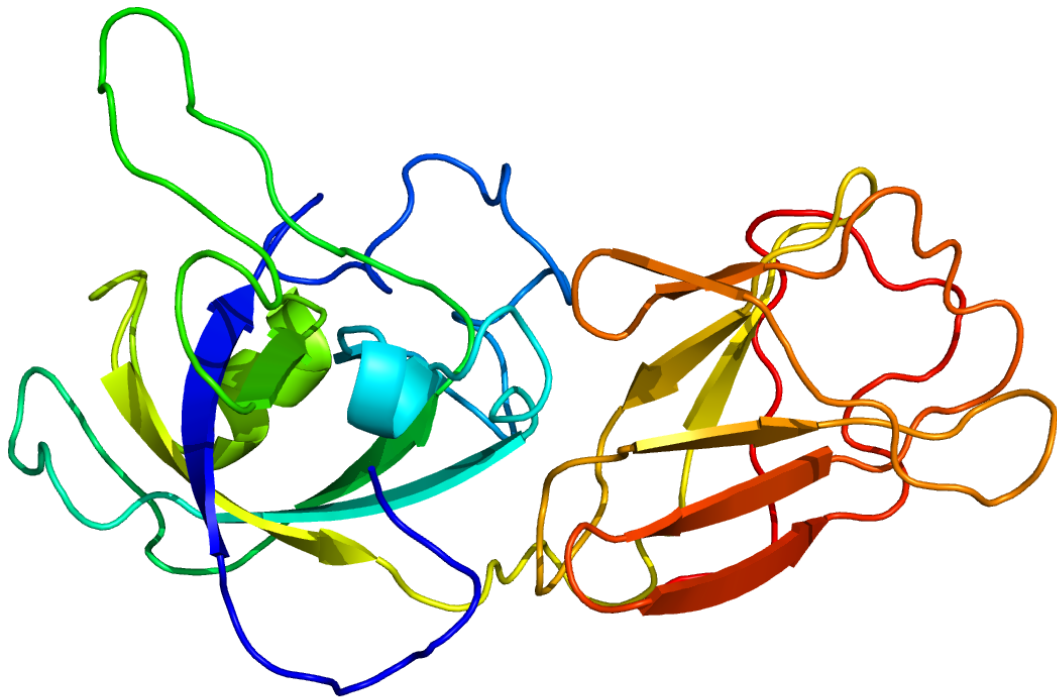
**Locus:** Anaoc.0009s0069

**Gene Model:** Anaoc.0009s0069.1.p

**Description:** AocEXPA-16

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

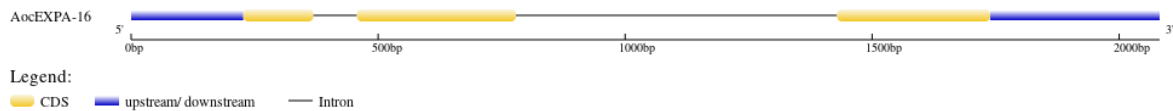
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale\\_v0\\_9](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale_v0_9)

KEGG:-

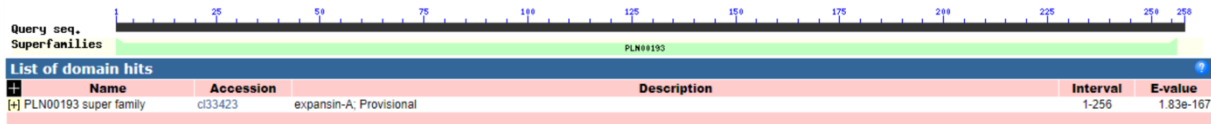
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AocEXPA-16

MAKPLSLFAVILIQMTCFSIYANAYTAGTWNNGHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL  
YSTGYGTRTAALSTALFNDGASCGEFCRIICDYKSDPTWCVKGTSITITATNFCPPNYA  
LPSNNGGWCNPPQLQHFDMAQPAWEKIGIYKGGIIPVLFQRVPCKRHGGVRFINGRD  
YFELVLISNVGGAGAVQSAYIKGSNTGWMAMSRNWGANWQSNAYLNGQSLSFKVT  
TTDGETLVFTDIVPSNWAFGQTFSSSVQFS\*

### CDS (coding sequence)

>AocEXPA-16

ATGGCGAAACCCTTGTCTTTATTTGCAGTTATCTTGATTCAGATGACCTGTTTTTCT  
ATCTATGCCAACGCCTATACTGCTGGTACTTGAATAACGGCCATGCCACTTTCTA  
TGGAGGCAGCGATGCCTCTGGAACAATGGGAGGAGCTTGCGGGTATGGTAACTT  
GTATTCCACTGGCTATGGAAGTAAAGGAACTTCTATCACCATTACTGCGACAACTTTTGCCCT  
CCTAATTATGCTCTCCCAAGCAACAATGGGGGATGGTGCAATCCTCCTCTCCAGC  
ATTTTCGATATGGCTCAACCAGCATGGGAAAAAATTGGTATTTATAAAGGTGGAAT  
CATTCTGTTCTGTTTCAGAGGGTTCATGCAAGAGGCACGGTGGAGTAAGATTC  
ACCATTAACGGGAGAGACTATTTTGAGCTCGTTTTGATCAGCAACGTGGGTGGGG  
CTGGTGCCGTTCACTCTGCATATATCAAAGGTTCCAACACCGGCTGGATGGCCAT  
GTCCAGGAATTGGGGAGCCAATTGGCAGTCAAATGCGTACCTCAATGGCCAATCT  
CTATCGTTCAAAGTCACCACAACCGACGGCGAACTCTTGTATTCACAGACATTG  
TGCCATCGAACTGGGCATTTGGGCAGACCTTCTCAAGCAGTGTACAATTCTCATA  
G

