

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

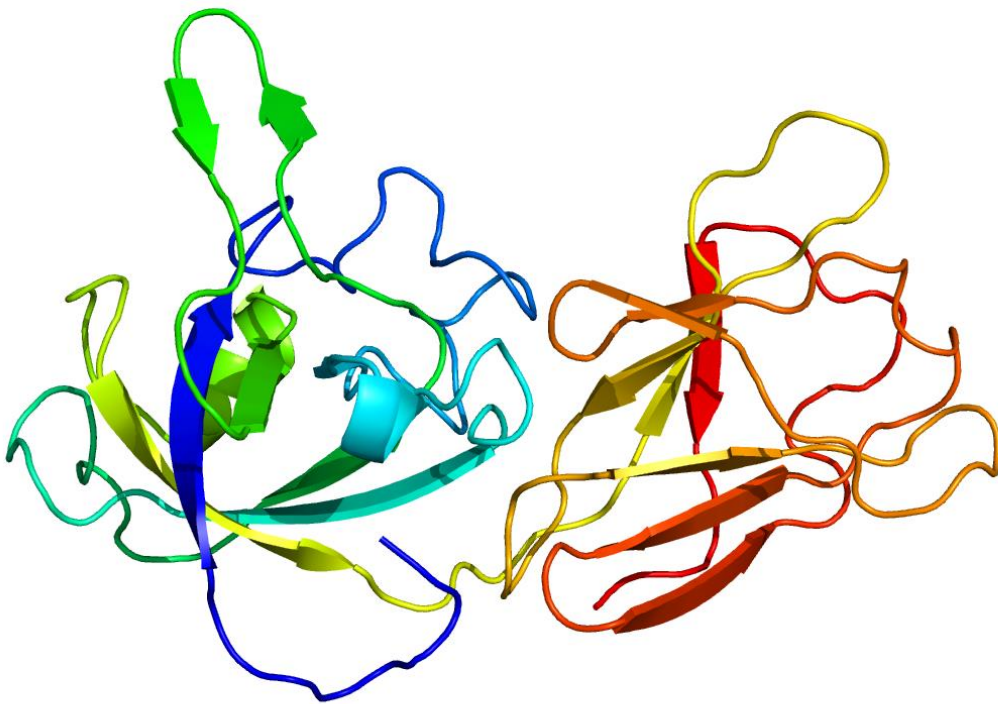
Locus: XP_015069340

Gene Model: XP_015069340.1

Description: SpnEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

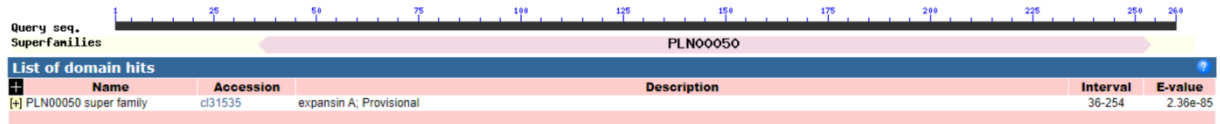
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-08

MAKHQSFFIFFITFVVIFLVETYESKMVEENLAAQGWINARATFYGDNNGGGTMQGA
CGYGDLFKQGYGLETAALSTALFNKGSTCGACFQIMCVNGPNNACHSGQVITVTAT
NLCPPDSKKTSSQSWCNPPQQHFDLTPMFTKIAEYKAGVVPVVYRRVTCQKKGGLK
FDIKGNSNLIIVLVFNVGGVGDVVNVKIKGSKTGWVPMKRNWQNWQTPVQLGGQ
SLSFQVQTS DGKLVQSDNVAPANWQFGQTFEAKNNF

