

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

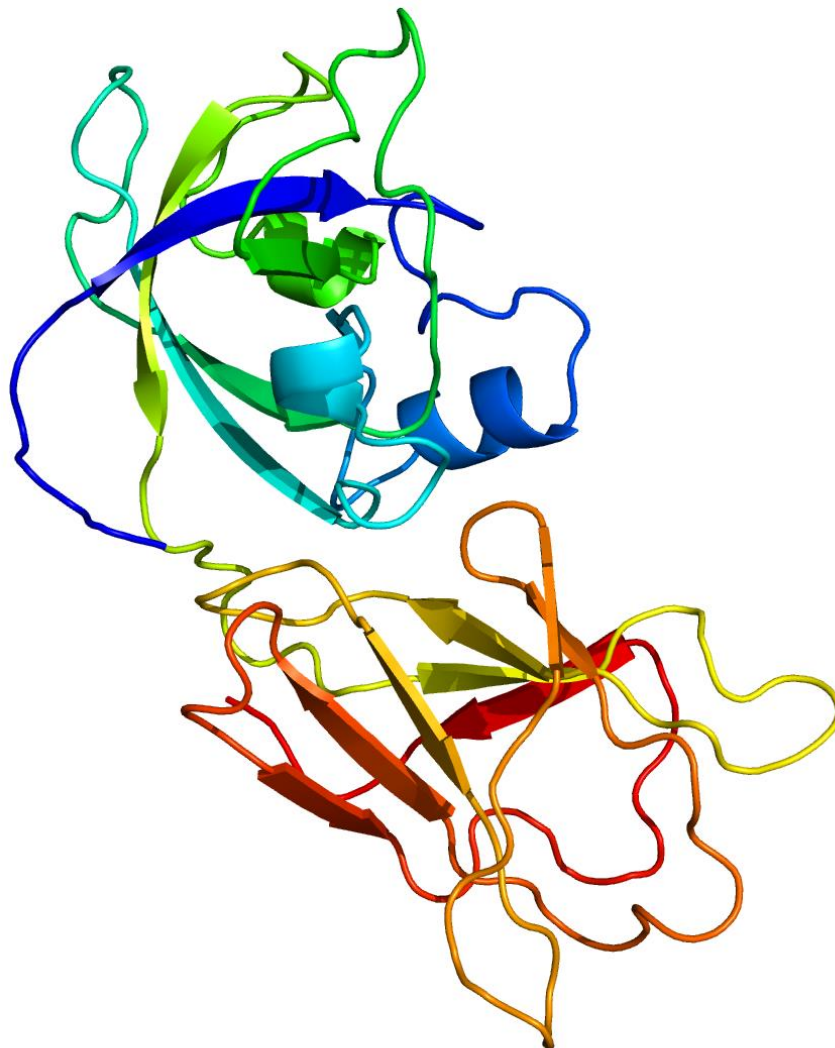
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA32483

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA32483

Description: TprEXLB-04

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

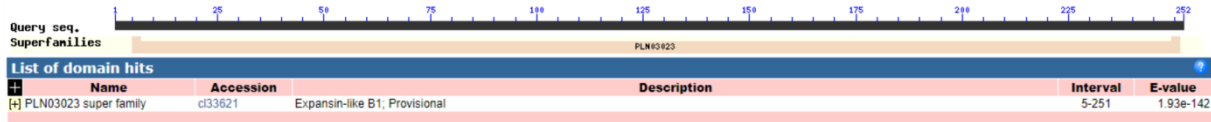
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXLB-04

MELHFKHQIGLVCVILLPIMCNSQDSFICSRATYYGSPDCYGNPKGACGYGDYDQQT
VNDGNVAGVSWLWKNNGSGCACYQVRCKIPQLCDENGAYVVVTDHGAGDRDFTFI
MSPRGYSRLGINADASAELFKYGVVDIEYRRVPCKYNGYNILLKVHERSKNPHYLAI
ILYVGGTNDITDVQLWQEDCQEWPRMRRVFGVVFDAENPPRGPIKLRQLQVSGSGGL
YWVESKNVISSDWEAGAVYDSQIQFD*

