

## IDENTIFICATION

**Species:** *Nicotiana sylvestris*

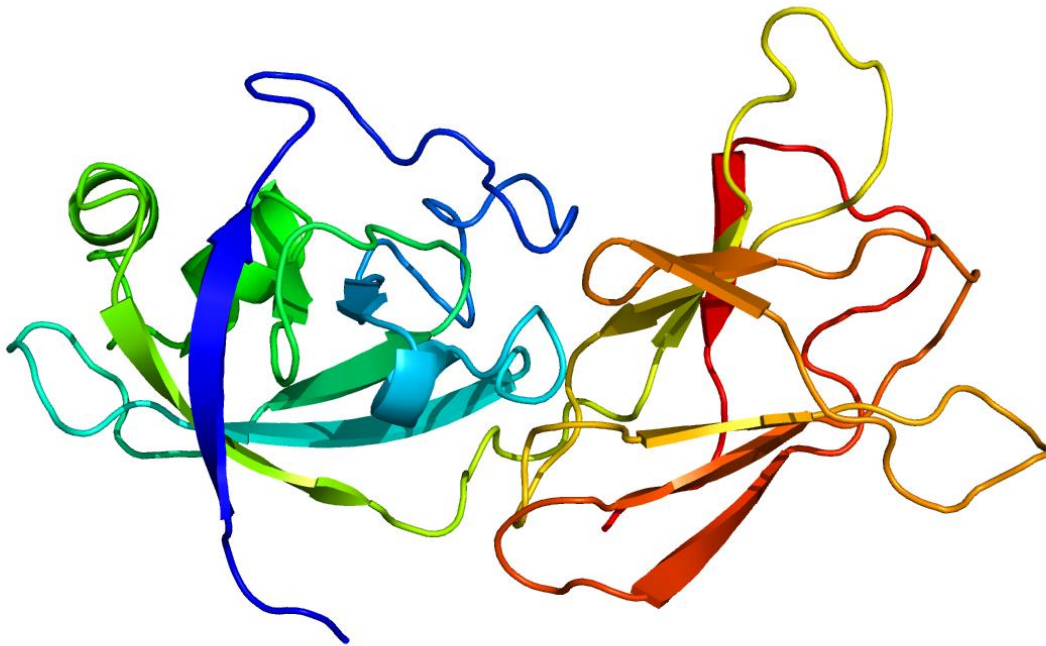
**Locus:** XP\_009797268

**Gene Model:** XP\_009797268.1

**Description:** NsEXLA-01

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

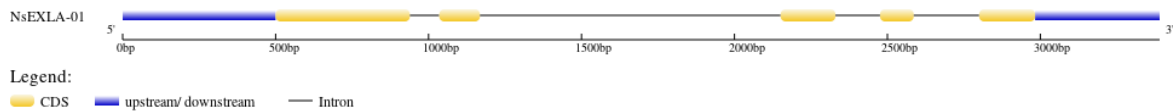
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

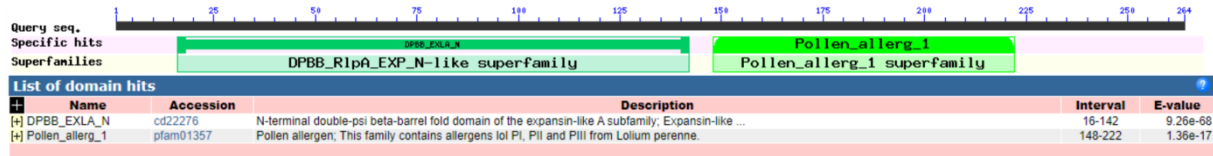
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>NsEXLA-01

MALPIVSCLFFLLMISSATACDRCVHQSKEYAYFSKASALQSGACGYGSSAVGFNGGR  
 LAAAVPSLYKEGARCGACFQIRCKNSKLCSKEGTSVTVTDQNTNNQTDFFVSSRAFS  
 AMANQGKAQDLLKLGIVDVEYKRVPCDFKNKNLAIRVEQSSKRPNYLSITFLYQGGQ  
 TEIVGIDVAQVGSSNWSFMSRNEGAVWDTSRVPGALQFRLVVTAGFDGKWWYAK  
 AVL PANWRNGVIYDTRLQITDIAQEGCSPCDDGTWKRP

