

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

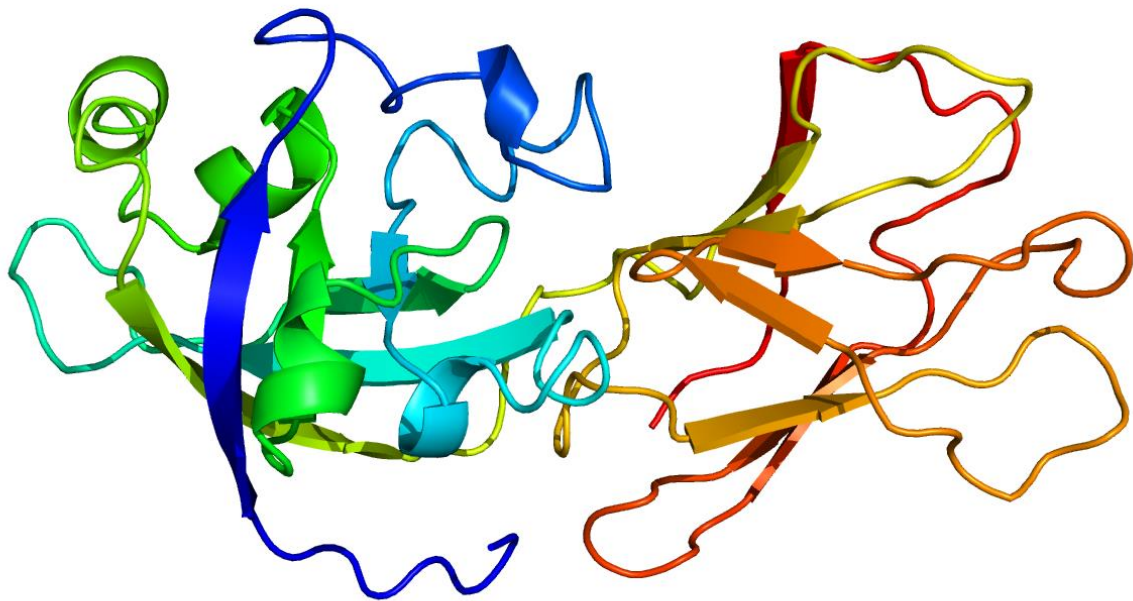
**Locus:** XP\_011076958

**Gene Model:** XP\_011076958.1

**Description:** SinEXPB-05

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

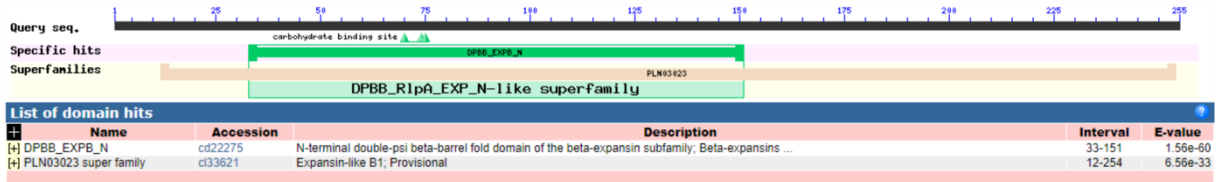
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPB-05

MILAILLILDDCYFCLNIKLASNVSPNNTFNSAVATWYGDRVGS GSGGACGLENDVA  
NPPYYGMISAGNNLKFYKKGCGSCFQVKCTQNAECSGYPITVTITDEC PGACNNDP  
VHFDLSGKAFGYLAKPGQGDALRCKGRINIEYQRVQCYNNNTSIVFKIDRGSNPYYL  
AFALEGVNGDGEIGSMELLPSSSGRPLYMQQVFGATWKADIPIGITGPYSVRITSLQSA  
RTITAYNSIPADWHPGKYIISNVNF