CDS (coding sequence)

>TprEXLB-04

ATGGAACTTCATTTTAAGCACCAAATTGGTTTAGTTTGTGTCATATTGCTCTTACC
TATAATGTGTA ACTCTCAAGACTCTTTATTTGCTCTAGAGCAACCTATTATGGTA
GCCAGATTGTTATGGAAATCCAAAGGGAGCTTGTGGCTATGGCGATTACGGACA
GACAGTAAACGACGGTAATGTCCGCCGGCGTGTCTTGGCTGTGGAAGAATGGATCT
GGTTGTGGTGCATGCTATCAAGTGAGGTGCAAATACCACAATTGTGTGATGAGA
ATGGAGCATATGTGGTGGTGACCGATCATGGTGCGGGAGATAGGACAGATTTTCAT
AATGAGTCCACGTGGCTATTCAAGATTGGGTATAAATGCTGATGCATCTGCAGAA
CTTTTCAAATATGGTGTGGTTGATATAGAATATAGAAGAGTCCCTTGCAAATACA
ATGGTTATAACATCTTGCTTAAGGTCCATGAACGCAGCAAAAACCCTCACTACTT
GGCTATTATCATTCTCTATGTTGGTGGAAACAAATGATATAACTGATGTTCAATTGT
GGCAGGAAGATTGCCAAGAGTGGAGACCAATGCGTAGGGTGTGGGGTAGTGT
TTGATGCAGAGAACCCTCCAAGAGGTCTATAAAGTTGAGGTTACAAGTGAGTGG
TAGTGGTGGCCTTTATTGGGTGGAATCCAAGAATGTTATCTCCAGTGACTGGGAA
GCTGGGGCTGTTTATGACTCACAAATTCAGTTTGATTAA

Nucleotide

>TprEXLB-04

TATACATGAAATTTTCATCATATGAGCAACATCTTTCAAGCAGTATCAATAACAA
ATTTTATCTAAAAAAGCTCAAGGATCTTGAGGAATATTAATCAGAACATTAATAT
CTGAACAAACTTAAATAACTTTAAGCCTCTAAATTTTTTGAGCCAGCGCTCTTGAA
ATTGCGTAGACAAATGTGTTTAGAATGACATAGGCATAGTTTCGATATCACTATAT
CTGTATAGCATTTTTTTTCTTATAAAAAGGATCGGAGGGAGTATATAAAATTTTTG
TCAAAATTTCTGAACCTTAGAGTTAAGCTGCAAGTGCATGGATCTTCCAATAAAAA