### CDS (coding sequence)

>NsEXLA-01

CCCCATTTAGTCAATCAGTTAGTCAGTATATCCTCTCTCTACATTTTCTTGACCAA  
 AGAAATATGGCTCTCCCATAGTTTCTGCTTATTCTTTCTTCTTATGATCTCCTCT  
 GCAACAGCTTGCATCGCTGTGTCCACCAATCAAAGGTTGCTTACTTTTCCAAGG  
 CTCTGCCCCTTCAGTCTGGTGCTTGTGGTTATGGCTCCTCAGCTGTAGGCTTTAAT  
 GGGGGTCGCCTTGCAGCAGCAGTTCCTAGTCTCTACAAAGAGGGAGCTCGTTGTG  
 GTGCTTGTTTTCAGATAAGATGCAAGAATTCAAACTTTGTTCAAAGAAGGCAC  
 AAGTGTGACTGTAAGTATCAGAATACCAACAACCAACAGATTTTGTAGTCAGT  
 AGCAGAGCTTTCAGCGCCATGGCTAATCAAGGCAAAGCTCAAGACCTTCTCAAAC  
 TCGGTATCGTCGATGTTGAGTACAAAAGAGTGCCTTGTGATTTCAAAAACAAGAA  
 TTTGGCTATTCGGGTGGAACAATCAAGCAAAGGCCAAATTATCTATCAATCACC  
 TTCTTGTATCAAGGGGGTCAAAGTAAATCGTTGGTATTGATGTAGCTCAGGTTG  
 GATCATCTAACTGGAGTTTCATGAGCCGAAATGAGGGAGCAGTTTGGGACACAA  
 GCAGAGTACCGAAGGGAGCATTGCAATTTAGGTTGGTGGTGACAGCCGGGTTTG  
 ACGGCAAGTGGTATTGGGCTAAGGCAGTACTACCGGCTAATTGGAGGAATGGGG  
 TGATCTATGACACACGACTTCAGATCACTGACATTGCTCAAGAGGGTTGTTCTCCT  
 TGTGATGATGGAACCTGGAAACGCCCTTAGTTTTTTTTTTTTTTTCGCTTGTCA  
 ATCTGTGTGAATAGACATTAGTTCTCGCGTCCATAGGTGCAAAGAAGATATATAT  
 CTAGATTGATATAATAGGAGTTTCATTTTTATTTTATTTTTGGGTTTTAATAAGTTG  
 CTCATAATATGTATTATAGCTTTCCAAGACATTCACATAATGTTTCAGATA

