

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

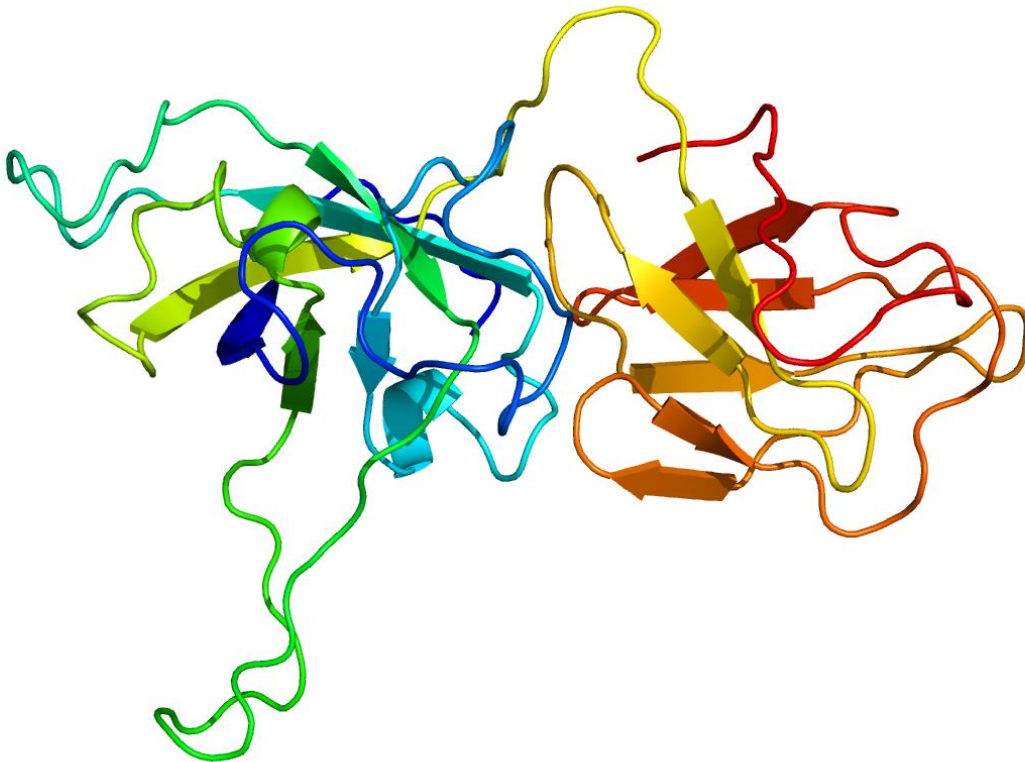
Locus: XP_016175270

Gene Model: XP_016175270.1

Description: AipEXPA-25

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

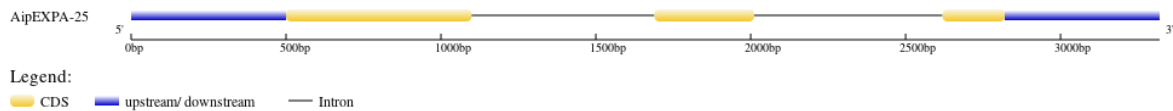
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

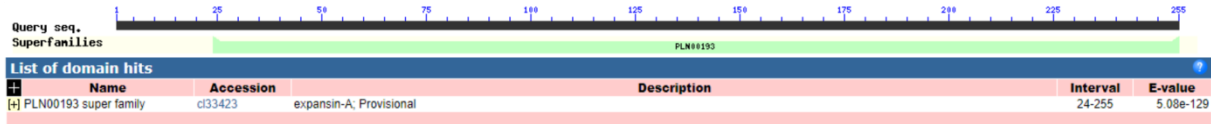
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-25

MEKLIFSVVILLLSLLTTQHKVVASSSWQQAHAATFYGGSDASDTMGGACGYGNLYT
DYGyVKTAALSTALFNDGKACGGCYQIVCDATKVPQWCLKGTAITITATNFCPPNY
ALPNDNGGWCNPPRPHFDMSQPAFEKIAKYKAGIVPIFYRRVGCKRTGGIRFTINGID
YFELVLISNVGGAGDISKVVWIKGSKMNNWETMSRNWGSNWQSLSYLNGQSLSFQIQ
LSNGRIRTAYNVAPSNWNFGQSFTSNIQF

