

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

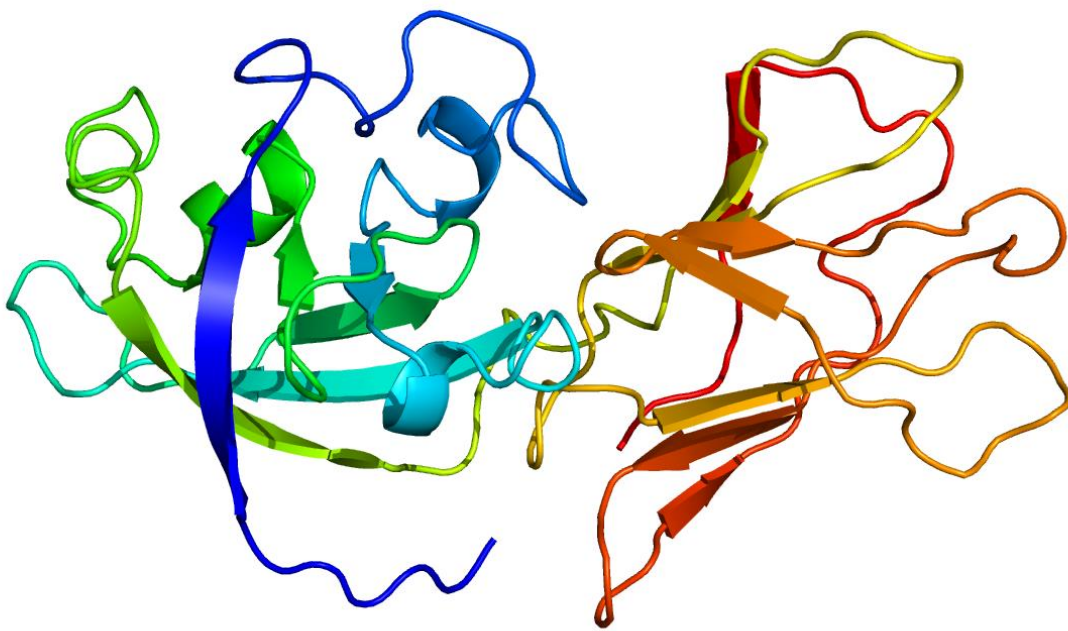
Locus: XP_016186850

Gene Model: XP_016186850.1

Description: AipEXLB-02

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

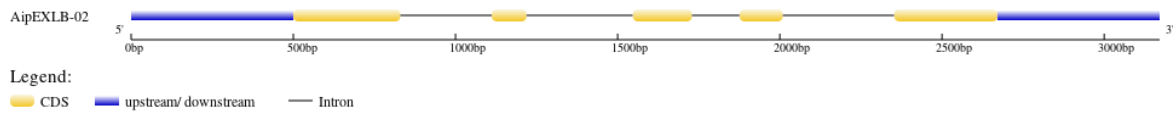
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

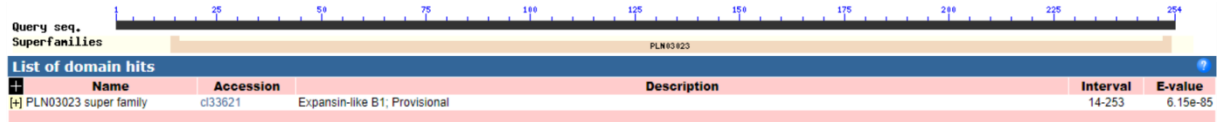
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXLB-02

MAVSLLGPLVITLLCMQTLADASCTDCFVQSRAEYYPNSEVNGTDAGACGFGSFGA
TINGGDVSAASNLYRNGVGCSCYQVRCTNNTYCSDNQVTVVITDQGSQDGTNFILS
QRAFGGMAQTSDTAPYLLALGIVDIEYRRVSCSYPNKNITIKIYESSNPNYLAFVIWF
QQGMRDITAVQLCETQNFVCKLLDRTHGVVWTTTSPPSGPLSLRMLFSAEDGEQTW
VVPSSNIPEDWKAGETYDSGVQVDK

CDS (coding sequence)