### Nucleotide

>NsEXLA-01

CTTAGTTGATATTGGCACGGATACTATGTATATGGTAGTACGTGGATTTTCGCCGTG  
CGGAGTGATTTGAAAAATGTGGGCACAAGGTGCCATGTGTGTAAGGTTTGGAAAGT  
TGTGATTTATGATCTGAGATTACGAGAAGTGGTACTTGAGGTA ACTCTTGTTGAA  
ATTTGTGCATTAGGAATAATTTGATTGATTGAGTGCATCGGTTTTCTTACTTGA  
ACATATTCATATTTTCATCTGTACCCCGACCATGTTGTTGCCTAATTACTTGGCTGT  
CACTCGTTGACATTCGTGCTCCCATTAATTTACCCGTTGGTTGTAATTTGAAATCC  
TTCTGCTATTGGCCTTATATTGATGTTCTTTCTTACTAGTTTTATGTTATATCCTG  
CACATGTTTACATGTCTTGTAGGTATTGTGCATGGTGAAGTCTTTGCAAATATGAA  
GATCTCTACATAAGCATAGGGACA ACTGGGACAAGGAGAGAAGTGTTTTAAGAT  
ATCTGAACATTAGTGAATGTCTTGGAAAGCTATAATACATATTATGAGCAACTTA  
TTAAAACCCAAAAATAAAAATAAAAATGAAACTCCTATTATATCAATCTAGATATA  
TATCTTCTTTGCACCTATGGACGCGAGA ACTAATGTCTATTCACACAGATTGTGAC  
AAGCGAAAAA AAAAAAAAAA ACTAAGGGCGTTTCCAGGTTCCATCATCACAAGGA  
GAACAACCTCTTGAGCAATGTCAGTGATCTGAAGTCGTGTGCATAGATCACCC  
CATTCTCCAATTAGCCGGTAGTACTGCCTTAGCCCAATACCACTTGCCGTCAAAC  
CCGGCTGTCACCACCAACCTAAATTGCAATGCTCCCTTCGGTACTCTGCTTGTGTC  
CCAACTGCTCCCTCATTTCCGGCTCATGAAACTCCAGTTAGATGATCCAACCTAA  
ACGCACCACCAACATTAGTTAATTGGTACAAAAACCAATAGTTCTACTGAACTCG  
AAAAGAATTTGTGTATAGTACTAGAATAGTAGTTTACCTGAGCTACATCAATACC  
AACGATTTCAGTTTGACCCCTTGATACAAGAAGGTGATTGATAGATAATTTGGC  
CTTTTGCTTGATTGTTCCACCCGAATAGCCAAATCTTGTTTTTGAAATCACAAGG  
CACTCTGTCCCCACCAAAAATATTATTCCCGCAATATTAGCTTTAGCGTATAAGCA  
TCCATCTGGAAATCTTATCCTATCAATTATTCTCTAATGCAATCGTGAATATGTGT  
ACATATCATGACTTCAATATAATGCACGTGCATAATGCTCTGGAGAGTGATGTTT  
ACTTGTCTATCTAATCTAGTGGGGGCATGCTAACATAGTTTTGCTTTCTTAAAAGG  
TCCGTACTATTTTTAAAAAATAAAGATCTTTTGGCAGTTGTAACAAAACCACC  
TAAGCTAGCATCACTATCGATGTGTTAAGGACTTGGAACGCATTATTTGTGGTCC  
CTCCATTTGTCTTTTCTTAAAGGAGCTCTTGAACAGTTTGGCCTAAACTCAAACAAT  
TACGCAAGTGTAAGTGCACAATTTTGCACCTCATGAGAAATTTGACTCTCTCTAGC  
TTAACGCCACACGTTTCACTTCTCGAGACCATATAAAAATTTGATTAAGGTTGGCC  
ATAAATTCCAAATTTATTTTGAAAAATTTGATTTGGGTGAAATTTGGTTTGAAAAT  
AAAAATGTGCCTTTATTTTGAAAAACTATGTATATAATTCCCAAATTTTGGAAAT  
TTGGCCCAAAATCAGCAATTTGGGGTGATTTTGGGATTTGGATTTGGGACTTTGTC  
AAAATGTGGGCAAAATTTATGGCTAAACATGAGTTTTGAAAATAAATCCCAAAT  
TATTCTGGCAAAACTCATGGCCAAACGAGTCCTAACATTTTGAATGTATTTTTTA  
TTGTATTGACATGACAAATTATAACTTTTCATATTTTTTTTTTAATATTTATATAT  
ATATTAATAATTAATTTGATCTAATTCAAATTAACCTCAAGATTGGTTCGAATTA  
ATTCTCAAAAAGCAAAAATGTTGCATAAATTGAGATTGAAAGAGTACATAGTA  
GTAGACTAGTAGTGCACAGAGTAAGTGAAGGTAACCTACGGACCTTTTGTACTCA  
ACATCGACGATACCGAGTTTGAGAAGGTCTTGAGCTTTGCCTTGATTAGCCATGG  
CGCTGAAAGCTCTGCTACTGACTACAAAATCTGTTTGGTTGTTGGTATTCTGATCA  
GTTACAGTCACTTGTGCCTTCTTTTGAACAAAGTTTTGAAATCTTGCATCTTAT  
CTGCAATTCAATTAGGTTCCATAAAAATCATCTGGAAAAATATTGAATATATTTAC  
AGTAACTAAAATTTCCACTTTTTTTTTCTTTTGGTGAAGTAAATCGAATTGCATAT  
GCGCTATGGGACGAAAATGGTAAGTAAATTA AACCTGAAAACAAGCACCACAA  
CGAGCTCCCTCTTTGTAGAGACTAGGAACTGCTGCTGCAAGGCGACCCCATTA  
AGCCTACAGCTGAGGAGCCATAACCACAAGCACCAGCTGTAAAAATGAAATCAT

ACACAAATTAAGAGTGATTAACAAGTGGAAAGAGTAATAGTATTATGTCTGAG  
AAGATGCTCAATAAGTTTAAAAACAAGGTTTCTTTTTAGTTTCAACAGAAAACAG  
AGGAATATATAGTTACATCAAGATTATAAAAAATAAAGAAACGAGCTAGAGGGAA  
ATGAGTAGGGTTAGAAAATATAAAAAAGCTTACACTGAAGGGCAGAAGCCTTGG  
AAAAGTAAGCAACCTTTGATTGGTGGACACAGCGATCGCAAGCTGTTGCAGAGG  
AGATCATAAGAAGAAAGAATAAGCAGGAAACTATGGGGAGAGCCATATTTCTTT  
GGTCAAGAAAATGTAGAGAGAGGATATACTGACTAACTGATTGACTAAATGGGG  
AGTGGCGAGGTCTATATATATATAAATACTCTGATAGAACTGATTGAAATAGTAA  
TAGTAGCCTCTTAACGCGATGTCGCGTTTGTGTTTGTAAATTTGTTGCCATGTATAG  
AGCAAAAAGGAGGAACAGTAAATAAATCCAAACAGGAGATAAGGAAAAAAGTG  
TAAGATAGTTTGTATTGGCAAGTTAGAAGTGAGATTCTTCCCACATCGGAAGAA  
AGAAGTTCCGTGCCTGTTATGTGAAACACCTTCGAGACCGACCTTACTCGTACCG  
TGTCTGTTAGCCTCGGAACTGATCATTATGAAATAGCACTCAACAGACACGAGAT  
TGACTCAACAGGCATGAGATCCTAAAGTTAATTATTTTAAACAGAAAAATCAAAT  
TTATTTGAATTTTAAATTCAAAG