

IDENTIFICATION

Species: *Gossypium raimondii*

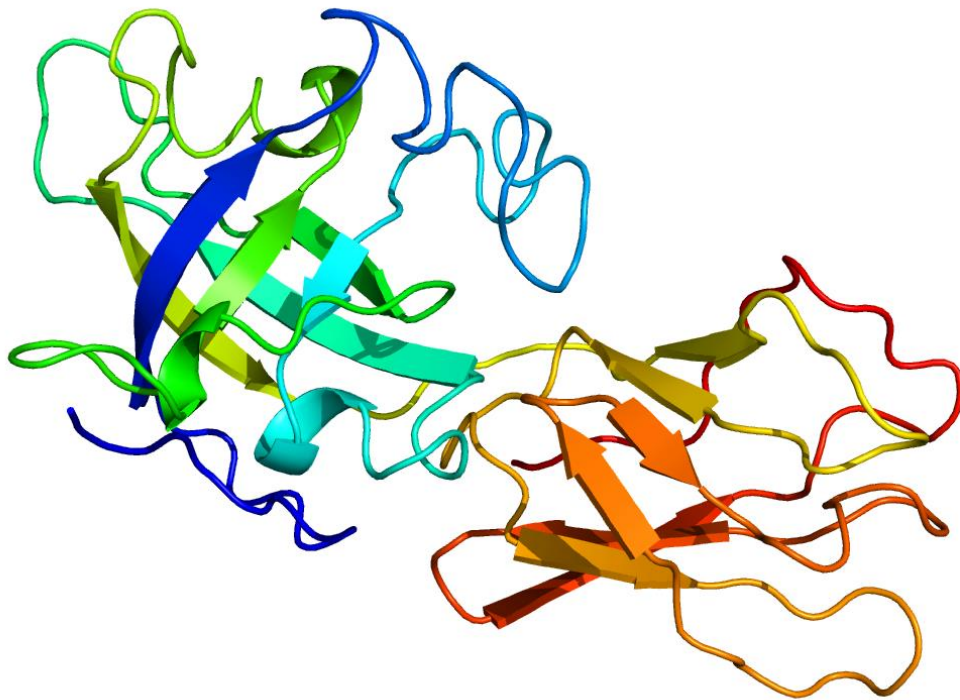
Locus: Gorai.001G239700

Gene Model: Gorai.001G239700.1

Description: GrEXPA-06

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

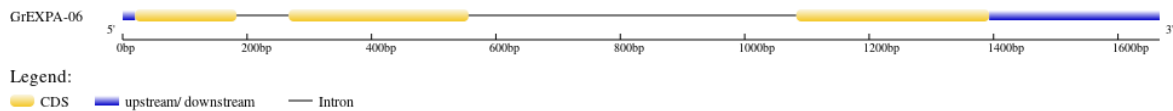
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Graimondii_v2_1

Kegg: <https://www.genome.jp/entry/T04129>

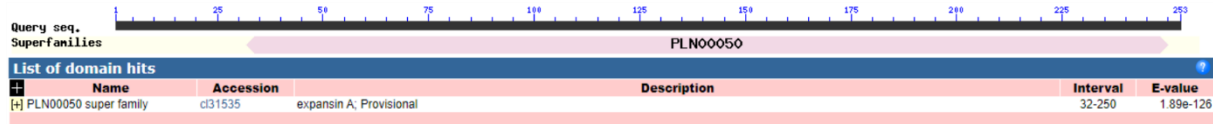
EXTERNAL RESOURCES

https://www.cottongen.org/species/Gossypium_raimondii/jgi_genome_221

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>GrEXPA-06

MGLLGFLVLLSSIIINFVHGFPRHNHGGHHGYLGPWINAHATFYGGGDASGTMGG
ACGYGNLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGACYEIRCVNDPQWCLPGSIVVTATN
FCPPGGWCDPPNHHFDLSQPIFLHIAQYKAGIVPVVYRRVWCKRRGRIRFTINGHSYF
NLVLVTNVGGAGDVRSVAIKGSRTKWQPMSRNWQONWQSN TYLNGQSLSFVVTTSS
DGrVVSYD VAPSSWSFGQTYIGRQFRS*

CDS (coding sequence)