>AipEXLB-02

TTCCCAAATTCTGAGGGTATAATGCTCTTCCTCTAATTTTTATTCTTTATATTTGG
AACGTCAAAGTTTTAAGATTGACCAAACCAATTTTCTATAAATAGAAGAAACCCG
GTTCTCTTCAAGCATAAACTAGTTTCTGTTTTTCATTTTTTTTTTCTCCACCTAAC
TGCTTCTCTATTCTGCCCTTCATGGCTGTCTCACTTTTGGGTCCTCTGGTTATTAC
CACCTTGCTTTGCATGCAAACCTCTGGCAGATGCTTCATGCACTGATTGTTTTGTTC
AATCTCGAGCAGAATATTACCCGAACCTCTGAAGTAAATGGCACAGATGCTGGTGC
ATGCGGATTCGGTTCCTTTGGTGCTACCATTAATGGTGGCGATGTATCAGCTGCAT
CCAATCTTTACCGTAATGGTGTGGCTGTGGCTCCTGTTACCAGGTAAGGTGTACA
ACAATACCTATTGCTCAGACAATGGTGTCACTGTAGTTATAACTGACCAAGGCT
CAGGTGATGGCACCAACTTCATTCTGAGTCAACGAGCCTTTGGTGGGATGGCTCA
GACCAGTGACACAGCTCCTTATCTATTAGCTCTTGGCATAGTTGATATTGAATACA
GGCGTGTTCATGCAGCTACCCAAACAAAACATAACAATTAAGATATACGAGA
GCAGCAGTAATCCTAATTACTTGGCTTTTGTTCATATGGTTTCAACAAGGAATGAG
AGACATAACTGCTGTGCAGCTCTGTGAGACGCAGAACTTTGTCTGTAAGTTACTG
GATCGGACTCATGGAGTAGTCTGGACTACTACCTCTCCACCAAGTGGACCTTTGT
CGTTACGGATGCTGTTTAGTGCTGAAGATGGAGAACAACATGGGTTGTCCCAG
TAGTAACATAACCAGAAGACTGGAAAGCAGGGGAGACATATGACTCAGGAGTACA
AGTGGACAAATAGAAAAACAGCAAAAATGAAATATCATCTAATCATAAACCTTT
CTGTAATGAAAGAATAAAAATAAGGCATCAATCCATCCTATCAAGTTCAGTCAATC
ACCCTTTTTACAATCCCA

