

IDENTIFICATION

Species: *Anacardium occidentale*

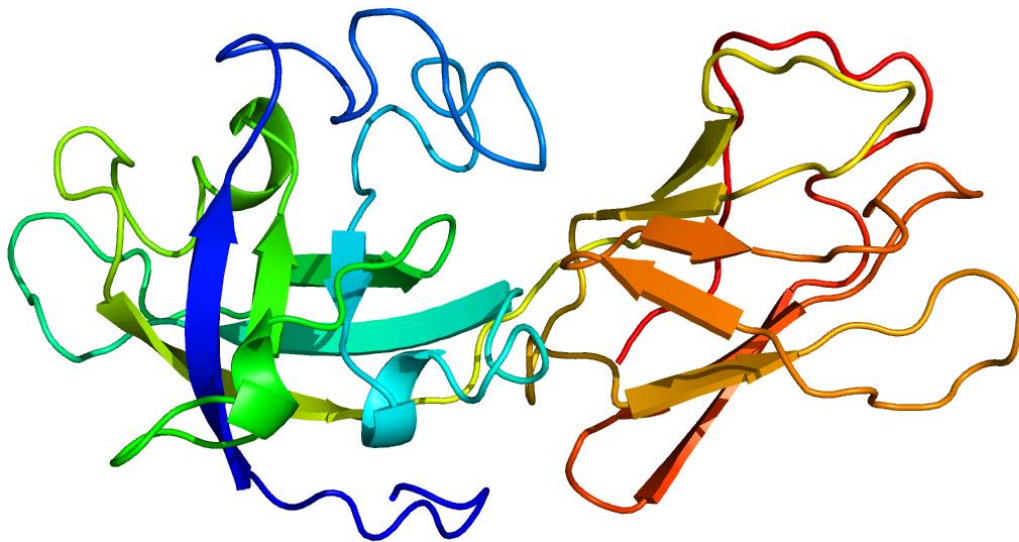
Locus: Anaoc.0018s0998

Gene Model: Anaoc.0018s0998.1.p

Description: AocEXPA-27

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

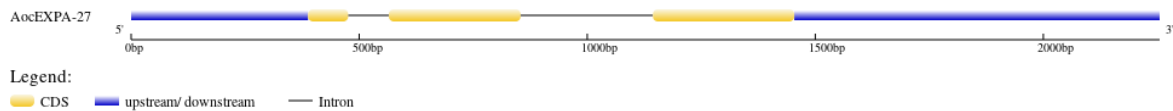
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale_v0_9

KEGG:-

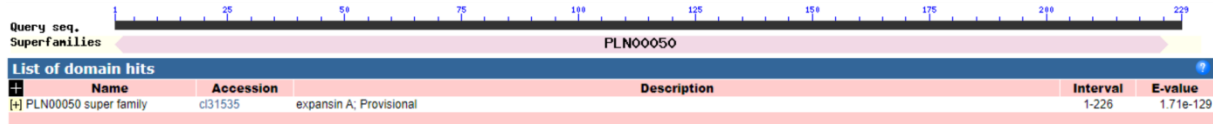
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AocEXPA-27

MISPVQAYYGGWINAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQGYGTNTAALSTALF
NNGLSGCACYQLMCVNDPQWCLPGSITVTATNFCPPGGWCDPPNHFDLSQPIFQHI
AQYRAGIVPVLRYRRARCRRNGGIRFTINGHSYFNLVLITNVGGAGDVHAVSIKGSRT
WQPMSRNWQNWQNSYLNQSLSFVVTSDGRSLVSYNVAPAGWSFGQTYTGIQ
YRY*

CDS (coding sequence)

>AocEXPA-27

ATGATCTCTCCTGTTCAAGGCTTATTATGGTGGTTGGATCAATGCTCATGCCACTTT
CTATGGAGGAGGTGATGCTTCTGGAACAATGGGTGGGGCTTGTGGATATGGGAAT
TTGTACAGTCAAGGTTATGGAACAAACACAGCAGCCCTAAGCACAGCATTGTTCA
ACAATGGGTTAAGCTGTGGAGCCTGCTATCAGCTCATGTGTGTTAATGACCCTCA
ATGGTGCCTTCTGGCTCCATTACTGTCACTGCCACCAACTTCTGCCCTCCTGGTG
GCTGGTGTGACCCTCCAAACCACCCTTTGATCTCTCTCAGCCCATCTTCCAACAT
ATTGCTCAATATAGAGCTGGAATTGTTCTGTACTCTACAGAAGGGCAAGATGCA
GGAGAAATGGAGGGATTAGGTTACAATAAATGGTCATTCATTTCAATTTGGT
TCTTATAACAAATGTTGGAGGAGCTGGAGATGTGCATGCTGTGTCAATCAAAGGT
TCAAGGACTAGATGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGCCAAACTGGCAGAGT
AACTCCTACCTTAATGGACAAAGCCTCTCTTTTGTGTAACCACAAGTGATGGTCG
CAGTTTGGTGTCTTACAATGTTGCCCTGCTGGCTGGTCTTTTGGCCAGACATATA
CAGGAATCCAATATCGGTATTAG