TGTTTCAATAATAACAAAGTTAGGCATTTCCCATTTGCAAAATAAACTGGTTCTATGC
ACCAAAATAAAATAAATTAAGTTGGTTCAAATATTATATGATGACCCTGGCCCTTG
TGGTCCAATCATAGGGAGTAGATGTACACATCATTATTCCAATCTTCTTCTATTCC
ATAGTTCCAAGTGGAAAGGGAAAAAAACTAATTAATTGGTTACTAGCTAATTAAG
TAAATAGACTTCAAGCTTGTGCTATAAATATGACATTGTATCTTAATGTGCTTTCT
ATCCCATAAGCCTTCTCTTATTTCATAGTATTTACACACACATGCTTCACATTTAGAA
TCCTAAATATTTTTGTTGCTATCTCCTTGACAATTTTTCACTTAACATAATGGAAC
TCATTTTAAGCACCAAATTTGGTTTAGTTTGTGTCATATTGCTCTTACCTATAATGT
GTAACCTCAAGACTCTTTTATTTGCTCTAGAGCAACCTATTATGGTAGCCAGAT
TGTTATGGAAATCCAAGTATGTGACCCTCCTCTTCTACCAATATATACTCTTTTAC
TTATATCTATATAGTATAGTGTATGTGACATAGCACATTTTTATAATTGATTATGC
ATATAGATGTATTGTGCATAGATCTCGTGAACATAACTTAGTTAGTAGGAACATT
GCATATAATGTAGGAATCAAAGTTCAAATCCTAATACCACCCACTTATTCATCTT
AAAATGTGATATTCTGACCACTGAACTACTTACAAAAAAATTGTATGTTGTGCAG
ATTTTTTATTTTTGACACAAGTTCTTGATATTTTGGAACTGCAATTAGTTTTTAAAT
TAAGGGAATTGTGTTTCGTAGAATTTAGTTTGGCAATGCAACTAATTATGTACTAC
AAAATTCTAACTAATTTTTACATTTTTAATAATGCTTTAGAGGGAGCTTGTGGCTA
TGGCGATTACGGACAGACAGTAAACGACGGTAATGTCGCCGGCGTGTCTGGCTG
TGGAAGAATGGATCTGGTTGTGGTGCATGCTATCAAGTAATAACTCTACTTGTTT
GCTACTTAATTTCTTGAACAGTTAACAAATTTATATCATACTAGTAACTTTCTTCA
AAGAAATTATTAGTACCTCAAACATGTCTTCTTCATCTATGAAGTACCGACAAT
TGGACAACAAATAATACTGATATTGACATATTGATAACGACAATAATTTGAAA
AATGAATTAATTATATGTAATCACATATGTCGATATCGAACATAAAACATGTCTT
GAATCATAAGCGCTGGTGCTCTCGAGGTAAAATTGAAACAAAGATATAAATAAC
TATAAAGGAAATTAAGGCTTTATCATTTATCAACATCACTAACAAATTGTTTTTAT
TTATTAATATAAAAAATGATGGTAAATTAGGTGAGGTGCAAAATACCACAATTG
TGTGATGAGAATGGAGCATATGTGGTGGTGACCGATCATGGTGCGGGAGATAGG
ACAGATTTCATAATGAGTCCACGTGGCTATTCAAGATTGGGTATAAATGCTGATG
CATCTGCAGAACTTTTCAAATATGGTGTGGTTGATATAGAATATAGAAGAGTCCC
TTGCAAATACAATGGTTATAACATCTTGCTTAAGGTCCATGAACGCAGCAAAAAC
CCTCACTACTTGGCTATTATCATTCTCTATGTTGGTGGAAACAAATGATATAACTGA
TGTTCAATTGTGGCAGGTATAACATATTTTCATTTTATGTTTAAGATATAAAATTA
TATAATAAAATGAGTCTTTTTCAGCCGAGGTGATTCGGTTTGTAAATGAGCATACTC
ATATTCCGCACGAACGTGAGTTTAAATCATGCTGACAATTTTGAACCTGTCCTA
AAGAGTTCACCACACTCCAGCTCATTTTGAACTAAATGACAAATAAATAAATGAA
AACATATTGAATCAACCACGGTTCAACCAGAATGCAGCATAACCAAGATCAAAT
CAAATGTTTAAGTGTTAAGGCTCATGATTCAACCAGTTGAACGACTGATTTTGTCC
ATTTTTTAAAACATTGATTTTTTGAAGTAAAATTATTTAAGCCAATTTTATTATT
TTTGCATGTAGATATTTTTGTTTTGATTATTTATAACATTTTCGTTACATTACTTGAAA
TTGAATTGGGTATCTTGAAATGGTAATGAAACAGGAAGATTGCCAAGAGTGGAG
ACCAATGCGTAGGGTGTTTGGGGTAGTGTGTTGATGCAGAGAACCCTCCAAGAGGT
CCTATAAAGTTGAGGTTACAAGTGAAGTGGTAGTGGTGGCCTTTATTGGGTGGAAT
CCAAGAATGTTATCTCCAGTGACTGGGAAGCTGGGGCTGTTTATGACTCACAAAT
TCAGTTTGATTAAAAACAAATGCACTTATATAGATAGATTGGAAGTACTACTA
GTATTTTATTGTTTCTTGTGTTGTGTCATTCTAAAAGTTAATGTTCCCTGTGTACTACT
AGTGGGTGGGTGGAGTGCACCTTTGTACTTGTACTAAAACCTGTGGGGGATTT