### CDS (coding sequence)

>SinEXPB-05

ATGATTTTAGCTATTCTGTTGATCTTAGACGACTGTTATTTTTGCTTGAATATTAA  
ATTGGCGTCCAATGTTTCTCCTAATAATACTTTCAATTCGGCTGTGGCGACATGGT  
ACGGGGACCGTGTTGGATCTGGAAGTGGAGGAGCATGCGGTTTGGAAAATGATG  
TGGCAAATCCTCCCTACTATGGCATGATTTCTGCAGGAAACAACAATTTATTTAA  
ATACGGAAAGGGTTGTGGGAGTTGTTTTTCAGGTGAAATGCACACAAAATGCAGA  
ATGTTTCAGGATATCCAATTACAGTAACAATCACAGATGAGTGTCTTGGTGCCTGT  
AATAACGATCCCGTCCACTTTGACTTAAGTGGAAAAGCATTTGGATATTTAGCAA  
AGCCTGGGCAAGGTGACGCTTTGCGGTGTAAGGGAAGGATCAACATTGAATATC  
AAAGGGTGAATGCTACTACAACAACAAGTATAGTATTTAAGATCGATAGAG  
GCTCCAACCCGTACTATCTAGCTTTTGCACCTGAAGGTGTCAATGGGGATGGAGA  
GATTGGATCCATGGAGTTATTACCTTCAAGTTCAGGGCGACCGCTATATATGCAG  
CAAGTTTTTGGTGCAACTTGGAAAGCCGATATACCTATTGGAATAACCGGTCCTT  
ATTCTGTGAGGATAACGAGTCTTCAATCCGCAAGAACAATTACAGCATAACAATC  
AATCCGGCTGATTGGCATCCAGGGAAATACTATATTTTGAACGTTAACTTCTAA

### Nucleotide

>SinEXPB-05

TTGCCTGTCTAGAAAATATAGTATCTTGGTAAGTAGCAACATATATATTTATATAT  
TCTAATAATTATCAAAATGACGAGGATGTACATGCCATTTGATTTTAGTAATTTCA  
AGTCCAAACTGTTTAAATATATCACTCATTTTTCTTACTTTCCAACAACATAAACT  
AATCAAAGATATAGTAGGCTGTTTTAGTTATCTCTAAGAATGCTATAGAATATAG