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-25

TTCCATAATCTTCAGCAGCAAACCTAAGCAACTAACTAATTCTTGCGCCGACACAG
AGTGTAAGAGATGGAAAAATTAATCTTCAGTGTGTAATATTGCTTTTGGAGTTTAT
TAACCACACAGCATAAAGTAGTAGCATCCTCATCGTGGCAACAAGCTCATGCAAC
ATTCTATGGTGGAAAGTGATGCCTCAGATACAATGGGTGGAGCATGTGGGTATGGA
AATCTATACTGATGGTTATGGAGTTAAAACAGCTGCATTGAGTACTGCTTTGTT
CAACGATGGCAAGGCATGTGGTGGTTGCTATCAGATAGTTTGTGATGCAACAAAA
GTGCCACAATGGTGCCTAAAGGGCACTGCCATCACAATTACTGCCACAAATTTCT
GTCCTCCAAACTATGCACTCCCTAATGACAATGGTGGTTGGTGTAACTCTCCAAG
GCCCACTTTGACATGTCTCAACCTGCCTTTGAGAAGATTGCCAAGTACAAGGCT
GGAATTGTTCTATTTTCTACAGAAGAGTTGGGTGCAAAGAAGCTGGAGGCATTA
GATTCACCATTAATGGAATAGACTACTTTGAGCTAGTGCTAATAAGCAACGTGGG
TGGGGCAGGAGATATCTCTAAAGTTTGGATCAAAGGGTCCAAAATGAACAACCTG
GGAAACCATGTCAAGAAATTGGGGCTCTAACTGGCAAAGCTTGAGCTACCTCAAT
GGCCAGAGCTTGTCAATTCAAAATCCAACCTCAGCAATGGAAGGATTCGCACAGCAT
ACAATGTGGCACCATCAAATTGGAACCTTTGGCCAGTCTTTCACCAGCAACATTCA
GTTCTAAATCTTGTGTAATTATGTAATCCATTTAAGTGCTAATCTGTTTGTTCAA
AGGAATGTTTTAAGGTTAGTGTGTGACTTCACATGGGCAAGCAATTTAGGTGTT
GTGAAGCTCATTGACTTGGCTGATTAATTTCTTTTGTTTTATGGTTGCTAAATG
AACTTGGGAAACACTTTTATGTTGTCCCAAAGATTGAAGATTGTGAAATATTTG
CTGATTCATGATTCCATGTATCCCTCTCTGCCATATCTTCTGGACAATGAAATAT
ACTTATTCAAATATTCCA