### Nucleotide

>AocEXPA-16

TTGTATTGGGGAAATGCATGTGGGTGGCAAGGCAAGAGTGAGAGAACGTGGGAA  
TCATTGAATGAGTTTCAGATTTCTTCAGTTTTGCAGAAATCACATGTGAGATTGTT  
GCCATTAGAGAGTCGGTCACTTATTTAAAGAAGCAGTTTTCTTAAGCTTGCAACCG  
CCAATAAACGTAACTCATCTCCAATCCTCATCCTCCATCTTCCTCATTGGAAGAG  
TAAAAAATGGCGAAACCCTTGTCTTTATTTGCAGTTATCTTGATTCAGATGACCTG

TTTTTCTATCTATGCCAACGCCTATACTGCTGGTACTTGGAATAACGGCCATGCCA  
CTTTCTATGGAGGCAGCGATGCCTCTGGAACAATGGGTATGTATACATGTAATGT  
AATGTAATTCTTCATCTTCTGTATATATACACAATAAAAATGATATTTGCTTGGTG  
GCCTGGCTCACAGGAGGAGCTTGCGGGTATGGTAACTTGTATTCCACTGGCTATG  
GAACTAGAACTGCCGCTTTAAGCACTGCGTGTGTTCAATGATGGAGCGTCATGTGG  
GGAATGTTTCAGGATCATTGTGATTATAAATCAGACCCCACTTGGTGTGTTAAA  
GGAATTCTATCACCATTACTGCGACAACTTTTGGCCTCCTAATTATGCTCTCCC  
AAGCAACAATGGGGGATGGTGAATCCTCCTCTCCAGCATTTTCGATATGGCTCAA  
CCAGCATGGGAAAAAATTGGTATTTATAAAGGTGGAATCATTCTGTCTGTTTC  
AGAGGTACCATTTTTTTTAAACTCTCCTTTTACTGCTTAAGTCATTTGTATGTCTGC  
GTTCTTTGTTAAGCATCTTTAAGCGAATAATTTCCAACACTGACCTATTAACCCT  
ACATAACACGAAACAAAAAATCTGATGACAGCTTAATTTACTTTTTAACACAAAA  
TTTAGTTTAGTTCAATTTGGTACGATTATTCAAACTAATCAGAATTGATTTGAGTA  
TTTAAAAAATATTATTGCAATAGAATTTGCAGGTTTAATAATAACACAAATAGT  
TACCTATTGTTCTCTATGCAGTAACTTTTTTAATTATTCATGATCGTTTTCAAATTT  
TATTTTATTTTTGGTAGTAAAAATGAGATTTAATTATTATAATTGTTGATTTGTTTT  
AAAGAATTTGGATATGCCATTTTCTAGGTCATTTATAATTAAGATAAAAATATTGTG  
TTGTGGTTTTTAGTAGTTGATTGAAGTAATTTGATGAATAAATTGCAAGGACTATT  
TGGTCAATTCGATTTGTATTAGGCTAACTTGAACATAATTCAATTCGGATTAATTA  
GAGTGAAAAGATTTTAATATGTTTTTAGCTCGAATCACGTCACCATCCAATAATA  
CTTGCTGCCAGGATTCAAAGTCTCGGTGTTTTACGCAGGGTTCCATGCAAGAGGC  
ACGGTGGAGTAAGATTCACCATTAACGGGAGAGACTATTTTGAGCTCGTTTTGAT  
CAGCAACGTGGGTGGGGCTGGTGCCGTTCAAGTCTGCATATATCAAAGGTTCCAAC  
ACCGGCTGGATGGCCATGTCCAGGAATTGGGGAGCCAATTGGCAGTCAAATGCG  
TACCTCAATGGCCAATCTCTATCGTTCAAAGTCACCACAACCGACGGCGAAACTC  
TTGTATTCACAGACATTGTGCCATCGAACTGGGCATTTGGGCAGACCTTCTCAAG  
CAGTGTACAATTCTCATAGGTGGCTTCTAGTTCAAGGATACTGTGGATCGAAATT  
GGCAGAGGCGTGCTTGTTATTTCAATTGAAGCAGCCCGCCACGATTTTCTAGGGAT  
TTGAAGGAATCCCTGAACTCAAGGCAACCATAGCTCTGCAATTGCTTCGTCTCTCC  
GTGAAATTTGCAGTGATTTATGGATGCTCATGTTACAAATTCAGACATCATGTGTT  
AAATAGTAGGCTTGGCGTACAATAATAAATAAGAAGCTCAAGCTTCCACACACGT  
AATTTTTTTTTGTTTTACAATTTATATGCTTGTAATATCATCTGTTTTTCACATAAATT  
GTTGTATCATTCAAATAAAAATAAAGTGGT