TCTGAATCCTATATATCCATTTTAATTTATCAAATGCAAGATGAGTTCAGTATGAA  
ATTCTTGAGAAAAAATTGTACAGTTTTAACTTTTTAAATCAGCACAATCTATGGAT  
TGGTGTTGTTGGCATAAGGTAAGTATTGTAGCTTCAACAGTATAAAAAGGGTCTT  
AAGATACCACATAAATCCTCAAACCTTCAACTTGTGTTGTTTGGGTGACTGTAT  
TTCACCTTGAACACCATGTTTACTTATCAAAGCCGTCGTCTATGCTCTATTTTAAT  
GATTTTAGCTATTCTGTTGATCTTAGACGACTGTTATTTTTGCTTGAATATTAAT  
GGCGTCCAATGTTTCTCCTAATAATACTTTCAATTCGGCTGTGGCGACATGGTACG  
GGGACCGTGTTGGATCTGGAAGTGGTAAATTTTGCTAATTTTTCAGCACAACCCA  
TGCAAAAATGCATATGACTAATATACGTATGATATGAAATAAAAATTAATAGAAT  
AGAGATGAAGCGTAATTAATATGATTGTAGAGAATATATATATATATATATAT  
ATCTTATTGCTGCTCATTGAGAATATTTATGTACATCAGGAGGAGCATGCGGTTT  
GGAAAATGATGTGGCAAATCCTCCCTACTATGGCATGATTTCTGCAGGAAACAAC  
AATTTATTTAAATACGGAAAGGGTGTGGGAGTTGTTTTCAGGTACAAAACATTA  
TTCTCAACTACCATTTATATTTGTTGGATAATTTTAACTAGGAACATATATATAT  
ATATATATAAATGA  
CCAGGGATCTCGCTTCCAACGCAAGATTCACCACACTATATATATATATTGGGTGGA  
TAGCAATTTATCCTCCTGTGATATTGAAAATAAACATATTACTCCCCTATGAAAA  
AAATATCGTAATTTATCCCCTATACTTTTTAAAATGAAACAATTTACCTCCTTGTA  
CAGGGAGGTAAATTGCTTCATTTTAAAAATCATAGAAGGGTAAAATTGTTGTATT  
TTAAAACATACAGGAAGGTAAATCGCTATTTATTTTTTCACAAGAGGGTAATTTG  
TTACTTGCGATATCACAAGAATGTTTCTTGTATTTTTCACTATATATATATATAG  
ACTTGATATAGCGTAAGAGATAGATGTATCTTTTTATTGGTCCTACATTTTATCGA  
AGAATTTAATGAAATTTTACTTTTGCAATCAAAGGTCTTATTTACATTTGCTATA  
TCCTCCCAAATGATAAGTATAATGTTGTTTCAAGTGTGTTGACGTGGTAATTCTTAC  
TATTTGGTATTTATACAAATACACATAAGCTTTTATCCTTAACATGAACGACCTAT  
AAGACCTAATATTTGTTTGTGTTGATTGTAAGGTGAAATGCACACAAAATGCAGAA  
TGTTTCAAGGATATCCAATTACAGTAACAATCACAGATGAGTGTCTGCTGGTGCCTGTA  
ATAACGATCCCGTCCACTTTGACTTAAGTGGAAAAGCATTGATATTTAGCAAA  
GCCTGGGCAAGGTGACGCTTTGCGGTGTAAGGGAAGGATCAACATTGAATATCA  
AAGGTAATGATGAAAATGTAGATGAACAATTTAAAATAAAAACCTTTCTTTAAA  
AATATAACAATGACTAATAACAACAGCTTTAGTGTAATTAATGAGTATTCGGTAT  
GGTTTTTCGTATTTAATCATGGTAATTAGCCATAGTGAAACTCGTATATTTCTTCT  
AGTGCGCCAATGCTATATACTATACTAGTTCTAGAAGGGCACAACTTTATATTTT  
TACTAAAATGAGATATGTAATAACAAAAGAAGTACTATCTTAACGACTAATAT  
CATTTCTGCAATTTACAGGGTGCAATGCTACTACAACAACACAAGTATAGTATTT  
AAGATCGATAGAGGCTCCAACCCGTAATCTAGCTTTTGCACCTGAAGGTGTCA  
ATGGGGATGGAGAGATTGGATCCATGGAGTTATTACCTTCAAGTTCAGGGCGACC  
GCTATATATGCAGCAAGTTTTTGGTGAACCTTGGAAGCCGATATACCTATTGGA  
ATAACCGTCTTATTCTGTGAGGATAACGAGTCTTCAATCCGCAAGAACAATTA  
CAGCATACAATTCAATCCGGCTGATTGGCATCCAGGGAAATACTATATTTTCGAA  
CGTTAACTTCTAATGTTAATGGTTATTAGGCGATTGTTTCGAGTCTTAACATAGACT  
TTTCTTGGAAAGAAAATAATACCATTTTCGATACATTGTTCAATAATATGAGCGAAG  
ACTAACGGTTCGTAATAAAAATTTTACTCTACATGAGTAATTTCTACTGCCTATTTTT  
TGTTTTCAAGTTCCTTTTTATTCATTCGTTTTAAGCTACTAGTAGTAACCATGTGCA  
TTGCACGTGATGCTTATTATCGCGATAATACGGTTATACTATTTAAAAGTTTAATT  
AACAAAAAATGCAAAGTATTTTCGTAAATCAACAAATATTACTTTAACTTAATAA  
GTACTTTATAAATGAAAAGATGCCATTACTAAGTTTAATGAATTTAAAGTTTTAA

AATTATTGTAAAAGCTTTCTATTCAATGCAAAATATAAAAAGCTATAGAACTAAAT  
AAGTAATTGTTATGTAACCTTATGGTTCGTTGTTTCATTTGCTTGTTAATTTGCT  
GGCAGGAGAAA