

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

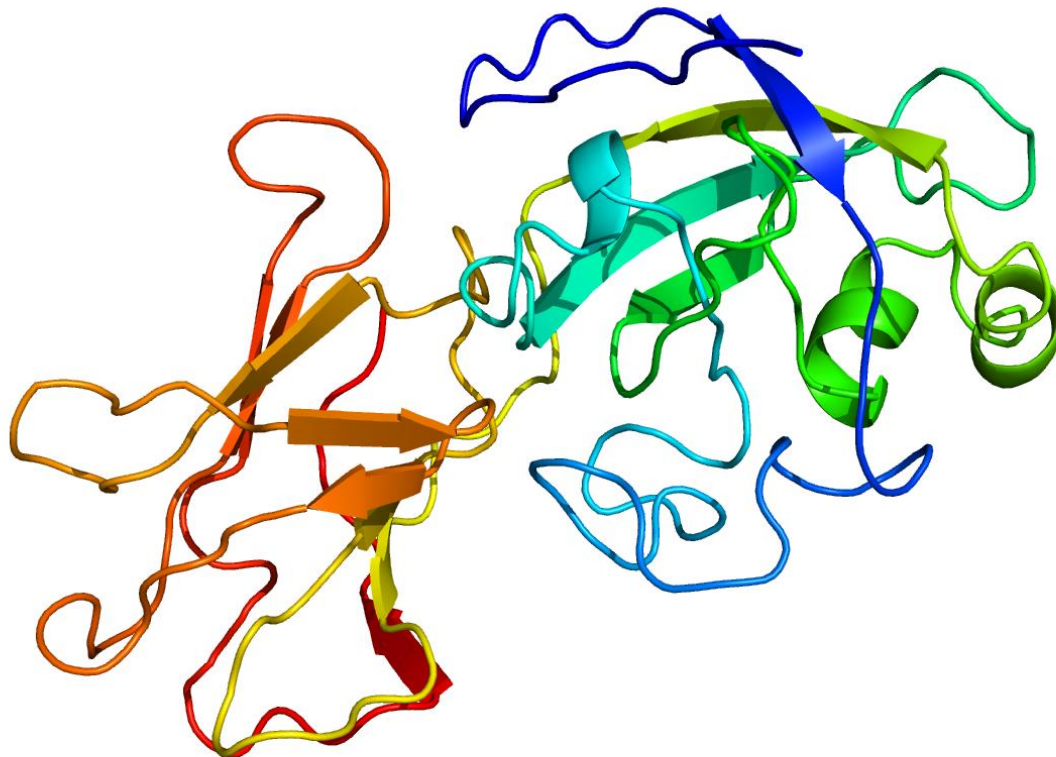
Locus: Medtr4g028640

Gene Model: Medtr4g028640.1

Description: MtrEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

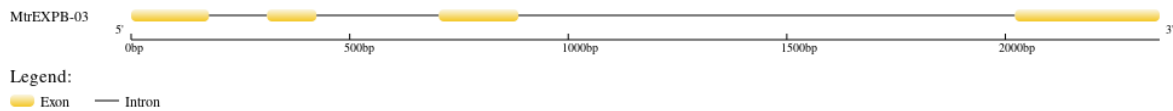
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

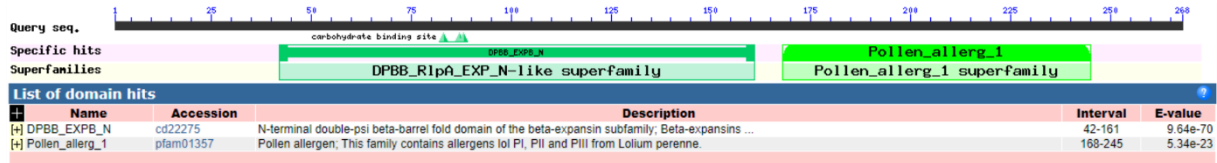
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPB-03

MAIVLHRIISFAVLFSLLINPCYCLNPKLFNVSEIQNVNDPWQMAIATWYGAPGAGS
DGGACGYGESIEYPLSKMISAGGPSIFLEGRGCGACYQVKCTENSACSRNPVTVMIT
DSCPGCAPIQFDLSGTAFGSLANNGQANNLRNAGRINVQYQRVACSFGTSTITFAVDSG
ANPYFATEIEYENGDGDIVSVELNQSRRWIPMQRSWGARWALNSGSQQLQPPFSIKIT
ENGNKGFNTIIAYNVIPRNWQPGKVYRSLVNFKNL*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPB-03

ATGGCTATTGTTCTTCATCGTATAATTTCTTTTGCAGTACTTTTTTCTCTTCTGATT
AACCCCTTGTTATTGCCTCAACCCTAAATTGTTCAATGTTTCTGAAATTCAAAATGT
TAATGATCCATGGCAAATGGCAATAGCTACATGGTATGGAGCACCAGAAGGTGC
TGGATCAGATGGGGGTGCATGTGGATATGGTGAAAGTATAGAGTATCCTCCACTT
TCTAAAATGATATCAGCTGGAGGTCCATCTATTTTCCTTGAGGGTAGAGGATGTG
GTGCTTGTTATCAGGTGAAATGCACAGAAAATAGTGCATGCTCAAGAAATCCTGT
GACTGTGATGATCACTGATAGTTGCCCTGGATGTGCACCTATCCAGTTTGATCTAA
GTGGAAGTGCATTTGGTTCCCTTGCAAATAATGGCCAGGCTAATAATCTTCGTAA
TGCTGGAAGAATTAATGTTCAATAACCAAGGGTTGCATGCTCTTTTGGGACATCA
ATAACATTTGCAGTCGATAGTGGAGCCAACCCATACTATTTTGCTACAGAAATAG
AATATGAAAATGGAGATGGTGACATTGTATCTGTAGAATTGAATCAATCAAGAA
GATGGATTCCAATGCAACGTTCTTGGGGTGCAAGATGGGCTTTGAACTCAGGTTC
ACAATTGCAACCTCCATTTTCCATTAAGATCACAGAAAATGGAAATGGAAAGTTC
AACACTATTATAGCTTACAATGTGATTCCAAGAAATTGGCAACCTGGCAAAGTTT
ATCGTTCATTGGTTAATTTTAAGAATCTATGA