>GrEXPA-06

ATGGGACTTCTGGGGTTTCTTGTAGTTTTATTGCTTTCATCAATCATCAACTTTGTA
CACGGTTTTCCAAGGCATAACCATGGCGGCCATCATGGATATCTTGACCCTGGA
TCAATGCTCATGCCACTTTCTATGGCGGTGGTGTATGCTTCTGGCACAATGGGTGG
AGCTTGTGGCTATGGAAACCTATACAGCCAAGGGTATGGTGTTAATACAGCAGCA
TTGAGCACTGCATTGTTTAAACAATGGCTTGAGCTGTGGTGCATGTTATGAGATCA
GGTGTGTTAATGACCCACAATGGTGTCTGCCTGGTTCATTGTGGTCCCGCCACT
AATTTCTGCCCTCCGGGAGGTTGGTGTGACCCTCCTAATCACCCTTTGATCTCTC
ACAACCTATTTTCCTACACATTGCCCAATACAAAGCTGGTATTGTTCTGTCTGTTT
ACAGAAGGGTGTGGTGTAAAGAGAAGAGGGAGAATAAGGTTCAATCAATGGAC
ATTCTTACTTCAATTTAGTGCTGGTGACCAATGTTGGAGGTGCGGGTGATGTTTCGT
TCTGTAGCCATTAAGGATCAAGGACCAATGGCAACCAATGTCCAGAACTGG
GGACAGAACTGGCAAAGCAATACATACCTTAATGGACAAAGTCTATCGTTTGTG
TCACAACCAGTGATGGCCGTGCTGTTGTCTCATAACGATGTTGCTCCATCTAGTTGG
TCTTTCGGACAACTTACATTGGTCGCCAGTTTAGGTCTTAA

Nucleotide

>GrEXPA-06

TTTGTATCATTTGCAGGGCAATGGGACTTCTGGGGTTTCTTGTAGTTTTATTGCTTT
CATCAATCATCAACTTTGTACACGGTTTTCCAAGGCATAACCATGGCGGCCATCA
TGGATATCTTGACCCTGGATCAATGCTCATGCCACTTTCTATGGCGGTGGTGTATG
CTTCTGGCACAATGGGTACTGAGCATAACATGAGACTCAAACCGAATTCAAGAA
ACACATAGTGACATGAATTTACATTTTCGGTTTTGTGTTGTACAGGTGGAGCTTGT
GGCTATGGAAACCTATACAGCCAAGGGTATGGTGTTAATACAGCAGCATTGAGC
ACTGCATTGTTTAAACAATGGCTTGAGCTGTGGTGCATGTTATGAGATCAGGTGTG
TTAATGACCCACAATGGTGTCTGCCTGGTTCATTGTGGTCCCGCCACTAATTTTC

TGCCCTCCGGGAGGTTGGTGTGACCCTCCTAATCACCACCTTTGATCTCTCACAACC
TATTTTCCTACACATTGCCCAATACAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTCGTTTACAGAA
GGTAACAAAAAATATGGTGAAAGTACAATGGGGCTCGTATATTAGGAGTTAGAT
TGTATTTTGTTTACTTTACTTAAAAAATAGATAAATTAATCTCTATACATCATATC
AAAGAACAACACTAGTCATTCTGTAAAAAATTCATTCATTTTTATTGTTTAAAATTG
ATCCATGTATATCAGCATGAGATACATGTGGCACATCATGTGTCACTGCCTGGTC
ATTCTATTAATAACGTTAATTTTTTACAATACAAATGAAAAAAAATTTAACAGA
AATGACAAATTTGCTCTTTAATTTAATATAAATGATCCAACCTTATCTATTTTTTTG
AATAGAGTAAATAAAAATACAATCTAATTCTTACTATATATAACGGTCTCCATAAT
ACTTTTACCTATAAAAATCCTATTCTCCTTTATATCAATGTCTTGAATCCGGTCCA
AGTGATAATGGAAATTAGATCTCCGTACCTTGACACATTACATTTTAACGAGGTA
TTGATTAATAATGTTTATCGTTTTTTTTTCAGGGTGTGGTGTAAAGAGAAGAGGGAGA
ATAAGGTTCACAATCAATGGACATTCTTACTTCAATTTAGTGCTGGTGACCAATGT
TGGAGGTGCGGGTGATGTTTCGTTCTGTAGCCATTAAAGGATCAAGGACCAAATGG
CAACCAATGTCCAGAACTGGGGACAGAACTGGCAAAGCAATACATACCTTAAT
GGACAAAGTCTATCGTTTGTGTCACAACCAGTGATGGCCGTGCTGTTGTCTCATA
CGATGTTGCTCCATCTAGTTGGTCTTTCGGACAACTTACATTGGTCGCCAGTTTA
GGTCTTAACAACCAACTTAACCTTTCTCTCCTCTGGGGATTTATAATATAGTGGAA
TATAGTGATTGTTATTTTGGGGGTTATTCCAGCCATTGATTTTTGAACCTATGGTTTT
ATCTTTAGACTTTTTAAGATGGTAAGATTTTGTCCAAGGGGGAAAACCTACTATTT
GCGTATTGATTACATCAAATTATTATGAATATAAAAGCTTTGTTTTTTCAAGCCAA
AATGTACTTTTGCATGTGAAAAGCTACTGCAATGTTTTCTTTGGTTGCTGTTTTAC
C