Nucleotide

>AipEXPA-25

TTCTATCCAAACAAAAGAAAATTTTCTCTTTATTTTCTTTCCATCCATTTTCTCTTA
ATCCAAACAACATACAAATAACTCTATTTTTCCTTCTATTTTTTTTTTTCATTCATTTT
CTTTCCTCCTATTTTCTTTCCTCCCATCTTCTTTTCTATATCCAAACAAAGCATTAA
AGAGAAAACTTTAAGTTGGGCCACATGCACTTTTGCATTTTCCATCTAATTTTCAT
CTTTGATCCAAACGAAGGAAAATCACATTTTCTATCCATTTTCTCCTTCCCTATTT
TCTTTCCGTCCAAATTCATCAAATCCAAACAAAGTGTAAGAAGTTAAACAACA
TAAATGATTTTTTCGAGTCACTGTGCAACTAACCAAGAAACCCGAGGCACCCGTTT
CTTTTCTCCATACTATTGAAAAATACATCTCCTAACACATGCTTTTGTGTTACACA
CTACCATAGAAAAATAATAAGCGTAGGGTTAAAGCAGAAAAAATTGAACATGG
AATATTTGAATAAGTATATTTTCATTGTCCAGAAGATATGGCAGAGAGGGATACAT
GGAATCATGGAATCAGCAAATATTTTCAATCTTCAATCTTTGGGACAACATAA
AAGTGTTCCTCAAGTTTCATTTAGCAACCATAAAAACAAAAGAAAATTAATCAGCC
AAGTCAATGAGCTTCACAACACCTAAAATTTGCTTGCCCATGTGAAGTCACACACT
AACCTTAAAACATTTCTTTGAACAAACAGATTAGCACTTAAAATGGATTACATAA
TTACACAAGATTTAGAAGTGAATGTTGCTGGTGAAAGACTGGCCAAAGTTCCAAT
TTGATGGTGCCACATTGTATGCTGTGCGAATCCTTCCATTGCTGAGTTGGATTTTG
AATGACAAGCTCTGGCCATTGAGGTAGCTCAAGCTTTGCCAGTTAGAGCCCCAAT
TTCTTGACATGGTTTCCAGTTGTTTCATTTTGGACCCTTTGATCCAAACTTTAGAG
ATATCTCCTGCCCCACCCACGTTGCTTATTAGCACTAGCTCAAAGTAGTCTATTCC
ATTAATGGTGAATCTAATGCCTCCAGTTCTTTTGCACCCAACCTCTGCATAGATGCA
GCATAAAATTTGCACTATACTAGTTAGCTTGCTGTGCTCATTAGTGTGACTACTTT
GAATAAGTTTAAGGATAAAAAGATAAACAATATTAATGCTCATTGTTGATATTAT
ACATCGATATCAGAAGATGCTAATGTATATTCCTAAATATAAAAATATAATGTTA
AACACATTAACCCATTGATACTCAACAATACTTAGCATATATAGAAAAATATTA
GTTAAAAACCTAATAGAAGAAAAAGATAAAGGTTTTATATGTAATATTATCCGAC
TTTAGTAATTTGCATTAAATTCATCAATAACTACCACATCTAAAAGATATAACA
ATTTTTTAGCTGAAAAATGTTATGTATATATTAATAATAGTCATTATAATAATCA
TTATGTATTTATATATAAATATATATATTTTATTTAACTTATTTTTATTGTATATAT
TATATTGAACATGTATTTTATACATGTAGCTGATTTGATGACTGATTTTTGACATA
CACTTGATATGATTGTAATAATTAATGCAAAATCTGGGTTCTGGAACAATTTTGTTT
CAATAGTAATGGTTAATATACCTTCTGTAGAAAATAGGAACAATTCAGCCTTGT
ACTTGGCAATCTTCTCAAAGGCAGGTTGAGACATGTCAAAGTGGGGCCTTGGAGG
ATTACACCAACCACCATTTGTCATTAGGGAGTGCATAGTTTGGAGGACAGAAATTT
GTGGCAGTAATTGTGATGGCAGTGCCCTTTAGGCACCATTGTGGCACTTTTGTTC
ATCACAAACTATCTGATAGCAACCACCACATGCCTTGCCATCGTTGAACAAAGCA
GTAATCAATGCAGCTGTTTTAACTCCATAACCATCAGTGTATAGATTTCCATACCC
ACATGCTCCACCTAGTAACAAAACAACACAAATTGAATTACTCATTCTTTTTATA
AGGTATTTATGCTCTTATTTTGTACTTTAATCCAATGTCCTCTAATAGTCTAATTCA
TGCATTGCCTAATATTAAGTTGTTATTTGTTAATGTTATGCACATCTAAAAAAA
ATGATTCTAATACCTATATTTTTCATTTCTCTATCTCAGTGTCTTGTCTCGTCATAT
TTTTGTTCTGTTTTTTTTTATAGTTCAATTAAGAATCTTGATCCCACATGCAGAGTAG
TTTTATGGCAGCTACAATCCCAAAACAATATAACTCACAAAAATACTATGGCCT
TTATAAATATAATCACCCACATTTCTAATCCATGAGACACCATAAACAAATGCAA
TCGTCTCAACAACGAAATTATCTTTCGTCAATTGCCACCAAAACAATCAATTGTTAT
GATGAATATCATGCAATTACAACACTAAACATATCATATAATAGCACCTAATTAC

ATGTATCTCGTTCTAAACACAGTTTAAAGACCAAATCTTATTAGATTATAATGTAA
AAATCAAACCTGAAAACATAAATAATAAAAATAAAATGTAGATGTATTATTATATTG
ATACCCATTGTATCTGAGGCATCACTTCCACCATAGAATGTTGCATGAGCTTGTTG
CCACGATGAGGATGCTACTACTTTATGCTGTGTGGTTAATAAACTCAAAAGCAAT
ATTACAACACTGAAGATTAATTTTTCCATCTCTTACACTCTGTGTCTGGCGCAAGAA
TTAGTTAGTTGCTTAGTTTGCTGCTGAAGATTATGGAAAGCTCCTAAGGGTTATTT
ATAAGTGTAGTTAACTAACTCATTTTCAAATATGGACTAAAATATGGAGTTGAC
CGAAAATTTCTCTTGTTATAAAATGAACCATTATGTGACACATCATAATATCGTAT
CATATGTGAATATTTAAGGAAACAAGCAATGGGGTGAGACAAGTGTGAAAAAT
ACTCAACCCTTCCAAATAATGTAACGTTGGGTAGTTGAATCTCAACACTGCCGTC
TTGGAAGTTGGCACATATAATCTATAATTAATATTCATCTTCAATAGACTAAAAA
ATAATCAATAAAACTAACTTTGTTAAATTTAGATGGTACGATATATGACACTAC
TATATATATAAAATATGTACTAATAACACTATATTAAAAAAAGGAAAAACCCTTT
CATGATTCGCTTTATTGTTAGGTTATAATTAAGAAAAAATCTAAAACCTGAAAAA
AATAAATTTAATTCGTACGAAATTTTAGTATAAATTTAAATA