

IDENTIFICATION

Species: *Citrus clementina*

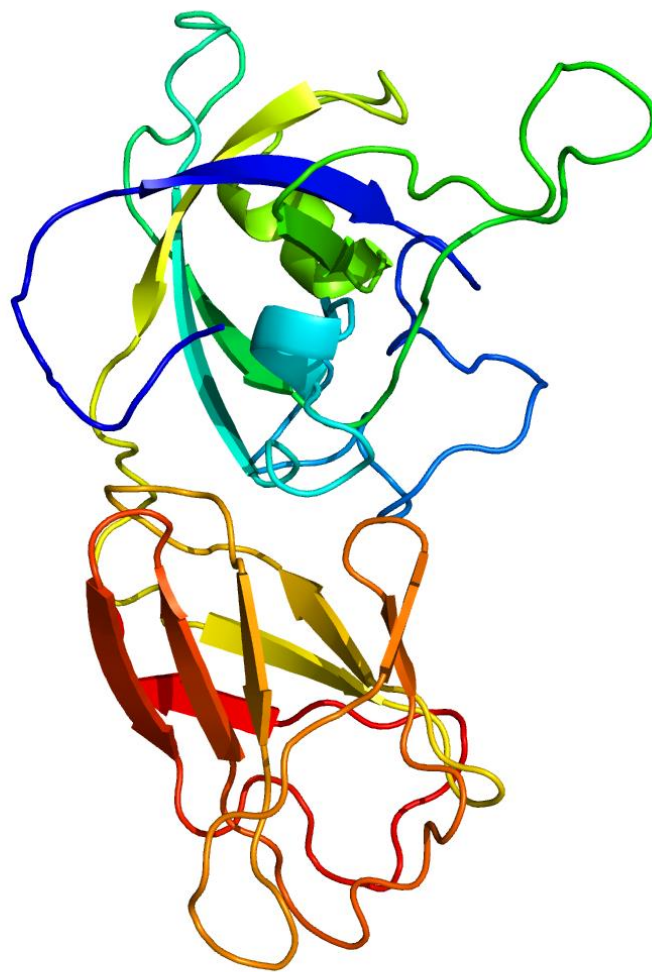
Locus: Ciclev10032545

Gene Model: Ciclev10032545m

Description: CclEXPA-10

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

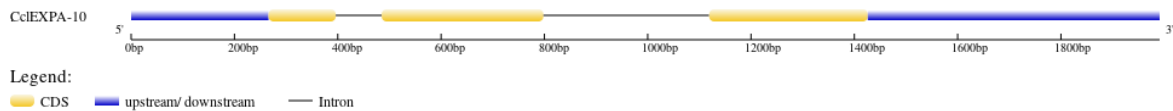
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cclementina_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02982>

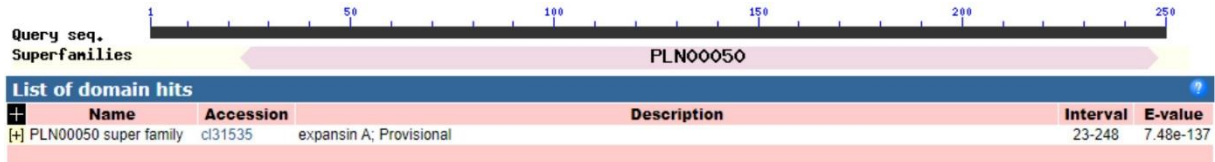
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/clementina>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CclEXPA-10

MYFAGFFSLGFLALVSSVHANGGGGWINARATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIKCVNDPKWCLPGTIMVTATNFCPPNNALPNN
AGGWCNPPQQHFDLSQPVFQHIAQYRAGVVPVAYRRVPCGRRGGIRFTINGHSYFNL
VLITNVGGAGDVHAVSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSN TYLNGQSLSFVTTSDG
RTVTSYNVAPAGWSFGR TYSGAQR*

CDS (coding sequence)

>CclEXPA-10

ATGTATTTTGCTGGGTTTTCTCGTTGGGTTTCCTTGCATTGGTGTCCCTCCGTTTCAT
GCTAATGGAGGCGGTGGGTGGATTAATGCTCGTGCCACTTTCTATGGTGGTGGCG
ATGCTTCAGGACTATGGGTGGGGCTTGTGGCTATGGGAATCTGTATAGCCAGGG
TTATGGAACGAACACTGCAGCCTTGAGCACGGCTTTGTTCAACAACGGTTTGAGC
TGTGGGTCTTGCTATGAGATTAAGTGTGTTAATGACCCCAAATGGTGCTTGCCCG
GCACCATTATGGTCACAGCTACCAATTTTTGCCACCGAACAACGCCCTTCCCAA
CAATGCAGGCGGTTGGTGCAATCCTCCGCAGCAACATTTTGATCTCTCTCAGCCT
GTGTTCCAACACATTGCTCAATACAGAGCTGGAGTTGTCCCTGTAGCTTACAGGA
GGGTACCCTGCGGAAGAAGGGGAGGCATCAGGTTTACAATCAATGGCCATTCT
ACTTCAACCTAGTGTTGATCACCAACGTTGGTGGTGTGCTGGTGTGTTTCATGCTGTT
TCAATCAAAGGATCTAGA ACTGGCTGGCAGCCAATGTCAAGAACTGGGGCCAA
AACTGGCAAAGCAACACTTATCTCAATGGCCAAAGCCTGTCATTTGAGGTCACCA
CAAGCGATGGCCGTA CTGTGACTTCTACAATGTTGCCCTGCTGGCTGGTCCTTT
GGCCGA ACTTACTCCGGTGCTCAATTCCGCTAG

