

IDENTIFICATION

Species: *Ricinus communis*

Locus: 27940.m000328

Gene Model: 27940.m000328

Description: RcEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

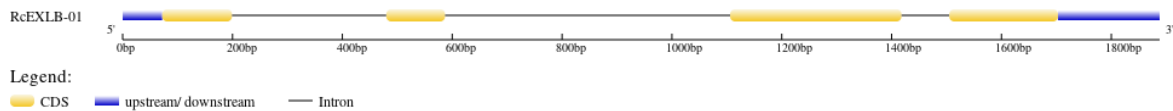
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis_v0_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01087>

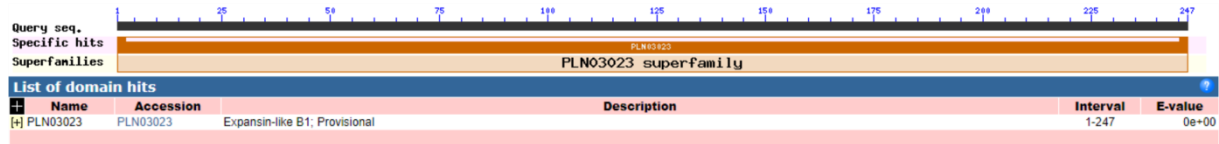
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>RcEXLB-01

MGLIYGYCMFCLVLLPAIAYSQDFTGSRATYYGSPDCLGTPTGACGFGEYGRVND
ANVAGVSRLYKNGTGCGGCYQVRCKAPQICSDDGVNVVVTDYGEGDKTDFILSSRA
YARLARPNMAAELFAYGVVDIEYRRISCRYAGYNVMFKVHEHSRFP EYLAIVVLYQ
GGQNDILA VQIWQEDCKEWIGMRKAYGAVWDMPNPPKGYITLRFQVSGSAGLTWV
QAKNAIPSEWKVGVAYDSAIQLT

CDS (coding sequence)

>RcEXLB-01

ATGGGGCTTATATATGGTTATTGCATGTTTTGTTTGGTGGTACTACTGCCAGCAAT
AGCTTACTCTCAAGACTTTACTGGTTCAAGGGCTACTTATTATGGTAGCCCTGATT
GCTTAGGGACACCAACTGGAGCTTGTGGCTTTGGAGAATATGGAAGAACAGTCA
ATGATGCTAATGTGGCTGGGGTTTCCAGGTTGTACAAGAATGGCACTGGCTGTGG
TGGTTGCTATCAGGTTAGGTGTAAAGCACCACAAATTTGCAGTGACGATGGAGTG
AACGTAGTGGTGACCGACTATGGCGAAGGAGACAAGACAGATTTTCATCCTTAGCT
CACGCGCCTATGCAAGACTAGCACGCCCAACATGGCCGCCGAGCTGTTTGCATA
TGGCGTCGTTGATATTGAGTACCGGAGGATCTCTTGCCGATACGCAGGTTACAAT
GTCATGTTCAAGGTTTCATGAGCATAGCAGGTTCCCGGAGTACTTGGCCATTGTTG
TTCTGTACCAAGGTGGCCAGAATGATATCTTAGCTGTTCAAATATGGCAGGAAGA
TTGCAAGGAATGGATAGGCATGAGAAAGGCATATGGAGCAGTTTGGGACATGCC
TAATCCACCAAAGGGTTACATAACATTGAGGTTCCAAGTGAGTGGGAGTGCAGG
GCTAACATGGGTCCAGGCTAAAAATGCTATCCCAAGTGAATGGAAAGTTGGAGT
GGCTTATGATTCTGCCATTCAGCTCACTTAA