Nucleotide

>MtrEXPB-03

ATGGCTATTGTTCTTCATCGTATAATTTCTTTTGCAGTACTTTTTTCTCTTCTGATT
AACCCCTTGTTATTGCCTCAACCCTAAATTGTTCAATGTTTCTGAAATTCAAAATGT
TAATGATCCATGGCAAATGGCAATAGCTACATGGTATGGAGCACCAGAAGGTGC
TGGATCAGATGGTGAGTATTTGCATAATATTCATGTGAGGTTGTTCAATTTAAATT

ACATTTATAACGATTTATCATTATCTATCTTGTAAAAGAATAATTATTTTAATAT
TTCTTTATTTTAATTTTTGTTTTTTTGTTTAGGGGGTGCATGTGGATATGGTGAAAG
TATAGAGTATCCTCCACTTTCTAAAATGATATCAGCTGGAGGTCCATCTATTTTCC
TTGAGGGTAGAGGATGTGGTGCTTGTATCAGGTGCATGTAAGTATTGCTTTTCCA
TATTAATATAAATTGTTAGTTTTGTTTAATTCACAAATCTTAGGTCAACTGGTAAA
ATGTTTAAATTATTAGGTGCAATACCGTGTCCGGGCTTTCAATATCACATTCTCCA
AAAAAAAATCTAGATTTTTTTTTTTCTTCCAATAAGATCTTATTTTATCAATTTTAG
ATCATATTTTAAAAAATATATTACAATAAAAAATAAAGTACTATTATTTTTATT
TTTTTCTAATTGGATGTTTGATTAATTTTCAGGTGAAATGCACAGAAAATAGTGCA
TGCTCAAGAAATCCTGTGACTGTGATGATCACTGATAGTTGCCCTGGATGTGCAC
CTATCCAGTTTGATCTAAGTGGAAGTGCATTTGGTTCCCTTGCAAATAATGGCCAG
GCTAATAATCTTCGTAATGCTGGAAGAATTAATGTTCAATACCAAAGGTATTTAT
TAATTATTATATATGTTTGGGTTTGATTTTAAAAATAAACAAGATATGACTTGTA
AAAAACGGATTTTGTGAAGATAATAATTAAGGAATATTTTTTTCTTATTCTCTTT
TCTTTTCTTTTGCTTTTAAGCTAAAGCAAATTATTGATTTAGAAGAATCAACTTTA
CTATTTGTCAAAAAATAAATAAAAAAATCAACTCTACTGTTTTGTAAACGAGTGT
TTTTATGACTCTCATTAAATGACCTTTAATTACTGGTAATTTTTGTAAAAATATATA
TATTTAATACATTGAAATTTGTAATATTTGACTTTACGATAAAAATAACTTATAAAA
AAAATAAACTATGACTTATAAAAAAAAACGAATTTTGTGAAGAAAATAATTAAG
GGATATATTTTTTAGCAGACAATAAAAAAATTTTTTTAATGGCAGGATTGATTTT
CATATTCTCTTTTCTTTTCCCTTTTAAGCTAAACCAAATTATTGATGTAGAAGAAT
CAACTCTACTATTATTTTTAAGCGAAATGTAAACGAATGTTCTTGTGACTCTTT
AAAGACCTTTGATTACTAGTAAGTTTTTGTGATGTATTCAATATAGTGAAATTTGT
AATATTTGCGATGAAATAACTTTTAAATTTGGGATGTTTAAACGAGTGTCACGTAA
CAAACCTTTTTTTTTTTTTTTAATTTTGATCCGATTATGAAACTAACATTGGTTT
CATGCTTCAAAGAAATCATACGTTTGATGTAGTATTTCAATTTAGCAGTTAGCACT
CACCATCTAAGAACCAATAGAAGAGGAAAGAATAAATATATAGTCTTCTCCAAA
ATTGGTTAAATACTCCATTTTAGTTTTTGAATAGTATACTTCAATAAAAAGTTAC
CAATAATGTTTTACAGAAAATCATGAAATTAATAATTCCTTTACCTTTTTAATCAA
TCAATTTAATTCTTCTATATCAAAGTCCCAAAAAAATCAACTTGTTAGAGTATTCT
TCAATAGAACTGTTTTATAGCAATTGTTTTATTATTTTTATAGTAACAAATTATT
ATCTCACGTCTCTTACACATTTATGTTTCTTTGTAATTAATATGACATATTCTAAAT
TTTTAATTTTAGGGTTGCATGCTCTTTTGGGACATCAATAACATTTGCAGTCGATA
GTGGAGCCAACCCATACTATTTGCTACAGAAATAGAATATGAAAATGGAGATG
GTGACATTGTATCTGTAGAATTGAATCAATCAAGAAGATGGATTCCAATGCAACG
TTCTTGGGGTGCAAGATGGGCTTTGAACTCAGGTTACAATTGCAACCTCCATTTT
CCATTAAGATCACAGAAAATGGAAATGGAAAGTTCAACACTATTATAGCTTACAA
TGTGATTCCAAGAAATTGGCAACCTGGCAAAGTTTATCGTTCATTGGTTAATTTTA
AGAATCTATGA