

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

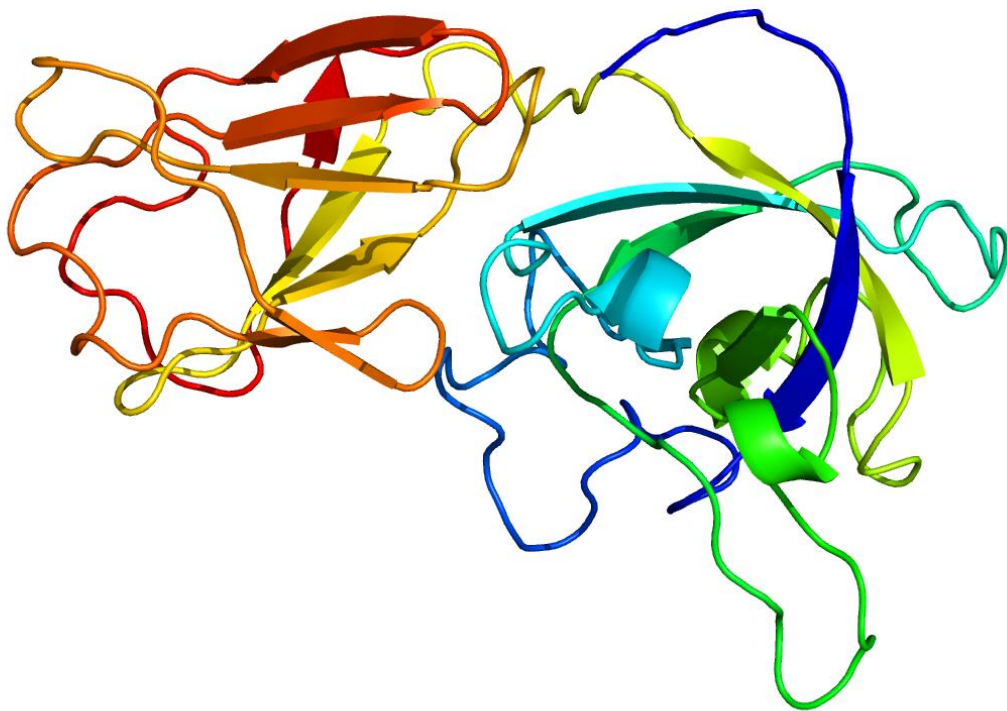
Locus: CsGy2G008490

Gene Model: CsGy2G008490.1

Description: CsEXPA-04

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

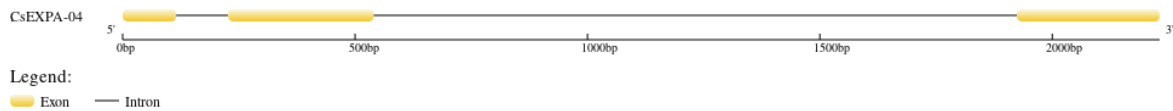
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

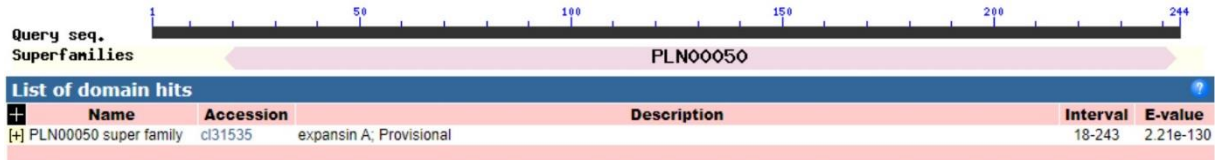
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXPA-04

MMLYFLFLLPFLSLLSSAAAWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSEGYGSNT
AAISTALFNDGLSCGSCYVIKCVNDPKWCLPGSVLVTATNFCPPNNALPNNAGGWCN
PPLHHFDLSQS VFLRIAQYHAGIVPVL YRRAPCKRKGGVRFTIKGHSYFNLVLITNVG
GAGDVHAVSVK GPRSGWQPMSRNWQNWQSHNYLDAQPLSFKLTTSDGRTLISNN
VAPAGWSFGQTFAGSQFR

CDS (coding sequence)

>CsEXPA-04

ATGATGCTTTATTTTCTGTTTTACTTCCCTTTCTTTCACCTCCTCCTCCGCCGCCG
CCTGGATAAACGCTCACGCCACCTTCTACGGCGGCAGCGATGCTTCCGGCACAAT
GGGTGGAGCTTGTGGGTATGGAAATCTTTACAGTGAAGGATACGGGAGCAACAC
TGCGGCAATCAGCACTGCACCTTTTCAACGATGGGTTGAGTTGTGGGAGTTGTTAT
GTGATTAAGTGCGTTAATGATCCGAAATGGTGCCTACCTGGCTCTGTTTTGGTCAC
TGCCACTAACTTCTGTCCCCTAATAATGCTCTTCTAATAACGCCGGTGGTTGGT
GTAACCTCCTCTCCATCACTTTGACCTCTCCAGTCTGTTTTTCTCCGTATTGCTC
AATACCACGCCGGTATCGTCCCCGTCTCTATCGCAGGGCTCCATGTAAGAGGAA
GGGAGGAGTAAGATTCACAATAAAGGGCCATTCATACTTCAACTTAGTGTTAATA
ACCAATGTGGGAGGCGCAGGGGATGTTTCATGCTGTGTCCGTAAAAGGCCCTAGA
AGTGGGTGGCAGCCAATGTCCAGAAACTGGGGTCAGAACTGGCAAAGCCATAAC
TATTTAGATGCCAGCCCCTCTTTTCAAGCTCACTACTAGCGACGGCCGTACTCT
TATTTCCAACAATGTGGCTCCTGCTGGCTGGTCCTTTGGCCAGACCTTCGCCGGCT
CCAGTTTCGATGA