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-08

CAAATCAACTAGTGAGTTGAACTAATGCAGAGAAAAATTGTTTTTGTCTAAAAT
GGCAAACACCAAAGTTTTTTCATTTTTTTTATTACATTTGTTGTTATTTTTTTAGT
AGAAACATATGAAAGTAAAATGGTTGAAGAAAATTTGGCTGCCAAGGATGGAT
AAATGCTCGTGCTACATTTTATGGTGACAATAACGGTGGTGGAACTATGCAGGGA
GCTTGTGGTTATGGAGACTTGTTTAAGCAAGGGTATGGCCTTGAACTGCGGCAC
TAAGCACAGCACTGTTTAACAAAGGATCTACCTGTGGAGCTTGCTTTCAAATAAT
GTGTGTGAATGGTCCTAATAATGCATGCCATTCAGGCCAAGTCATAACTGTA
GCCACCAATTTATGCCCTCCAGATTCAAAAAAACTAGTCAAAGTTGGTGCAATC
CTCCACAACAACACTTTGATCTTACAATGCCTATGTTTACAAAGATTGCAGAGTA
CAAAGCAGGGGTTGTACCAGTCGTTTATAGAAGAGTTACTTGCCAGAAAAAAGG
AGGTCTTAAGTTCGACATCAAAGGAATTCAAATTTGATTATTGTTCTTGTTTTCA
ACGTGGGAGGTGTTGGAGATGTTGTTAATGTTAAGATCAAAGGATCTAAGACGG
GATGGGTGCCAATGAAGCGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGACTCCTGTGCAGT
TGGGAGGACAAAGCTTGCTTTTTCAAGTACAACTAGCGATGGCAAATTGGTTCA
ATCTGATAATGTTGCTCCTGCTAACTGGCAATTTGGTCAGACATTTGAAGCAAAG
ATAATTTTTAGGGATTATGTATTTTCGAAAATCAGTAATTTTAAATCACTCTAGT
TTATGATCTATTCTTTTTTTATTTTTTATTTTTAGATATTTAATAAGCAATTATAAG
TTATGATGTTTTGGTTTACTTCTCTACAAATAATCTGATTATGTTAAATTCACAA
TTAATTACATT

