

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

Locus: Ca_04109

Gene Model: Ca_04109

Description: CarEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

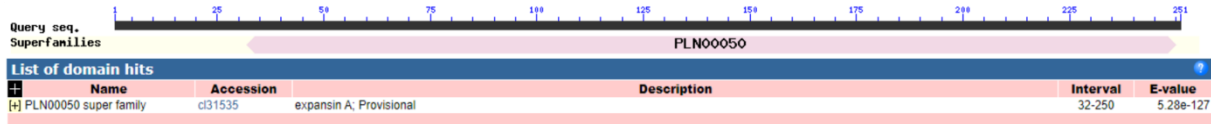
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-13

MAIATTSITFFLLTLFLKGTFGDYGGGWQGGHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMRCDSDPKWCLPGSILVTATNFCPPNFAQSN
TNGGWCNPPPLQHFDLAEP AFLQIAQYKAGIVPISFRRVPCVKKGGIRFTINGHSYFNL
VLVTNVGGAGDVHSVSIKGSRTGWQ TMSRNWQNWQSN NYLNGQSLSFQVTTSDG
RTITSNNIVPTNWQFGQTFSGGQF*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-13

ATGGCAATTGCAACAACCTCTATTACTTTCTTTCTTCTTACCCTTTTCCTTAAAGGC
ACTTTTGGTGACTATGGAGGAGGTTGGCAAGGTGGTCATGCCACATTTTATGGTG
GAGGTGATGCATCAGGCACAATGGGAGGGGCTTGTGGTTATGGCAATTTGTACAG
CCAAGGCTATGGAACCAACACTGCTGCACTCAGCACTGCACTTTTTAACAACGGT
TTGAGCTGTGGATCTTGCTACGAGATGAGATGTGACAGTGACCCAAAATGGTGTC
TCCCCGGTAGCATATTGGTCACTGCTACTA ACTTCTGTCCACCTAACTTTGCACAG
TCTAATACCAATGGTGGTTGGTGTAACCCTCCCCTTCAACACTTTGATCTTGCTGA
ACCTGCTTTCTTACAAATTGCTCAATATAAAGCTGGAATTGTTCTATTTCTTCA
GAAGAGTCCCATGTGTGAAGAAAGGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGACACT
CATACTTTAACTTAGTTTTGGTGACAAATGTTGGTGGAGCTGGAGATGTACATTC
AGTGTCCATCAAAGGGTCAAGA ACTGGATGGCAA ACTATGTCAAGGAACTGGGG
CCAAAATTGGCAGAGCAATAACTACCTGAATGGCCAAAGCCTCTCTTTTCAAGTC
ACTACAAGTGATGGAAGGACTATCACTAGCAACAACATTGTTCTTACAAATTGGC
AATTTGGACAAACATTTTCTGGGGGACAATTTTAG

Nucleotide

>CarEXPA-13

ATGGCAATTGCAACAACCTCTATTACTTTCTTTCTTCTTACCCTTTTCCTTAAAGGC
ACTTTTGGTGACTATGGAGGAGGTTGGCAAGGTGGTCATGCCACATTTTATGGTG
GAGGTGATGCATCAGGCACAATGGGTAAGTTTTAACA AATACTTTGCCTTTTCA
TTGGGACATTTAGATGTTAAATAGTAGATACTCCCTATATTACTTTTTCTACA
TGTAACATTTGTTTTACTCAAATCTTTTATTTGTTGCTTTTAAATGTAGACTAAAA
AAATAACCCATTATATATACATATATTA ACTAACCTATATTA A AATAGTCCTTTCA

CTTGACACTTACTAAAACAAAGACATTTTAGCAATAAAGTGGTTAATGAGCCGAG
TGAAATTCGAATTAATTGTGAATACTCAAATACAAAAAACAAAGATATTTTAGT
ACAAAGAAAATACTATTTTGCTATTAATAAATATAGGTGTAATAAAAAAATTGT
AAGACTTGTGCTTTTTTCCTCACCTATTTGTCTGCCTCATATTGCAGGAGGGGCTTG
TGGTTATGGCAATTTGTACAGCCAAGGCTATGGAACCAACACTGCTGCACTCAGC
ACTGCACTTTTTAACAACGGTTTGAGCTGTGGATCTTGCTACGAGATGAGATGTG
ACAGTGACCCAAAATGGTGTCTCCCCGGTAGCATATTGGTCACTGCTACTAACTT
CTGTCCACCTAACTTTGCACAGTCTAATACCAATGGTGGTTGGTGTAACCCTCCCC
TTCAACACTTTGATCTTGCTGAACCTGCTTTCTTACAAATTGCTCAATATAAAGCT
GGAATTGTTCTATTTCTTCAGAAAGGTAACATATATAAACCCCATCAAACAAAC
TCAACACTACTTCTTTGTAATTGTAAATCTATATACATATCCTAAGGTGAGAAAAT
GACATTTTCGTCGCGGGTTTGACCTCTGGTCGATGCTTATGGAAAAAATATATGTG
AAAAAGGTCAATCATTTAAATATATTTTCAGTTAGTTTGAGGGATTAGTATACATA
ATTGTGTAACTGACACGTGGCAAATTTCACACATATGAAATACTGCACTTCAA
ATTAAAAGCGTGTCCGTTATCTGAATTTGACATTGGCAAATTTGATTATTATTTGT
GGTATCTACCTGAGTGTGCTTCATAGTACTAATTGTAATTGTTTCAATTTTCAGC
TACTACCATGTACTAACATATTATACTGTTTTTTGGGTCTTAAAACAGAGTCCCAT
GTGTGAAGAAAGGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGCACTCATACTTTAACTT
AGTTTTGGTGACAAATGTTGGTGGAGCTGGAGATGTACATTCAGTGTCCATCAA
GGGTCAAGAACTGGATGGCAAATATGTCAAGGAACTGGGGCCAAAATTGGCAG
AGCAATAACTACCTGAATGGCCAAAGCCTCTCTTTTCAAGTCACTACAAGTGATG
GAAGGACTATCACTAGCAACAACATTGTTCTTACAAATTGGCAATTTGGACAAAC
ATTTTCTGGGGGACAATTTTAG