

IDENTIFICATION

Species: *Populus deltoides*

Locus: Podel.01G251700

Gene Model: Podel.01G251700.1.p

Description: PdEXPA-03

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

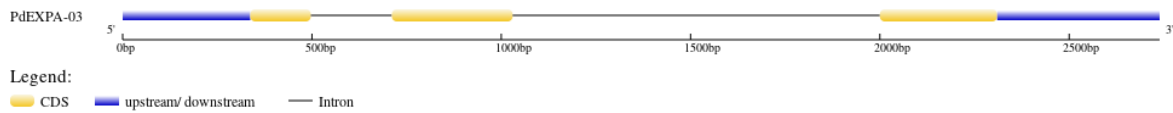
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/PdeltoidesWV94_v2_1

KEGG:-

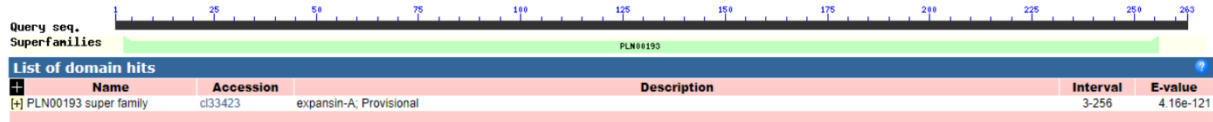
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PdEXPA-03

MAMSSLICIATSLIIMSSLWMAEARIPGVYSGGAWQNAHATFYGGADASGTMGGA
CGYGNLYSQGYGVSTAALSTALFNGLTCGSCFEIKCASDPRWCHSGSPSIFITATNF
CPPNYALPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVAYRRVPCRKRGGIRF
TINGFRYFNLVLISNVAGAGDIVQVSVKGSKTGWMSMSRNWQNWQSNVAVLVGQS
LSFRVRASDRRSSTSWNIVPAHWQFGQFTTGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>PdEXPA-03

ATGGCAATGAGCAGTTTAATTTGCATTGCCACTAGTCTACTAATAATAATGTCATC
GTTGTGGATGGCTGAAGCTAGAATTCCTGGTGTTTACTCTGGGGGTGCTTGGCAA
AATGCTCATGCAACCTTCTATGGCGGTGCTGATGCCTCTGGCACAATGGGAGGAG
CTTGTGGATATGGAAATCTGTACAGCCAAGGGTATGGAGTGAGCACTGCAGCACT
AAGCACAGCACTGTTCAACAACGGGTTAACTTGCAGTTCTTGCTTCGAGATAAAA
TGTGCAAGTGACCCAAGATGGTGCCACTCAGGCAGCCCATCTATTTTCATCACTG
CAACCAACTTTTGCCTCCAAATTATGCACTTCTAGTGACAATGGAGGCTGGTG
CAACCCTCCTCGCCCCACTTTGACCTTGCCATGCCATGTTCCCTAAGATCGCCG
AGTATCGTGCCGGTATCGTCCCTGTTGCCTACCGCCGAGTGCCATGCCGCAAGAG
GGGAGGCATAAGGTTCAACATAAACGGATTCCGTTACTTCAACTTGGTATTGATC
AGCAACGTGGCGGGTGCAGGGGATATAGTGCAGGTGAGCGTGAAGGGTTCAAAG
ACTGGTTGGATGAGCATGAGCCGTAACCTGGGGCCAAAACCTGGCAGTCAAACGCT
GTTCTGGTTGGCCAGTCACTCTCCTTCAAGGTCAGGGCCAGTGACAGACGCTCCT
CCACTTCATGGAACATTGTCCAGCCCCTGGCAGTTTGGTCAAACCTTTTACCGGC
AAGAATTTCAAGGTCTAA

Nucleotide

>PdEXPA-03

CAATCAATTTGGAGATGTGCCTCTAAATTTAAGGTAGACCCACACATATCCGTG
TGAGGTTTGAGAATTAACATAATTTATTAATACTGTCATAAAGAAAGTGGGAG
ATGGAGTTAATTTTTTTCTCATTTTTGTTACACATGAAGAAGTAGAATGTGTTC
AATGATGTTTGTGTTGAAAATTCAAATTGTGCCCTTCTAGCCTACCTACCTCCT
CTTTAAGTAGTCAGCTCCCATGCTCTGAGCCCTTACATCCCCATTAACCTCTCTCT