Nucleotide

>SpnEXPA-08

AGCATTCAAATAAATTTGTTACAAATGTTAATATCTTTGTTACGAAAATATCAGG
AATTTGTTTATATTAGATCGGAGGGTGTACAAAAGAAAAATAACTTACGCATGGT
TTCGTTACCACTCATGTCACCATAAAATGTAGCACGGGCATTATTCCATCCCTGTT
CATCCAAATTTCTTTCTACCTCTTTACTTTCAAACGCTTCAACCAAAAAATAACA
GTAAATGTGATAAACAAAATGAAAAAAATTTGGTGTTTAGCCATTTTAGCTTAAA
ACTATTTTTTCTCTAAACTAGTTTTTAACCTCTCTTGGTAATTTGCTTTGAATAATAC
TTTTGCTATGGACATACTACTTATATGGCCAAAATATTCCTGTGTGATAAATTT
CAGTTTCAGTTCTTTGCTAAAATTAATTGCTTCATTTGACTACTGGTTTAATGTGA
AAAGTAGGATAAATGGAAATTTAGTGGTGTGTTACTCTATAGTCTTGGGTCTTTAA
TGTAATTAATTGTGAATTTAACATAATCAGATTATTTGTAGAGGAAGTAAACCAA
AACATCATAACTTATAATTGCTTATTAATATCTAAAAATAAAAAATAAAAAAAG
AATAGATCATAAACTAGAGTGATTAATAAATTACTGATTTTCGAAAATACATAATC
CTAAAAATTTCTTTGCTTCAAATGTCTGACCAAATTTGCCAGTTAGCAGGAGC
AACATTATCAGATTGAACCAATTTGCCATCGCTAGTTTGTACTTGAAAAGACAAG
CTTTGTCCTCCCAACTGCACAGGAGTCTGCCAATTTTGTCCCAATTCCGCTTCAT
TGGCACCCATCCCGTCTTAGATCCTTTGATCTTAACATTAACAACATCTCCAACAC
CTCCCACGTTGAAAACAAGAACAATAATCAAATTTGAATTCCCTTTGATGTCGAA
CTTAAGACCTCCTTTTTTCTGGCAAGTAACTCTTCTATAAACGACTGGTACAACCC
CTGCTTTGTAAGTCTGCAATCTTTGTAAACATAGGCATTGTAAGATCAAAGTGTGT
TGTGGAGGATTGCACCAACTTTGACTAGTTTTTTTTTGAATCTGGAGGGCATAAATT
GGTGGCAGTTACAGTTATGACTTGGCCTGAATGGCATGCATTATTAGGACCATT
ACACACATTATTTGAAAGCAAGCTCCACAGGTAGATCCTTTGTTAAACAGTGCTG
TGCTTAGTGCCGAGTTTCAAGGCCATACCCTTGCTTAAACAAGTCTCCATAACC
ACAAGCTCCCTCTGCAATATAGTAATAAAAAAAAAAAAAAATTGTTACAAATGTTAA
TGTTTATGTTATGAAAATCATCATCAACAGTAATCTATCTAAAGAAATTTTACA
AGTGAGGTTTGGAAAGAATAGAGTATACGCAGACCATACTTTTATCTCATGGACA
ATGGCGTAGCCACATGGTGTCTAATTGGTCACTGTTTCGTCGGAAAATTACATCGT
GTATATATATGTCAAACCTCTTCATTTAAAGGATATATATTTAAATTTGGACGACCT
TGACAAAAGTAATGCTACCTTTGCGCAGTGGTTTTTTAGTGTCCATTTAAATAATGG
AGTTATGGGTTTGAACACTAGATATCACAATATTTTTTTTTTATTTCCGTTTATTTTGA
TAGTCACACTTTATTATTCTTGGACACACTTACTCTAACACTGTTTATAAAGATAG
AAAGATTGTGTTAAATGGCCCTAGGCTCACGCGTTATGAAAATATATATATTAG
GCTTTAAATCTATTTTCATCTTGAATCATTATAAAGAAGTACGAGAAATTTATTTA
TATGAAAGTTAAGGGTGTTCAAAAGAAAAAGAAAAAGAACAACCTAAATGAAAAT
AAAATAATTTTCATTTTGTAGTACGCGAAATGTGATGGGAAATTAATTCAATTAT
GGCCTATATGTTTGTACATGAGATATTGTGTTGTAACATATCTTAATATAATGTT
GTGGCAAATAACTTTAATCGAATATCAATCTTAATAGTTTTTCAAATAAAAA
TTTATAGCTTTGTCAATATTTTAAACATCACGTAACTGTCTCAACAATATAAGTAA
AAAATTAAGATACAAATATATCTTACGCATAGTAAAAAATTAAGATACAAATATA
TCTTACGCATAGTAAAAAATTAAGATACAAGTATATCTTACGCATAGTTCCACCA
CCGTTATTGTCACCATAAAATGTAGCACGAGCATTATCCATCCTTGGGCAGCCA
AATTTTCTTCAACCATTTTACTTTTCATATGTTTCTACTAAAAAATAACAACAAAT
GTAATAAAAAAAATGAAAAAACTTTGGTGTTTTGGCATTTTAGCTAAAAACAATT
TTTCTCTGCATTAGTTTCAACTCACTAGTTGATTTGTTTAGGATAATAGCTTTGTTG
TGGACATACAATTTATAGTCATATGGTAAATTGGATTCAAAGGAGTTAATATTTT
GAAATTGAATTAATTAATTGTGATTCTTCCCAATTAATTAGTATTTGCATTTAAG
TGCTAATATAGGAGTTGTGAGGAAACAAATCTGCATCAGTTTAATTTTGTCTAAA
GAATTGGAGGGTTAATTGCTTCATTAAGTAGTAGTTTACTGAGAAAAGTAGGATA
AGAAGAAATTTAGTGATTTGTTACCGTAAAGTCTTGGGTATTTAGTGTAATTAAT
AGAGATGTTTATTACTAACTAAATAAAATAAAATAAAGAGAGAGAGAGCGCACC

ATAATGTATAATTGCATAGTGAATATAGTTTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAACTT
AAAATTCATTTGACTTCCATATAATAAAATGGAAGGCAAAAAGAGTTGTCTTAA
TATTATCAAAGTTAAAAGTTAAAATAGGTGTTTCCTA