Nucleotide

>CsEXPA-04

ATGATGCTTTATTTTCTGTTTTACTTCCCTTTCTTTCACCTCCTCCTCCGCCGCCG
CCTGGATAAACGCTCACGCCACCTTCTACGGCGGCAGCGATGCTTCCGGCACAAT
GGGTAAGTAATTTAATTTAATTTGAACTGAAGAAATCAGTTAAATAACAAGTACA
TACATTATATATAAAAGAACTAGCTAGCTAGTGGGTTTTAATTAATTCATTCATGA
CAGGTGGAGCTTGTGGGTATGGAAATCTTTACAGTGAAGGATACGGGAGCAACA

CTGCGGCAATCAGCACTGCACTTTTCAACGATGGGTTGAGTTGTGGGAGTTGTTA
TGTGATTAAGTGC GTTAATGATCCGAAATGGTGCCTACCTGGCTCTGTTTTGGTCA
CTGCCACTA ACTTCTGTCCCCCTAATAATGCTCTTCCTAATAACGCCGGTGGTGG
TGTAACCTCCTCTCCATCACTTTGACCTCTCCCAGTCTGTTTTCTCCGTATTGCT
CAATACCACGCCGGTATCGTCCCCGTCCTCTATCGCAGGTACCTTACCTTGAATG
GATATTGAATGTTAGTTCAACCTCATGCATGGTTATTTTAGATGCAAAATTA ACTA
GAATATTTATAAAAATATAGTTTCTTTTGGGTTATATTTTGTAAATTTTTTTTTGAAT
ATTTTGTAAATTTAGAATAATTTTCTTTCATTTTATTGTAAATTAAGGTTTAA AATTA
CATTTAATTTTTTATTTATATTTTAAAATATTTACAAAATTA AATATGATATATTTT
TAAAAATAACAAAATAATTA AAAATATTTACAAGCAATTTTTTTTTATTATATCAATG
ATATCTAACTATCGATATTTTTCTATCACTGACTTCTAGTGTC ACTTCTAAAAAGG
ATATCAATGACTATTA AATGATTGTTACTCAGAGAATCTCAAGTTTTGCTATAATT
TTTAAATATTTTGTCAAATTTGTTAATTTT GACGATTTTCCGTAAATGTTTAGAA
AATATAATTA AATTTTGTCAATTTT TAGTAAAATTTTCAATTATTTTATTTTAGTGTA
ATTAAGCTTTTAAAATTACATTTGGTTTTTTATTTTATATTTTAAATTAATTTTTT
TAAAAAAGTAATTAGTTATTTTATTTATGAAATAGTTTCAAATATAGCTATTATAT
TCAAATAATAAATAATTTATGGCAATTTTAAAAATAACAAAATAAATTA AAAATA
TTTACAAGCTATAGCAA AATTTTGGATTCTATTACCATAGCATATCAATGACTATT
AGTGATAAAATTTGCTATAGATTGTA ACTATTTTGTAAAATCTACTATTTTTAAAA
ATTTCCCTAAATAATTAAGTACATACCAACATTTTTTTTTAAAAAATACAAATATAT
CAAATCTGTCAAAGTCCATGATAGAATTCTATCACTTATAGATCATGTTGCAA
TATTGGTATAAATCATTAGACTTTATCAACTATAAAAATTATCACTAATAGACTTT
ACTATATTTGTAATTTTTTAAAAAATGTTGTCATATATTTAATCATTATCCATTATG
ATTGCCCTATATTTTTTGTGGTGAAAAGATGAATGAGCACGAGAGATGGATGCAT
CTTAAAATGTCCTCGAATTTTTTTTTTAAAAAATTTTAAACCATAAATAACTGGAAA
AAGTTTGATACACTAATTA AATGTCATTAATTA AATACACGTAGTGTCAAACCAC
ATGTGTTTTAAGAATATTTTTTTTTAGAGTATGATGTATAGAAATGAGTGTTTTTATA
CTTTAGATTTAAGTTTGAGTCGGTTCGAGGGCATTCCATAAAAATTGGAACAATAC
AAAGAAGATTGGTCCATGTGCAAGAATGACATGCACAAATGGAGATTTAAGTTT
GAACTTTTTGTCTTAATGTCATAGGGCTCCATGTAAGAGGAAGGGAGGAGTAAGA
TTCACAATAAAGGGCCATTCATACTTCAACTTAGTGTTAATAACCAATGTGGGAG
GCGCAGGGGATGTT CATGCTGTGTCCGTAAAAGGCCCTAGAAGTGGGTGGCAGC
CAATGTCCAGAACTGGGGTCAGAACTGGCAAAGCCATAACTATTTAGATGCCCA
GCCCTCTCTTTCAAGCTCACTACTAGCGACGGCCGTACTCTTATTTCCAACAATG
TGGCTCCTGCTGGCTGGTCCTTTGGCCAGACCTTCGCCGGCTCCCAGTTTCGATGA