Nucleotide

>RcEXLB-01

AATTCTCAATTTCAAATCTTCTTCTGCCTATACTTGGTTTTGTTTGCAACTAAACT
TCTTCGCTCTAAGCTATGGGGCTTATATATGGTTATTGCATGTTTTGTTTGGTGGT
ACTACTGCCAGCAATAGCTTACTCTCAAGACTTTACTGGTTCAAGGGCTACTTATT
ATGGTAGCCCTGATTGCTTAGGGACACCAAGTATGTGTCTCATCTTCTTTATCCAT
ATATGAAAAGATACATGTATAATTTTATTTAGTCATGAAAATACATATGTTTCTA
ATATGTTACATGGTCATGTTGTATTATTAATTTTCTACATAGACATATAGGAAGA
GGAAAATACTAGAATTGGGTAGTCGTCTAAATATTAAGAGATATGCATTTGCTAT

CGGTTTAAATTAACCTTGTGAATATAGTCACTTTTTTTTTCTGGGTCTATCATGATGC
TAATTTGGTTTCATATATGCACACTTGTTTTAGCTGGAGCTTGTGGCTTTGGAGAA
TATGGAAGAACAGTCAATGATGCTAATGTGGCTGGGGTTCCAGGTTGTACAAGA
ATGGCACTGGCTGTGGTGGTTGCTATCAGGTTTACAAAATAAAAACCCAATTTCC
TCTTTCAGTTTTTTTTTTTTCTTTCTAATTATCCCTTTTGTGTTTTATCCACAATTA
TATGAATTATACGAGTCACTATTTAGTGAAAGTGACTGTATATACCTTGAGAGTA
GTACACACCATTAAGGATGAAGAAATTGGATCCATTTAATCATTACAATGTTGAA
AACTAGCAACCCAACAATTTAAAATCTTCTATTATTGCTTAGCGGACCGCTCTTTC
CTTAAAATTTATGATATGATTTGATAAGTAATCATTTTTTAAAATAGTCTCATTCTA
TCACTAACTATTAGGCTAAGGCACCAGTACGTTAGGCGCAAACATTTATATAAAA
CTATTAAGTGTTCTGAAAATAATGTAACTTAATGGAATGTAGTAGTAGCTTGCA
TGCACTTCTCTAATATTTTGAAGTTAAAATAATTATTTAAGTCAGCACTAACAAAT
AAACAAATTGATAACGATGGTTAATTTATTGTAAATTAATGATTCAGGTTAGGTG
TAAAGCACCACAAATTTGCAGTGACGATGGAGTGAACGTAGTGGTGACCGACTA
TGGCGAAGGAGACAAGACAGATTTTCATCCTTAGCTCACGCGCCTATGCAAGACTA
GCACGCCCAACATGGCCGCCGAGCTGTTTGCATATGGCGTCGTTGATATTGAGT
ACCGGAGGATCTCTTGCCGATACGCAGGTTACAATGTCATGTTCAAGGTTTCATGA
GCATAGCAGGTTCCCGGAGTACTTGGCCATTGTTGTTCTGTACCAAGGTGGCCAG
AATGATATCTTAGCTGTTCAAATATGGCAGGTAACACTACATGTCTCCAAATCCCTA
ACTACCAGGAAAATGTTATTATTACAAAGCATGAAACTGATGGGTTGTGATGTTG
AATGCAGGAAGATTGCAAGGAATGGATAGGCATGAGAAAGGCATATGGAGCAGT
TTGGGACATGCCTAATCCACCAAAGGGTTACATAACATTGAGGTTCCAAGTGAGT
GGGAGTGCAGGGCTAACATGGGTCCAGGCTAAAATGCTATCCCAAGTGAATGG
AAAGTTGGAGTGGCTTATGATTCTGCCATTCAGCTCACTTAAAAAGTGCCAAGTA
GATCTTAATTAGTAGGAGTTGAGCTATATATACATATAAAGTTATTTATTGTTGGC
ATTAGTTTGTATGTCTTTAAATGCTTTGCATTGTAAGCCAATAAACACATTATCAT
GTAACTTGGAAATAATGTAAAAGTTCCTATATGAATAAACTTGCATACTTTTAGTT
TATA