

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

**Locus:** AUR62013691

**Gene Model:** AUR62013691

**Description:** CqEXPB-03

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

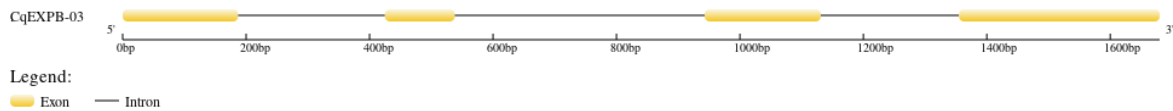
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

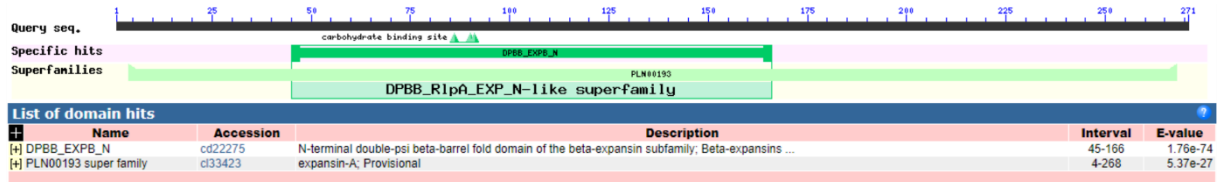
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPB-03

MALLSHYLFSLVFLDFALLFNSCLCFNPKLLNVSKYYHDSYSNWYPAGATWYGSP  
DGAGSDGGACGYTNTVDKPPYSGMVTAAGSSLYNFGDGCGVCYEVKCTENEACSR  
KPVTVTITDECPGCPSPDEPHFDLSGTAFGAMAKPGQAELRDAGVLHIQYQVKCN  
YRGVTVVEVRVDPGSPNPYYFASTIEYTDGLGIESVKLKEQSGEWISLKQSWGAVWELNA  
DNGLDPPLSLELIEAQSGDTLTLNINVIPRGWNPQTYRSHVNFNN\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPB-03

ATGGCTCTTCTTTCTCATTACCTCTTTTCTTTAGTGTTTGTGGATTTTGCTCTTC  
TTTTTAATAGTTGTCTTTGTTTCAACCCTAAACTTTTGAATGTGTCCAAATATTATC  
ATGACTCTTATTCCAATTGGTACCCTGCTGGTGCTACTTGGTATGGAAGTCCTGAT  
GGCGCCGGAAGCGATGGTGGAGCGTGTGGATATACAAATACGGTGGATAAACCT  
CCGTATTCTGGCATGGTTACAGCAGCTGGATCCTCATTATATAACTTTGGTGACGG  
ATGTGGAGTTTGCTACGAGGTA AAAATGTACGGAAAATGAAGCATGTTTCGAGAAA  
ACCAGTGACAGTGACGATAACAGATGAATGTCCAGGTTGCCCTTCGGACGAACCT  
CATTTCGATTTAAGTGGAACAGCTTTTGGAGCCATGGCTAAGCCTGGCCAAGCTG  
AAAACTACGAGATGCTGGCGTGCTTCACATCCAATACCAAAGGTA AAAATGTA  
ACTATCGAGGAGTAACCGTGGAGGTAAGAGTGGATCCGGGTTTCGAACCCGTA  
ACTTTGCATCAACAATTGAGTATACGGATGGTTTGGGAATAGAAAGTGTGAAATT  
GAAGGAGCAATCTGGTGAATGGATCTCCTTGAAACAATCGTGGGGTGCAGTTTGG  
GAGCTGAATGCAGACAATGGTCTTGATCCTCCTCTGTCTTTGGAATTAATTGAAG  
CTCAATCTGGAGACACTCTTACCTTAAACAATGTCATCCCTAGGGGCTGGAACCC  
GGCCAAACTTACCGTTCTCATGTTAATTCAATAACTAA

### Nucleotide

>CqEXPB-03

ATGGCTCTTCTTTCTCATTACCTCTTTTCTTTAGTGTTTGTGGATTTTGCTCTTC  
TTTTTAATAGTTGTCTTTGTTTCAACCCTAAACTTTTGAATGTGTCCAAATATTATC  
ATGACTCTTATTCCAATTGGTACCCTGCTGGTGCTACTTGGTATGGAAGTCCTGAT

GGCGCCGGAAGCGATGGTAAATTTTTACTCCTTTTATGGTTCACCATTTCCCTTAT  
ATTTAATACGGGTTGTCTAATATGTGACTGACTTTTATGAGATAATTAACAAGAC  
GTGTGATTTATATGTTAGTTACAACTTCTTTAACTTGTTTTGAGGGAAATACCTA  
ATTCATCAAAAATAATCTTAGACGAAACACACATTGTTTGTGTACTAATTAATA  
ACTATATGATGTATATCACTATATATACGTAGGTGGAGCGTGTGGATATACAAAT  
ACGGTGGATAAACCTCCGTATTCTGGCATGGTTACAGCAGCTGGATCCTCATTAT  
ATAACTTTGGTGACGGATGTGGAGTTTGCTACGAGGTTAGTCTTTTTTTCAAATAT  
AT  
AT  
GAGAGCCACAAGAGTGGATTGAGAATCAATTCAGGATATCCTAGGGAGGAAGC  
TCTAACCATTTGAACTACCCTCTAAGTAAAGCACTATAATTTTTGTACTAAATAAA  
CAAGTTTATTGTATCATTGTTTAATCGTACAAGAATCCGTGTTTTTAATGACCCCT  
TAAAAGTCGATAAATATACCAATTGACAATATCGTCTTTATGTATATATGAAA  
TTTGATGGTATAAAAATTTATTATCATTAAATTTTTTTCGGATGACCTACTAGGTA  
ATGTACGGAAAATGAAGCATGTTTCGAGAAAACCAGTGACAGTGACGATAACAGA  
TGAATGTCCAGGTTGCCCTTCGGACGAACCTCATTTCGATTTAAGTGAACAGCT  
TTTGGAGCCATGGCTAAGCCTGGCCAAGCTGAAAAACTACGAGATGCTGGCGTGC  
TTCACATCCAATACCAAAAAGTAAGAACTACGAGTAATTAATCAAATATGTCAC  
TTTTCGAAAGATATTCTATACAACGATTACATAATGTACCATATAAGTTGTACAA  
CCATTTACAACCCCTAAGACTTTTGAGGGGTTGGGGAACCAATTTAAAAGAATA  
ATAAACTATGTCATTATTTTATTGAATATAAGATGTATAGTATAATTAATTTAGTT  
TTGAAAATTATAATTGGTGCAGGGTAAAATGTAACATCGAGGAGTAACCGTGG  
GGTAAGAGTGGATCCGGGTTTCGAACCCGTACTIONTTGCATCAACAATTGAGTAT  
ACGGATGGTTTGGGAATAGAAAGTGTGAAATTGAAGGAGCAATCTGGTGAATGG  
ATCTCCTTGAAACAATCGTGGGGTGCAGTTTGGGAGCTGAATGCAGACAATGGTC  
TTGATCCTCCTCTGTCTTTGGAATTAATTGAAGCTCAATCTGGAGACACTCTTACC  
TTAAACAATGTCATCCCTAGGGGCTGGAACCCGGGCCAAACTTACCGTTCTCATG  
TTAATTTCAATAACTAA