Nucleotide

>AipEXLB-02

TATTTAATAATATTTATATTAATAATTATGAATAATAAAAATATATAATTAATTTA
AATATAAGTGAATATAAAAATTAATAATATCTAAAAAATTATTGTGCGATTTT
TACTATATAATTAATATTAGCATATGAAATATGATGGAATAATATAGCTTAGTGG
AAAGGAAAGCATGCAATATAAGAATGACAGGTTCAAACCACATTTTTGGGCTGG
ACCGGACTGATTGAAGATCCAGTTACAAGTTTTTCAGTCAAATCGATTGGTCCCG
TCCGATTTATAATTGTGTGAGAAATCCCTATAACCAAAACAAATAGAGCAAACAT
ACTAATTTGGAAAACAATGCCAACTTTCGGATGGCAAAGTGCACCTTACCTCCAC
ACTTTAGAAAATACTCAAATTTACTTCTCTATTCTTGAATATTTTAGCCTTTTGT
GAACTTAAGAGAAAGGCTGATTTGCAAATATCGAAAATGTTAGAAGTCATTTTGT
ATATTCCCAAATTTCTGAGGGTATAATGCTCTTCCTCTAATTTTTATTCTTTATATT
TGGAACGTCAAAGTTTTAAGATTGACCAAACCAATTTTCTATAAATAGAAGAAAC
CCGGTTCTTCAAGCATAAACTAGTTTCTGTTTTTCATTTTTTTTTCTCCACCTT
AACTGCTTCTCTATTCTGCCCTTCATGGCTGTCTCACTTTTGGGTCCCTCTGGTTAT
TACCACCTTGCTTTGCATGCAAACCTCTGGCAGATGCTTCATGCACTGATTGTTTTG
TTCAATCTCGAGCAGAATATTACCCGAACTCTGAAGTAAATGGCACAGATGGTAA
TAAACTAGGGATTGAACTTAGTGTATAATACACTAGGAGAATCTAATTATGTAG
ATTTAATAGAAGTTATCAATGTAAAGTTATGCTAACATATATCACTGGACAATCT
TAGTGCATGATGCATAAATTTTATCTTGGTGCATGGACTGTAGCATTGTCAATGA
AGCTGCTAGAAGGATAACAAAAATGCACATCTGAATTGAGAACTAGTAAACAT
GCTCTAACATATGCTCATACTTTTAACTGATACATATGCTCCTCTTACATTCATTTT
AGCTGGTGCATGCGGATTCGGTTCCTTTGGTGTACCATTAATGGTGGCGATGTAT
CAGCTGCATCCAATCTTTACCGTAATGGTGTGGCTGTGGCTCCTGTTACCAGGTA
AGTGTGTAATCAAGTTATCATTACTGCATAAGAACTACAAAGAGAGTTCATCAAG
GATCCAGCTATGTGACAACTGCCAATTACTGTAGGCCACCAACTTAGCATGTTT
TTTTGAATGAAGTATATATGTATATGTGTATATATTTAAAAAAGGCATTCACTTA
AAACCTATGAATCTTATTCTTATCACACACAAAAAATTCTTCTTTCCTATTTCTT
CCATTTGGTGTCTGACTTTCAAACATGTAACAATTCAACAGCACTTCACATGGTT
AAAAGTAGTAGAGATGTCATGATGTTGTACTTTTGATACTTGCTCAGGTAAGGTG
TACAAACAATACCTATTGCTCAGACAATGGTGTCACTGTAGTTATAACTGACCAA
GGCTCAGGTGATGGCACCAACTTCATTCTGAGTCAACGAGCCTTTGGTGGGATGG
CTCAGACCAGTGACACAGCTCCTTATCTATTAGCTCTTGGCATAGTTGATATTGAA
TACAGGCGGTATGATATAATTCTACACAGATAAAACCCTATGAGTTCATGTTTGC
ATCATCAACTTTTGAAGCTGTAGATATATACAAACACACACACACATATATTC
AATGGATTAAAGATTTAACTGAGGCCTCTCTCTCTTCTTCTCAAGTGTTCATGCA
GCTACCCAAAACAAAAACATAACAATTAAGATATACGAGAGCAGCAGTAATCCTA
ATTACTTGGCTTTTGTGATATGGTTTCAACAAGGAATGAGAGACATAACTGCTGT
GCAGCTCTGTGAGGTAGTTTTTGCCTCCTTATCCTGTGCAAATTGGAATTCATAAA
TCTCTGAGATGCATAAACTCAATGCTTTAAACAGATAATTTTGTGAAGGAGGACT
TGGAATAAACAGAGTGTAAAAGATCACATAATCATGCTCTATCTTCAAACATTT
ATTTAAATAGAACACTTCAAACAGAAATAAACTGCAACAGCATGAGCCATTA
TGTCACTATACAGAAAGGAAATAATACACAAAAACAAAGAGATAAACTAAGGAA
GAAGGATCCAGTGTCTTATTAGGAAATAATGCTGGCAAACCTAGCACTGACAATGA
CATTGTAATCTCCTGTACCGTGTGCAGACGCAGAACTTTGTCTGTAAGTTACTGGA
TCGGACTCATGGAGTAGTCTGGACTACTACCTCTCCACCAAGTGGACCTTTGTGCGT
TACGGATGCTGTTTAGTGCTGAAGATGGAGAACAACATGGGTTGTCCCAGTAG
TAACATAACCAGAAGACTGGAAAGCAGGGGAGACATATGACTCAGGAGTACAAGT
GGACAAATAGAAAAACAGCAAAAATGAAATATCATCTAATCATAAACCTTTCTGT

AATGAAAGAATAAAAATAAGGCATCAATCCATCCTATCAAGTTCAGTCAATCACCC
TTTTTACAATCCCATCTACTTGATTGTCCTTTCCCTTGATAAATTTATTATTTGGTCT
CTATCTAGCTTTCAACTGATCAATAGCTGAACTCTGGAATGATCATATCAAGAAT
CACTCACAAGGTGTACAAATACAATACAAATTTTCAGTGGGGAGCCAAATGCTTA
AAGCTTTCTCTCAACTTTGACGAAGGATTCTGACATTTGCACATTATGAAATATGA
GGAATGCTAGGGGCCAGCAACTTTGTGATTTGTAGCCATCAAATAGCCATCAATG
ATGGTTTTAATGGTGTGAGATTGGTGTGAACTTTCATCCAATGGCTCACTTTTCTT
TGCTGGTTACATGCTGGACAGAATTTAACAAAGTTGCTGGCCCCCTACACTTTTCC
ATGAAATATTAATTGGAAACATTAACACAATTGATTGTTTCATTAATTAATCTTCA
AAATGTATGCCTCAAACAATTCTTTCAAATAAGGTCAGACAATTATGGACCAAAC
ATGGAAGTAGCAA