CTCTCTCTCTCGCTGACTCAAGTTGAAGGGTGTGCTTTAGTAGTATTGCGGAGAG
AAAATGGCAATGAGCAGTTTAATTTGCATTGCCACTAGTCTACTAATAATAATGT
CATCGTTGTGGATGGCTGAAGCTAGAATTCCTGGTGTACTCTGGGGGTGCTTG
GCAAAATGCTCATGCAACCTTCTATGGCGGTGCTGATGCCTCTGGCACAATGGGT
GTGTTCTTTATCTTACTTACTTCTCACATTAATAAACCTGATCAACCCAGCTAG
GTCTAATCTTAATTAAGCTTTTAGTGTTTTGTTTTATTTTAGACGTAAAGTATCACA
GTGTGCGACTTTGGCCTGAAAAATGAAGCTACCTAAGTAGACGAACAGTCTTAGC
TGTTAATCTATCTAATTAGACTAATTAATGTGTATATGCTTACAGGAGGAGCTTGT
GGATATGGAAATCTGTACAGCCAAGGGTATGGAGTGAGCACTGCAGCACTAAGC
ACAGCACTGTTCAACAACGGGTAACTTGCGGTCTTGCTTCGAGATAAAATGTG
CAAGTGACCCAAGATGGTGCCACTCAGGCAGCCCATCTATTTTCATCACTGCAAC
CAACTTTTGCCCTCCAAATTATGCACTTCCTAGTGACAATGGAGGCTGGTGCAAC
CCTCCTCGCCCCACTTTGACCTTGCCATGCCCATGTTCTTAAGATCGCCGAGTA
TCGTGCCGGTATCGTCCCTGTTGCCTACCGCCGGTCAGTGCCTTTTTAACTCCCTG
TTTTTGCCCTGTTTATATGCCTCTGGACTTCAACTGTTTTAGTTAGCACAAGGAAA
ATATGAGTACATCTTTATTTTCTCTAACTTTTACATGACATCGATTTTAGGTTTTAG
ATTTTGATAAACACTAAAATTTGGATTCATTCCTCAGTGAATATGTGCTAATTTTA
CCATTTAGTTTAGTTGCAATTTCTCTTCAAGCTACAACAGAAGGTCAAGAGTTAG
AAATTAGTGCGTGCCTGCTTAGCTAGCTAGCAGGAAAAGCTGTCGTACCAAG
AAGAGATGGGTTTGTAATGTAATTTGGCCCAACAACAACCTTTATTGCCCAAAA
CAATAGCTCTCCGAAGCCATGAAAATACACTCGAGATGTTGGCAAAAGAACACC
ACGATAACTGCGAAGAACACCAATTTTTGGTGGGTCTTTATCGCTTTTGCCAACC
AATTGTCTGCCTTTGAATTCTTGTTGCGATCCAAAAATGTGTTAACTGAAGTCACC
AAACAGTTTATGCAGGGGCTGATGTTATTAAGTGATGTCGGTGGGTTAGTTAGAC
CTCAACAACCTTCTCGTGTCTTTACTTATTTAGCCACGGGACCGTTTATGGTCA
CCTCTGGTGATTTGTTTTTACTCTTATAGCCCCGCTTTAGTACTAAAAATACCAAT
GCACCCTTGCCCTATTCGTTTCTACAGAAAGGTGGATAGCCGTATCTTATTACAGC
ACTTTTTCTTAGTGGATCAAAACAGTATTTTAGGGGGAAAATCAAAACATTTTCGT
CAAACACAAAACCCAAAAATCACACTTCCCAAAATCCTAGACTTTCATGTTTATG
TTTTTTTTTTAATGCCTAGGTTAGGCTTGCTGTTTTTCTGACTGCCCTTTTTGTAA
ATTTGTTTTATTGTCGCAATTACGGAAGTGTCCTAACGGCATTGAACCTACTATGC
AGAGTGCCATGCCGCAAGAGGGGAGGCATAAGGTTACCATAAACGGATTCCGT
TACTTCAACTTGGTATTGATCAGCAACGTGGCGGGTGCAGGGGATATAGTGCAGG
TGAGCGTGAAGGGTTCAAAGACTGGTTGGATGAGCATGAGCCGTAACCTGGGGCC
AAAACCTGGCAGTCAAACGCTGTTCTGGTTGGCCAGTCACTCTCCTTCAGGGTCAG
GGCCAGTGACAGACGCTCCTCCACTTCATGGAACATTGTCCCAGCCCCTGGCAG
TTTGGTCAAACCTTTACCGGCAAGAATTTAGGGTCTAATTCCTTTTATATTCATT
TAACCAGAAAAAACTTAAAAAGTTGAAGTTTTTTTTTTGGCGGGCCTTTTTTTGA
CATGGGGATGTTTGTGGGGGATGTTAAAGTAAAAGTGGGGTTATAATTAGGGAC
TCCAAAAGGGATTGTGAGATTTGGGGGACTTTTTTTTTTACTTTCAGATTGGTGTG
TGTTTCTCAACGTTGAAGTTGTGGTAACGGGGGAGGGAGACTGAGGCTGAGGCG
GCTGCACAAAAGATGGTTAGCCCCTGTCTAGATTAAAGTACTGGTACCATAGTA
ATGTATGATGATGATATTATACATTCTGAGAAGTGTATTGTAGTAGTTTATAGCAC
TTGATCAATGGCAAGAATTTAGTTTGCTTTTCCATGTTTCATCGTTCGTATGTTT
CAAAATCATATTTTCTCTTGACC