Nucleotide

>CclEXPA-10

GGTGAGCTCTTTTAACCGTCCCGAGCCCAAAAATTTCTATAAATCCCCCCCCCCC
GCCCCCTATTTTCTCACTCAACTGCCTCGCATTTCCTCTCTCTTTCTCTACTC
TGCTTCTGGGCTTCCAATTTCTCCAAGTAATTAATCATCTTTCCCTTGTTGTGACATT
TCTTTTTATGTTAAATGAAAGTACACTTTTGAAGTTGCAATGTCATAAAATGCTTA
AGGGTTAATCTTTTTCTTTTTAAAAAATTAATTCAGGAAAATGTATTTTGCTGGGT

TTTTCTCGTTGGGTTTCCTTGCATTGGTGTCTCCGTTTCATGCTAATGGAGGCGGT
GGGTGGATTAATGCTCGTGCCACTTCTATGGTGGTGGCGATGCTTCAGGGACTA
TGGGTGAGTGTTAATGCTGATGTTGTTTCGTTCAAAGCTTGTACATTTTGTGATTT
TGGCTATAAACTAAATTTATTAATTAATGTTGCAGGTGGGGCTTGTGGCTATGG
GAATCTGTATAGCCAGGGTTATGGAACGAACACTGCAGCCTTGAGCACGGCTTTG
TTCAACAACGGTTTGAGCTGTGGGTCTTGCTATGAGATTAAGTGTGTTAATGACC
CCAAATGGTGCTTGCCCGGCACCATTATGGTCACAGCTACCAATTTTGGCCACC
GAACAACGCCCTTCCCAACAATGCAGGGCGGTTGGTGCAATCCTCCGCAGCAACAT
TTGATCTCTCTCAGCCTGTGTTCCAACACATTGCTCAATACAGAGCTGGAGTTGT
CCCTGTAGCTTACAGGAGGTATGCTCTCTTGGTTTTAAGCTCAACAAGTGGTAATT
AATGTTTCGTTAACTAGAGATTA AAAACCATACTCTTAATATTGTCGCCCACTTTCTA
TTGCTCTAGTCTAGTGGCCCAATGCTTTTATTGATTGTGATTTGTGGTCTAGCCCA
AGATTTTTACTTTATTTCCCATTAATTTATTCATGGTGTATTTTTTTCCACAAAAA
GGAAAAAGAAAAAGAATTAGCTGTAAC TTTTTTTTCTTTGTTGGACCATTTGACA
GTAACAAGAAAGTGACATTATTAATTATTGTTATTTTGTGGGGGGGTGTTTTTGT
AGGGTACCCTGCGGAAGAAGGGGAGGCATCAGGTTCA CAATCAATGGCCATTCC
TACTTCAACCTAGTGTGATCACCAACGTTGGTGGTGTGCTGGTGTGATGTTTCATGCTGT
TTCAATCAAAGGATCTAGAACTGGCTGGCAGCCAATGTCAAGAAACTGGGGCCA
AAACTGGCAAAGCAACACTTATCTCAATGGCCAAAGCCTGTCATTTGAGGTCACC
ACAAGCGATGGCCGTA CTGTGACTTCCTACAATGTTGCCCTGCTGGCTGGTCCTT
TGGCCGA ACTTACTCCGGTGCTCAATTCCGCTAGAGCCACCAAGACCATTAGAGA
TTGGGTTTTAACACCTTTTTTAGCTATATATTCGTGTACTAAGTAGTATATTTTAGT
ATGAAATTTTAGCATACTAGGGTATATATATATATTATATATAATATAGAAGTAG
CTATGTGGCTAGTTTTTGGCTTCCAGGGTCAAAAATGAAAAAAAAGGGCTTATTT
TAAATGGCTTATTTTTTTCATTTTCAATTGATTTTTATGGTTGCGTGGGGTGTCTA
ATTATGGGATCCTCTTATTATCTTGGGGATCCTTTTTTTACCTTTCTTTTTGGGGT
TTCTGTTGAAGTGCAACAGATGGCTGAGGTGGAAATTTTTCCACCCGCCATTTGT
GCTTGAGATAGCTGCTTCTTTTTTTGATGCTTCTTGAATTGCTTGCCAGAAAGCA
CTTTTTGGCGTGCAAGTTTAATTGTAATCAGCAGATTTGGCTGAGTATTATTATGT
CGTTGGATGTAATGGCTAAATTTGTACGAGATTGGAGGTGTAAATTTCCATTTTCAT
TGTATTAATTAATCAACGGAAGTTGCTACTTTATTAACA