Nucleotide

>AocEXPA-27

TCCTACTGGACAACTCCAAAGCTTCTTACAACACTGCATGGTTTCTACAAAAACAC
AGTCCCAAAAACCACTTTACAGTTGCATGTTCCCAACAGCTCAAAGATGGTCAGG
TTTGATGTTGACTGCCCTCTATTTATTTCCCTAACCTTGCCGTTCTTCTTTCAT
TTCTCGAACAAACTGCTTTCCAGGTTCAATTTCTTGGAACACTTTTCTCTTCCTTTC
ATAAACTATTTCAAATCATAAAAAAAGAAAAACTACATGCTTTGTAGTCA
TTACTTATAGTGCTACTATTTTACTCATTGCTGAAGAGTTTACTTGAATGCTTTTGC
AGAAATTTAAACAAATGGCTCTGTTGGGGACCTTTTGGTGGGATTTCTCTCAATG

ATCTCTCCTGTT CAGGCTTATTATGGTGGTTGGATCAATGCTCATGCCACTTTCTA
TGGAGGAGGTGATGCTTCTGGAACAATGGGTATGTGAAGTTACGGAATTGTAATT
TTGCTTCAGAAACATAGTGAACAGTAATAATAAACACTATACGTGACTGTGTT
TTTGGTAGGTGGGGCTTGTGGATATGGGAATTTGTACAGTCAAGGTTATGGAACA
AACACAGCAGCCCTAAGCACAGCATTGTTCAACAATGGGTAAAGCTGTGGAGCCT
GCTATCAGCTCATGTGTGTTAATGACCCTCAATGGTGCCTTCCTGGCTCCATTACT
GTCACTGCCACCAACTTCTGCCCTCCTGGTGGCTGGTGTGACCCTCCAAACCACC
ACTTTGATCTCTCTCAGCCCATCTTCCAACATATTGCTCAATATAGAGCTGGAATT
GTTCTGTACTCTACAGAAGGTAACAGAATAACCTTTTGTAAAGGGTAGTGCTACA
CACAAAGTTCGAATCCCAACTGTCTGGCAGATCAACTATGACATGGATTGTAAAC
ATAATTGTCGGTAAAATACAAGAGGGTCAATGAAAAAATATTGAAAATAAGAG
TGTTGCTGTAAAATTTTAGGGATATATTAATATTTTACTTAACTAAAATT
TCTCAAGTAAGGAGGTCAATTGACCCCCTGAGTTTGTACGATAATTGATGTAAG
GCTAATTCTGGGGATTGGAATTGATTGTTTTGCAGGGCAAGATGCAGGAGAAATG
GAGGGATTAGGTTCAACAATAAATGGTCATTCATATTTCAATTTGGTTCTTATAACA
AATGTTGGAGGAGCTGGAGATGTGCATGCTGTGTCAATCAAAGGTTCAAGGACTA
GATGGCAACCAATGTCAAGAAATTGGGGCCAAAACCTGGCAGAGTAACTCCTACC
TTAATGGACAAAGCCTCTCTTTTGTGTGTAACCACAAGTGATGGTCGCAGTTTGGTG
TCTTACAATGTTGCCCTGCTGGCTGGTCTTTTGGCCAGACATATACAGGAATCCA
ATATCGGTATTAGCCATCAGATCAGATCCCTCTCACCTAAAGCTAAATTAAGCAA
CCCCCTTTTAGTATATATGTGGGGGTTCTGCAGTTCATGGCTGGCTTTGGATTAAT
GAAAAGCCTAAAGGCCTTGATATAACTGCTAGGTGGAGAAACAGAAGAGCTTTT
ACTGCCCTTTTGTGGCCAATACGTAACATAAGAAGTGCTTTTGTAAAGTAGCAAG
TAATAAGCTACTGCTGAATATGATCAAGTTTGTACCAGAGTTTTTTTCTAAGCCTA
TATCTTGGCCTTAATGCCATTATCTCAAGATTCATTCATGAACAATGTTCTTTAA
CATTGTTAACCACATGGGCATGAAACCAAGAAACTCGTTAACTTTGTCAGACCGA
GAATACACAAGTGGTTGCAATAGCACTATCAACAAGCTTCTGGGCCCTTTCTTCT
GCAGGCATTGAGCCCCAGCTCTTAAACACCAGTGTATGATATGTTATGTAGGTCC
TTTGCCTTAATGGTGAGGAGAAAATTTACATGTTCCCAACAAATTAAGCTTCAA
ATTAATTGTTTCATGTGTGAGCCAGCTGGTTGGGGAACCTGACATGCAGAGAATCCT
GGTGTCTAATCTATGATACGTCCAGTGTTGATGGGTCCATACATGTATGCTTCTTC
ATTAATTTTAGATACCTCAAGAGGTGAGATGATAGATGGATTTTCATTAGCCATG
GACTGTCAGGCATTACTAGTTAGAAAAATTTCTTTTGTGTTTGTGAAAAACTCCT
CTTTGGTTAAACCCACAAATACAATATTTACAAAATGAC